

This Page Is Inserted by IFW Operations
and is not a part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- BLACK BORDERS
- TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- FADED TEXT
- ILLEGIBLE TEXT
- SKEWED/SLANTED IMAGES
- COLORED PHOTOS
- BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS
- GRAY SCALE DOCUMENTS

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

**As rescanning documents *will not* correct images,
please do not report the images to the
Image Problem Mailbox.**

THIS PAGE BLANK (USPTO)

SEARCH REQUEST FORM

Requestor's Name: _____ Serial Number: _____
Date: _____ Phone: _____ Art Unit: _____

Search Topic:

Please write a detailed statement of search topic. Describe specifically as possible the subject matter to be searched. Define any terms that may have a special meaning. Give examples or relevant citations, authors keywords, etc., if known. For sequences, please attach a copy of the sequence. You may include a copy of the broadest and/or most relevant claim(s).

STAFF USE ONLY

Date completed: 06-10-03
Searcher: Beverly C 4994
Terminal time: 20
Elapsed time: _____
CPU time: _____
Total time: 23
Number of Searches: _____
Number of Databases: 1

Search Site

_____ STIC
_____ CM-1
_____ Pre-S

Type of Search

_____ N.A. Sequence
_____ A.A. Sequence
_____ Structure
_____ Bibliographic

Vendors

_____ IG Suite
_____ STN
_____ Dialog
_____ APS
_____ Geninfo
_____ SDC
_____ DARC/Questel
✓ _____ Other CGN

BEST AVAILABLE COPY

GenCore version 5.1.6
Copyright (c) 1993 - 2003 CompuGen Ltd.

OM nucleic - nucleic search, using SW model

Run on: June 7, 2003, 09:44:39 ; Search time 111 Seconds
(without alignments)
4881.963 Million cell updates/sec

Title: US-09-886-942-8

Perfect score: 1767

Sequence: 1 ataccgagcgtatccgcga.....ttctcgcagtcacgtccct 1767

Scoring table: IDENTITY NUC

Gapop 10.0, Gapext 1.0

Searched: 441362 seqs, 153338381 residues

Total number of hits satisfying chosen parameters: 882724

Minimum DB seq length: 0

Maximum DB seq length: 200000000

Post-processing: Minimum Match 0%

Maximum Match 100%

Listing first 45 summaries

Database : Issued Patents NA:
1: /cgn2_6/ptodata/2/ina/5A.COMB.seq:
2: /cgn2_6/ptodata/2/ina/5B.COMB.seq:
3: /cgn2_6/ptodata/2/ina/6A.COMB.seq:
4: /cgn2_6/ptodata/2/ina/6B.COMB.seq:
5: /cgn2_6/ptodata/2/ina/PTUS.COMB.seq:
6: /cgn2_6/ptodata/2/ina/backfile1.seq:

Pred. No. is the number of results predicted by chance to have a score greater than or equal to the score of the result being printed, and is derived by analysis of the total score distribution.

SUMMARIES

Result No.	Score	Query Match	Length	ID	Description
1	1695.2	95.9	13354	1 US-08-276-852-156	Sequence 156, App
2	1695.2	95.9	13354	1 US-08-276-852-170	Sequence 170, App
3	1695.2	95.9	13354	1 US-08-899-575-156	Sequence 156, App
4	1695.2	95.9	13354	1 US-08-899-575-170	Sequence 170, App
5	1695.2	95.9	13354	1 US-08-899-575-156	Sequence 156, App
6	1695.2	95.9	13354	1 US-08-899-575-170	Sequence 170, App
7	1695.2	95.9	13354	1 PCT-US95-08743-156	Sequence 156, App
8	1695.2	95.9	13354	5 PCT-US95-08743-170	Sequence 170, App
9	1620.6	91.7	4326	4 US-08-760-615-7	Sequence 7, Appl
10	1581	89.5	4328	3 US-08-345-913-1	Sequence 1, Appl
11	1581	89.5	4328	3 US-08-818-562-1	Sequence 1, Appl
12	1570.2	88.9	4328	4 US-09-628-445-1	Sequence 1, Appl
13	1570.2	88.9	4328	4 US-09-173-053-2	Sequence 2, Appl
14	1560.8	88.3	5676	2 US-08-663-998-3	Sequence 3, Appl
15	1560.8	88.3	5676	2 US-08-663-998-4	Sequence 4, Appl
16	1560.8	88.3	5845	4 US-09-173-053-1	Sequence 1, Appl
17	1560.8	88.3	5900	2 US-08-663-998-1	Sequence 2, Appl
18	1560.8	88.3	5952	2 US-08-663-998-2	Sequence 3, Appl
19	1556.2	88.1	4315	4 US-09-173-053-7	Sequence 7, Appl
20	1553	87.9	5215	4 US-09-173-053-8	Sequence 8, Appl
21	1548.2	87.6	9600	4 US-09-620-925-1	Sequence 1, Appl
22	1548.2	87.6	9600	4 US-09-620-925-2	Sequence 2, Appl
23	1547.8	87.6	4328	4 US-09-132-808-1	Sequence 1, Appl
24	1547.8	87.6	4328	4 US-08-810-647-2	Sequence 2, Appl
25	1547.8	87.6	4328	4 US-09-620-925-2	Sequence 3, Appl
26	1547.8	87.6	4818	4 US-08-910-647-4	Sequence 4, Appl
27	1547.8	87.6	4818	4 US-09-620-925-4	Sequence 5, Appl

28	1547.8	87.6	5107	4 US-08-910-647-3	Sequence 3, Appl
29	1547.8	87.6	5107	4 US-09-620-925-3	Sequence 4, Appl
30	1547.8	87.6	7015	4 US-09-770-315-1	Sequence 1, Appl
31	1480.2	83.8	7731	4 US-09-301-593-29	Sequence 29, Appl
32	1480.2	83.8	7731	4 US-09-301-593-42	Sequence 42, Appl
33	1480.2	83.8	8068	4 US-09-301-593-27	Sequence 27, Appl
34	1480.2	83.8	8068	4 US-09-301-593-35	Sequence 35, Appl
35	1393	78.8	3125	2 US-08-037-816A-13	Sequence 13, Appl
36	1393	78.8	3125	2 US-08-530-146-13	Sequence 13, Appl
37	897.2	50.8	930	1 US-08-029-022-2	Sequence 2, Appl
38	897.2	50.8	930	1 US-08-029-022-4	Sequence 4, Appl
39	897.2	50.8	930	1 US-08-246-376-2	Sequence 2, Appl
40	897.2	50.8	930	1 US-08-246-376-4	Sequence 4, Appl
41	897.2	50.8	930	2 US-07-972-135-2	Sequence 2, Appl
42	897.2	50.8	930	2 US-07-972-135-4	Sequence 4, Appl
43	897.2	50.8	930	3 US-08-256-004-2	Sequence 2, Appl
44	897.2	50.8	930	4 US-09-006-841-2	Sequence 4, Appl
45	897.2	50.8	930	4 US-09-006-841-4	Sequence 4, Appl

ALIGNMENTS

RESULT 1
US-08-276-852-156
Sequence 156, Application US/08276852
Patent No. 5652138
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Barton, Dennis R
APPLICANT: Barbas, Carlos F
APPLICANT: Leinert, Richard A
TITLE OF INVENTION: HUMAN NEUTRALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES
NUMBER OF SEQUENCES: 170
CORRESPONDENCE ADDRESS:
ADDRESSER: The Scripps Research Institute, Office of
ADDRESSER: Patent Counsel
STREET: 10666 No. 5652138th Torrey Pines Road, Suite 220,
CITY: La Jolla
STATE: CA
COUNTRY: USA
ZIP: 92037
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: PC floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.25
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/276,852
FILING DATE: 18-JUL-1994
CLASSIFICATION: 514
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/178,302
FILING DATE: 30-SEP-1993
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 07/954,148
FILING DATE: 30-SEP-1992
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Filting, Thomas
REGISTRATION NUMBER: 34,163
REFERENCE/DOCKET NUMBER: SCRL452P
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: 619-554-2937
TELEFAX: 619-554-6312
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 156:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 13254 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: double
TOPOLOGY: circular
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-276-852-156

Query Match 95.9%; Score 1695.2; DB 1; Length 13254;
 Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0;
 Matches 1729; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

1 ATATGAGGCTATATGCGCCGATAGAGGCGACATACAGCCGCGACATGCGCCATATGATG 60
 Db ATATGAGGCTATATGCGCCGATAGAGGCGACATACAGCCGCGACATGCGCCATATG 667
 608 ATATGAGGCTATATGCGCCGATAGAGGCGACATACAGCCGCGACATGCGCCATATG 667
 61 ATCTATACATGATGATATATGCGCAATAGCCATATATTCATGCTATATATAGCATTA 120
 Db ATCTATACATGATGATATATGCGCAATAGCCATATATTCATGCTATATATAGCATTA 727
 668 ATCTATACATGATGATATATGCGCAATAGCCATATATTCATGCTATATATAGCATTA 727
 121 ATCAATATGCTATGCTATGCGCATATGATGCTGATCCGATCATATATATGATCATTTAT 180
 Db ATCAATATGCTATGCTATGCGCATATGATGCTGATCCGATCATATATATGATCATTTAT 787
 728 ATCAATATGCTATGCTATGCGCATATGATGCTGATCCGATCATATATATGATCATTTAT 787
 181 ATTTGGCCCATGTCATATAGCCGCAATGTTGATGATGATATATGCTATATATG 240
 Db ATTTGGCCCATGTCATATAGCCGCAATGTTGATGATGATATATGCTATATATG 847
 788 ATTTGGCCCATGTCATATAGCCGCAATGTTGATGATGATATATGCTATATATG 847
 241 TATATCAATATGAGGCGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 300
 Db TATATCAATATGAGGCGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 907
 848 TATATCAATATGAGGCGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 907
 301 AGCGTAAATGCGCCGCTGCTGATGACCGCCCAAGACCGCCGCGCATGATGATGATGATG 360
 Db AGCGTAAATGCGCCGCTGCTGATGACCGCCCAAGACCGCCGCGCATGATGATGATGATG 967
 908 AGCGTAAATGCGCCGCTGCTGATGACCGCCCAAGACCGCCGCGCATGATGATGATGATG 967
 361 AGCTATGTTCCCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 420
 Db AGCTATGTTCCCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1027
 968 AGCTATGTTCCCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1027
 421 TTAAGGTAATGCGCCGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 480
 Db TTAAGGTAATGCGCCGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1087
 1028 TTAAGGTAATGCGCCGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1087
 481 ATTGAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 540
 Db ATTGAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1147
 1088 ATTGAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1147
 541 GACTTTCCTACTGTTGGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 600
 Db GACTTTCCTACTGTTGGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1207
 1148 GACTTTCCTACTGTTGGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1207
 601 TTTTGGCAGTACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 660
 Db TTTTGGCAGTACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1267
 1208 TTTTGGCAGTACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1267
 661 CACCCCATTTGACGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 720
 Db CACCCCATTTGACGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1327
 1268 CACCCCATTTGACGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1327
 721 TGTCTGTAATACCCCGCCCGCTTGTGACGCAATGCGGCGGTATGCGGTGATGCGGTG 780
 Db TGTCTGTAATACCCCGCCCGCTTGTGACGCAATGCGGCGGTATGCGGTGATGCGGTG 1387
 1328 TGTCTGTAATACCCCGCCCGCTTGTGACGCAATGCGGCGGTATGCGGTGATGCGGTG 1387
 781 TATATAGAGAGAGCTGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 840
 Db TATATAGAGAGAGCTGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1447
 1388 TATATAGAGAGAGCTGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1447
 841 TTTTGAATCTGATAGAGACACCGCGGACCGATCCAGCTCCGCGCGCGGAGACGCTGAT 900
 Db TTTTGAATCTGATAGAGACACCGCGGACCGATCCAGCTCCGCGCGCGGAGACGCTGAT 1507
 1448 TTTTGAATCTGATAGAGACACCGCGGACCGATCCAGCTCCGCGCGCGGAGACGCTGAT 1507
 901 GGAAGCGGAGATCCCGCGCGGACCAAGTACGTAAGTACCGCTATAGATCTATAGGCAAC 960
 Db GGAAGCGGAGATCCCGCGCGGACCAAGTACGTAAGTACCGCTATAGATCTATAGGCAAC 1567
 1508 GGAAGCGGAGATCCCGCGCGGACCAAGTACGTAAGTACCGCTATAGATCTATAGGCAAC 1567
 961 ACCCGTTGGGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1019
 Db ACCCGTTGGGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1627
 1568 ACCCGTTGGGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1627

1020 TTCTTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1079
 Db TTCTTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1687
 1628 TTCTTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1687
 1080 TGACGATCCCGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1139
 Db TGACGATCCCGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1747
 1688 TGACGATCCCGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1747
 1140 CACAATATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1199
 Db CACAATATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1807
 1748 CACAATATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1807
 1200 TGTATTTTAAAGAGAGGAGGCTCCATTTATTTTAAATTCATATACATACACACGCC 1259
 Db TGTATTTTAAAGAGAGGAGGCTCCATTTATTTTAAATTCATATACATACACACGCC 1867
 1808 TGTATTTTAAAGAGAGGAGGCTCCATTTATTTTAAATTCATATACATACACACGCC 1867
 1260 GTCCCGCGGCTCCGAGGATTTTATTTTAAATTCATATACATACATACATACATCCGGT 1319
 Db GTCCCGCGGCTCCGAGGATTTTATTTTAAATTCATATACATACATACATACATCCGGT 1927
 1868 GTCCCGCGGCTCCGAGGATTTTATTTTAAATTCATATACATACATACATACATCCGGT 1927
 1320 AGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCGGTAGCGGAGGCTTCCACATCCGAGGCTGAG 1379
 Db AGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCGGTAGCGGAGGCTTCCACATCCGAGGCTGAG 1987
 1928 AGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCGGTAGCGGAGGCTTCCACATCCGAGGCTGAG 1987
 1380 TCCCATGCTCCGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1439
 Db TCCCATGCTCCGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2047
 1988 TCCCATGCTCCGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2047
 1440 AGACTTATGAGACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1499
 Db AGACTTATGAGACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2107
 2048 AGACTTATGAGACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2107
 1500 GGGTATGCTGTAATATGAGTGGAGATGAGGCTGCGACGCGTGAAGAGAGAGAGAGAG 1559
 Db GGGTATGCTGTAATATGAGTGGAGATGAGGCTGCGACGCGTGAAGAGAGAGAGAGAG 2167
 2108 GGGTATGCTGTAATATGAGTGGAGATGAGGCTGCGACGCGTGAAGAGAGAGAGAGAG 2167
 1560 CTTAAGGACGAGGAG 1619
 Db CTTAAGGACGAGGAG 2227
 2168 CTTAAGGACGAGGAG 2227
 1620 GAGGTATCTCCCGTGGCTGCTGTTAACGCTGAGAGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 1679
 Db GAGGTATCTCCCGTGGCTGCTGTTAACGCTGAGAGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 2287
 2228 GAGGTATCTCCCGTGGCTGCTGTTAACGCTGAGAGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 2287
 1680 GTTGTGCGCGCGGCGGACAGACATATATGCTGACAGATGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 1739
 Db GTTGTGCGCGCGGCGGACAGACATATATGCTGACAGATGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 2347
 2288 GTTGTGCGCGCGGCGGACAGACATATATGCTGACAGATGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 2347
 1740 ATGGGTCTTTCTGAGTACACGCTCTT 1767
 Db ATGGGTCTTTCTGAGTACACGCTCTT 2375

RESULT 2
 US-08-276-852-170/c
 ; Sequence 170, Application US/08276852
 ; Patent No. 5652138
 ; GENERAL INFORMATION:
 ; APPLICANT: Burton, Dennis R
 ; APPLICANT: Barbas, Carlos F
 ; APPLICANT: Lerner, Richard A
 ; TITLE OF INVENTION: HUMAN NEUTRALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES
 ; TITLE OF INVENTION: TO HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS
 ; NUMBER OF SEQUENCES: 170
 ; CORRESPONDENCE ADDRESS:
 ; ADDRESSEE: The Scripps Research Institute, Office of
 ; ADDRESSEE: Patent Counsel
 ; STREET: 10666 No. 5652138th Torrey Pines Road, Suite 220,
 ; STREET: Mail Drop TPC8
 ; CITY: La Jolla
 ; STATE: CA
 ; COUNTRY: USA
 ; ZIP: 92037

COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patent In Release #1.0, Version #1.25
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/276,852
FILING DATE: 18-JUL-1994
CLASSIFICATION: 514
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/178,302
FILING DATE: 30-SEP-1993
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 07/954,148
FILING DATE: 30-SEP-1992
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Fitting, Thomas
REGISTRATION NUMBER: 34,163
REFERENCE/DOCKET NUMBER: SCRI452P
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: 619-554-2937
TELEFAX: 619-554-6312
INFORMATION FOR SEQ. ID NO.: 170:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 13254 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: double
TOPOLOGY: circular
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-276-852-170

Query Match 95.9%; Score 1695.2; DB 1; Length 13254;
Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0;
Matches 1729; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

1 ATATAGGCTATATATGCGCATAGAGCGCATCAAGCCGCAATGCGCAATGCAATATCG 60
12647 ATATAGGCTATATGCGCATAGAGCGCATCAAGCTGCGCAATGCGCAATGCAATCG 12588
61 ATCTATACCTGAATCAATATTTGGCAATTTAGCATTTATTTGATTTATTTAGATTA 120
12587 ATCTATACCTGAATCAATATTTGGCAATTTAGCATTTATTTGATTTATTTAGATTA 12528
121 ATCAATATTTGCTATTTGGCATTTGCAATAGTTGATTCGCTATCATTAATTTGACATTTAT 180
12527 ATCAATATTTGCTATTTGGCATTTGCAATAGTTGATTTGATTCATTAATTTGACATTTAT 12468
181 ATGGCCCATGTCATATATGACCGCCGATTTGACATTTGATTTATTTGATTTATTTG 240
12467 ATGGCCCATGTCATATATGACCGCCGATTTGACATTTGATTTATTTGATTTATTTG 12408
241 TAAATCAATTAAGGGGTCATTAATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTG 300
12407 TAAATCAATTAAGGGGTCATTAATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTG 12348
301 ACGGTAATATGCGCCGCTGTCGACCGCCCAAGACCCCGCCGCTTGAATGATTAATG 360
12347 ACGGTAATATGCGCCGCTGTCGACCGCCCAAGACCCCGCCGCTTGAATGATTAATG 12288
361 ACGTATGTTCCATATGTAAGCCCAATAGGAGCTTTTCATTTGACGTCATATGAGTAT 420
12287 ACGTATGTTCCATATGTAAGCCCAATAGGAGCTTTTCATTTGACGTCATATGAGTAT 12228
421 TTAAGGTAAATGCGCCCATTTGGCATTAATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTG 480
12227 TTAAGGTAAATGCGCCCATTTGGCATTAATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTG 12168
481 ATTGAAGTCATATGAGGTAATGAGCCGCTGCGCATTTATGCCAGTACATGACCTTAACG 540
12167 ATTGAAGTCATATGAGGTAATGAGCCGCTGCGCATTTATGCCAGTACATGACCTTAACG 12108
541 GACTTTCTACTTTGGCAGTACATTTAGTATTTAGTATTTAGTATTTAGTATTTAGTATTT 600

12107 GACTTTCTACTTTGGCAGTACATTTAGTATTTAGTATTTAGTATTTAGTATTTAGTATTT 12048
601 TTTTGGCAGTACATCAATATGAGCGGTGATAGCGGTTTGAATCAAGCGGATTTTCAAGTCTC 660
12047 TTTTGGCAGTACATCAATATGAGCGGTGATAGCGGTTTGAATCAAGCGGATTTTCAAGTCTC 11988
661 CACCCCATTTGACGTCATATGAGGATTTGTTTGGCACCAAAATCAAGCGGATTTTCAAAA 720
11987 CACCCCATTTGACGTCATATGAGGATTTGTTTGGCACCAAAATCAAGCGGATTTTCAAAA 11928
721 TGTGCTATTAACCCCGCCGCTTGAACGCAATATGAGCGGTGATAGCGGATTTTCAAGTCTC 780
11927 TGTGCTATTAACCCCGCCGCTTGAACGCAATATGAGCGGTGATAGCGGATTTTCAAGTCTC 11868
781 TATATTAAGCAGAGCTCGTTTATGTAACGTCAGATCGCTGGAAGACGTCATCAAGTCTGT 840
11867 TATATTAAGCAGAGCTCGTTTATGTAACGTCAGATCGCTGGAAGACGTCATCAAGTCTGT 11808
841 TTTGACCTTCATATAGAGACACCGGAGCCGATTCAGCTTCGCGCGCGGGAACGCTGCATT 900
11807 TTTGACCTTCATATAGAGACACCGGAGCCGATTCAGCTTCGCGCGCGGGAACGCTGCATT 11748
901 GGAAGCGGATTTCCCGCTGCAAGATGATAGCTTAATGCTTAATGATCTTAATGATGAC 960
11747 GGAAGCGGATTTCCCGCTGCAAGATGATAGCTTAATGATCTTAATGATGATGATGATG 11688
961 ACCCCTTGGGCTCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1019
11687 ACCCCTTGGGCTCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 11628
1020 TTTCTTATGCTATATAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1079
11627 TTTCTTATGCTATATAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 11568
1080 TGACCACTCCCTATTTGTAAGATGATCTTTCATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT 1139
11567 TGACCACTCCCTATTTGTAAGATGATCTTTCATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT 11508
1140 CACAATATCTCTATTTGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1199
11507 CACAATATCTCTATTTGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 11448
1200 TGTATTTTAAAGATGAGGTCCTCAATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT 1259
11447 TGTATTTTAAAGATGAGGTCCTCAATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT 11388
1260 GTCCCCCGTCCGAGATTTTATTTAAACATTTGCTGAGATCTTCAAGCGGATTTCTGG 1319
11387 GTCCCCCGTCCGAGATTTTATTTAAACATTTGCTGAGATCTTCAAGCGGATTTCTGG 11328
1320 ACGTGTCCGAGCATGAGGCTCTTCCGCTGAGGCTTCCCATTCGAGCGCTGG 1379
11327 ACGTGTCCGAGCATGAGGCTCTTCCGCTGAGGCTTCCCATTCGAGCGCTGG 11288
1380 TCCCATGCTCCAGGATCTCATGTCGTCGAGCTCTTCTGCTCCCAAGTGAAGGCTC 1439
11267 TCCCATGCTCCAGGATCTCATGTCGTCGAGCTCTTCTGCTCCCAAGTGAAGGCTC 11208
1440 AGACTTAAGCAGACGATGCTCCACACACACGATGTCGCGCACAGGCGCTGCGGTA 1499
11207 AGACTTAAGCAGACGATGCTCCACACACACGATGTCGCGCACAGGCGCTGCGGTA 11148
1500 GGGTATGTCGTAAGATGAGTGGGATGAGGCTCCGACCGCGAGGAGAGAGAGAGAGAG 1559
11147 GGGTATGTCGTAAGATGAGTGGGATGAGGCTCCGACCGCGAGGAGAGAGAGAGAGAGAG 11088
1560 CTTAAGGACGCGCAG 1619
11087 CTTAAGGACGCGCAG 11028
1620 GAGGTAATCTCCGCTTGGCTGCTTTAAACGTTGAGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 1679
11027 GAGGTAATCTCCGCTTGGCTGCTTTAAACGTTGAGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 10968

QY 1680 GTTGTGCGCGCGCGCCACACATATAGCTGACAGACTAACGCGCTTCTTCC 1739
DB 10967 GTTGTGCGCGCGCGCGCCACACATATAGCTGACAGACTAACGCGCTTCTTCC 10908
QY 1740 ATGGGCTCTTTTCTGCGAGTACCGCTCTT 1767
DB 10907 ATGGGCTCTTTTCTGCGAGTACCGCTCTT 10880

RESULT 3

US-08-859-575-156
Sequence 156, Application US/08899575
Patent No. 5770440
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Burton, Dennis R
APPLICANT: Barbas, Carlos P
APPLICANT: Lemmer, Richard A
TITLE OF INVENTION: HUMAN NEUTRALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES
TITLE OF INVENTION: TO HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS
NUMBER OF SEQUENCES: 170
CORRESPONDENCE ADDRESSES:
ADDRESSES: The Scripps Research Institute, Office of
ADDRESSES: Patent Counsel
STREET: 10666 No. 5770440th Torrey Pines Road, Suite 220,
CITY: La Jolla
STATE: CA
COUNTRY: USA
ZIP: 92037
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.25
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/899,575
FILING DATE: 24-JUL-1997
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/276,852
FILING DATE: 18-JUL-1994
APPLICATION NUMBER: US 08/178,302
FILING DATE: 30-SEP-1993
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 07/954,148
FILING DATE: 30-SEP-1992
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Fitting, Thomas
REGISTRATION NUMBER: 34,163
REFERENCE/DOCKET NUMBER: SCRI452P
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: 619-554-2937
TELEFAX: 619-554-6312
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 156:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 13254 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: double
TOPOLOGY: circular
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-899-575-156

Query Match 95.9%; Score 1695.2; DB 1; Length 13254;

Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

Matches 1/29; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

QY 1 ATATGAGCTATATATCCGATAGAGCGACATCAAGCCGCAATGCGCATATGCG 60
DB 608 ATATGAGCTATATATCCGATAGAGCGACATCAAGCTGCGCATATGCGCATATGCG 667
QY 61 ATCTATACATTGATCATATATTTGGCAATTAGCCATATTTATTCATTGGTTATATAGCATAA 120

DB 668 ATCTATACATTGATCATATATTTGGCAATTAGCCATATTTATTCATTGGTTATATAGCATAA 727
QY 121 ATCAATATATGGCTATATGGCCATATGATAGTGTATCCGATATCATATATATATATAT 180
DB 728 ATCAATATATGGCTATATGGCCATATGATAGTGTATCCGATATCATATATATATATAT 787
QY 181 ATGGCCCATATGTCATATATGACCGCATATGATATATATATATATATATATATATAT 240
DB 788 ATGGCTCATATGTCATATATGACCGCATATGATATATATATATATATATATATATAT 847
QY 241 TATATCAATATAGCGGCTATATGATATATAGCCATATATATATATATATATATATAT 300
DB 848 TATATCAATATAGCGGCTATATGATATATAGCCATATATATATATATATATATATAT 907
QY 301 ACGGTAAATATGCGCCCTGCTGATACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGATCAATATAT 360
DB 908 ACGGTAAATATGCGCCCTGCTGATACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGATCAATATAT 967
QY 361 ACGTATGTTCCCATATATATGACCGCAATATAGGACTTTCATATGACGTCATATGATAT 420
DB 968 ACGTATGTTCCCATATATATGACCGCAATATAGGACTTTCATATGACGTCATATGATAT 1027
QY 421 TTAAGTAAATATGCGCCCTGCTGATACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGATCAATATAT 480
DB 1028 TTAAGTAAATATGCGCCCTGCTGATACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGATCAATATAT 1087
QY 481 ATGACGTCATATATGACGTCATATATGCGCCCTGCTGATACCGCCCAACGACCCCGCCCAT 540
DB 1088 ATGACGTCATATATGACGTCATATATGCGCCCTGCTGATACCGCCCAACGACCCCGCCCAT 1147
QY 541 GACTTCTTACTTGGCAGTACATCTAGATATATATATATATATATATATATATATATATAT 600
DB 1148 GACTTCTTACTTGGCAGTACATCTAGATATATATATATATATATATATATATATATATAT 1207
QY 601 TTTTGGCAGTACATATATATGCGGCTGATATATATATATATATATATATATATATATAT 660
DB 1208 TTTTGGCAGTACATATATATGCGGCTGATATATATATATATATATATATATATATATAT 1267
QY 661 CACCCCATATGACGTCATATATGCGGCTGATATATATATATATATATATATATATATATAT 720
DB 1268 CACCCCATATGACGTCATATATGCGGCTGATATATATATATATATATATATATATATATAT 1327
QY 721 TGTGCTAT 780
DB 1328 TGTGCTAT 1387
QY 781 TAT 840
DB 1388 TAT 1447
QY 841 TTTGACCTTCAT 900
DB 1448 TTTGACCTTCAT 1507
QY 901 GGAACGCGGAT 960
DB 1508 GGAACGCGGAT 1567
QY 961 ACCCTTTTGGC-TCTTAT 1019
DB 1568 ACCCTTTTGGC-TCTTAT 1627
QY 1020 TTTCTTAT 1079
DB 1628 TTTCTTAT 1687
QY 1080 TGACCACTTCCCTAT 1139
DB 1688 TGACCACTTCCCTAT 1747
QY 1140 CACAAT 1199
DB 1748 CACAAT 1807

QY 1200 TGTATTTTACAGATGGGGTCCATTATTTATTAACAATTACATATACAAACGCC 1259
DB 1808 TGTATTTTACAGATGGGGTCTCATTTATTTATTAACAATTACATATACAAACGCC 1867
QY 1260 GTCCCCCGTCCCGAGTTTATTAACAATAGCTGGGATCTCCACCGGAATCTCGGGT 1319
DB 1868 GTCCCCCGTCCCGAGTTTATTAACAATAGCTGGGATCTCCACCGGAATCTCGGGT 1927
QY 1340 AGCTGTCCGACATAGGGCTCTTCCGGTAGCGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGG 1379
DB 1928 AGCTGTCCGACATAGGGCTCTTCCGGTAGCGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGG 1987
QY 1380 TCCCATGCTCCGACGACTCATGTGCTCGGACGCTCTTGTCTCCCAACATGAGAGCC 1439
DB 1988 TCCCATGCTCCGACGACTCATGTGCTCGGACGCTCTTGTCTCCCAACATGAGAGCC 2047
QY 1440 AGACTTAGGACAGACGATGCCACACACACATCATGTGTCGACCAAGGCCGTGGCGTA 1499
DB 2048 AGACTTAGGACAGACGATGCCACACACACATCATGTGTCGACCAAGGCCGTGGCGTA 2107
QY 1500 GGGTATGTCTGAAATAGAGTCCGAGATCGGGCTCCGACCGCTGACGACATGGAAGA 1559
DB 2108 GGGTATGTCTGAAATAGAGTCCGAGATCGGGCTCCGACCGCTGACGACATGGAAGA 2167
QY 1560 CTTAAGGACGCGGACAGAAAGACGACGACGCTGATGTTGTGTTCTGATTAAGTCA 1619
DB 2168 CTTAAGGACGCGGACAGAAAGATGACGACGCTGATGTTGTGTTCTGATTAAGTCA 2227
QY 1620 GAGGTAATCTCCCGTGGCTGCTTTAACGCTGAGAGGCGCATGTGCTGACAGTACTC 1679
DB 2228 GAGGTAATCTCCCGTGGCTGCTTTAACGCTGAGAGGCGCATGTGCTGACAGTACTC 2287
QY 1680 GTTGTCGCGCGGCGGACACAGACATATAGCTGACAGCTAAGAGGACTGTTCTTCC 1739
DB 2288 GTTGTCGCGCGGCGGACACAGACATATAGCTGACAGCTAAGAGGACTGTTCTTCC 2347
QY 1740 ATGGGCTCTTTCTGACATCACCCTCTT 1767
DB 2348 ATGGGCTCTTTCTGACATCACCCTCTT 2375

* RESULT 4
US-08-899-575-170/c

; Sequence 170, Application US/08899575

; Patent No. 5770440

; GENERAL INFORMATION:

; APPLICANT: Burton, Dennis R

; APPLICANT: Barbas, Carlos F

; APPLICANT: Lerner, Richard A

; TITLE OF INVENTION: HUMAN NEURALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES

; TITLE OF INVENTION: TO HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS

; NUMBER OF SEQUENCES: 170

; CORRESPONDENCE ADDRESS:

; ADDRESSEE: The Scripps Research Institute, Office of

; STREET: 10666 No. 5770440th Torrey Pines Road, Suite 220,

; STREET: Mail Drop TPC8

; CITY: La Jolla

; STATE: CA

; COUNTRY: USA

; ZIP: 92037

; COMPUTER READABLE FORM:

; MEDIUM TYPE: Floppy disk

; OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS

; SOFTWARE: Patentin Release #1.0, Version #1.25

; CURRENT APPLICATION DATA:

; APPLICATION NUMBER: US/08/899,575

; FILING DATE: 24-JUL-1997

; CLASSIFICATION: 435

; PRIOR APPLICATION DATA:

; APPLICATION NUMBER: US 08/276,852

; FILING DATE: 18-JUL-1994
; APPLICATION NUMBER: US 08/178,302
; FILING DATE: 30-SEP-1993
; PRIOR APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US 07/954,148
; FILING DATE: 30-SEP-1992
; ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
; NAME: Fitting, Thomas
; REGISTRATION NUMBER: 34,163
; REFERENCE/DOCKET NUMBER: SCR1452P
; TELECOMMUNICATION INFORMATION:
; TELEPHONE: 619-554-2937
; TELEFAX: 619-554-6312
; INFORMATION FOR SEQ ID NO: 170:
; SEQUENCE CHARACTERISTICS:
; LENGTH: 13254 base pairs
; TYPE: nucleic acid
; STRANDEDNESS: double
; TOPOLOGY: circular
; MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-899-575-170

Query Match 95.9%; Score 1695.2; DB 1; Length 13254;
Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0;
Matches 1729; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

QY 1 ATATGAGGCTATATCGCCGATAGAGGCGACATCAAGCCGGACATGGCCAAATGCAATATCG 60
DB 12647 ATATGAGGCTATATCGCCGATAGAGGCGACATCAAGCTGGACATGGCCAAATGCAATATCG 12588
QY 61 ATATATACATTAATCAATATATGCGCAATTAAGCCATATATATCATTTGTTATATATAGCATTA 120
DB 12587 ATATATACATTAATCAATATATGCGCAATTAAGCCATATATATCATTTGTTATATATAGCATTA 12528
QY 121 ATCAATATGCTATGTCGCTATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGAT 180
DB 12527 ATCAATATGCTATGTCGCTATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGAT 12468
QY 181 ATGGCCCATGTCGCAATATGACCGCCATGTCGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 240
DB 12467 ATGGCCCATGTCGCAATATGACCGCCATGTCGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 12408
QY 241 TAATCAATTAAGGCGGCTATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 300
DB 12407 TAATCAATTAAGGCGGCTATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 12348
QY 301 ACGTAAATGCGCGGCTGCTGACGCGCCCAACGACCCCGCCCATTAAGCTCAATATG 360
DB 12347 ACGTAAATGCGCGGCTGCTGACGCGCCCAACGACCCCGCCCATTAAGCTCAATATG 12288
QY 361 ACGTATGTCCTCATGTAAGCGCAATAGGACCTTGCATGACGTCATAGGCTGAGATG 420
DB 12287 ACGTATGTCCTCATGTAAGCGCAATAGGACCTTGCATGACGTCATAGGCTGAGATG 12228
QY 421 TTACGTAACATGCGCCATCTTGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 480
DB 12227 TTACGTAACATGCGCCATCTTGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 12168
QY 481 ATTGACGTCATGACGCTAAATGCGCGGCTGCGCATTAATGCGGACATGACCTTAAGG 540
DB 12167 ATTGACGTCATGACGCTAAATGCGCGGCTGCGCATTAATGCGGACATGACCTTAAGG 12108
QY 541 GACTTCTACTGTCGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 600
DB 12107 GACTTCTACTGTCGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 12048
QY 601 TTTTGGCAGTACATCAATGCGCGTGTATAGGCGTTTGAAGCTGACGCGGGAATTTCCAAAGTCTC 660
DB 12047 TTTTGGCAGTACATCAATGCGCGTGTATAGGCGTTTGAAGCTGACGCGGGAATTTCCAAAGTCTC 11988
QY 661 CACCCCATTAAGCTCAATGAGGAGTTTGTGTCGACCAAAATCAAGGGAATTTCCAAA 720
DB 11987 CACCCCATTAAGCTCAATGAGGAGTTTGTGTCGACCAAAATCAAGGGAATTTCCAAA 11928

OY	721	IGTGTAAATTAACCCCGCCCGCTTGAACCAATGGGGGGTGAAGGGGTGAAGCTGGAGGCTC	780
Db	11927	TGTGTAAACAACTCCGCCCACTTAACCGCAATGGGCGGTGAGCGTGAAGGAGCTC	11868
OY	781	TATATTAAGCAGAGCTCGTTTAGTGAACCGTCAGATCGCTTGAGAGCGCCATCCACGCTGT	840
Db	11867	TATATTAAGCAAGCTCGTTTAGTGAACCGTCAGATCGCTTGAGAGCGCCATCCACGCTGT	11808
OY	841	TTTGAACCTCCATPAAGACACCGGGACCGATCCAGCCTCGGGGGCGGGAAACGGTGCATT	900
Db	11807	TTTGAACCTCCATPAAGAGCACCGGGACCGATCCAGCCTCGGGGGCGGGAAACGGTGCATT	11748
OY	901	GGAACGGCGAGATTCCCGCGTGGCCAAAGTAGAGTAAGTACCGCTATATAGACTTATATAGCAC	960
Db	11747	GGAACGGCGAGATTCCCGCGTGGCCAAAGTAGAGTAAGTACCGCTATATATAGAGGCC	11688
OY	961	ACCCCTTTGGC-TCTTATGCAATGCTATATACGTGTTTTGGCTGGGGCCTATACACCCCGCC	1019
Db	11687	ACCCCTTTGGCTTCTTATGCAATGCTATATACGTGTTTTGGCTGGGGCTCTATACACCCCGCC	11628
OY	1020	TTCCCTTAATGCAATAGAGTGAATGATATAGCTTAAGCCTATAGCGGGGTTATATGCACTTAT	1079
Db	11627	TTCCCTCATGTTATAGGTGATGATGATATACCTTAAGCTTAAGGTGGGTTATTGACCACTTAT	11568
OY	1080	TGACCACTCCCTTAATGGTGAAGATTAATCTTTCATTAATCAATCAATACATAGGCTCTTTGC	1139
Db	11567	TGACCACTCCCTTAATGGTGAAGATTAATCTTTCATTAATCAATCAATACATAGGCTCTTTGC	11508
OY	1140	CACAACTATCTTATATGGCTATATAGCAATACCTGTCCTTGAGAGACTGACACGGAGATC	1199
Db	11507	CACAACTCTCTTATATGGCTATATAGCAATACATGCTCTTGAGAGACTGACACGGAGATC	11448
OY	1200	TGTAATTTTACAGAGATGGGGTCCCATTTATTTATTAACAATTCACATATACAAACAGCC	1259
Db	11447	TGTAATTTTACAGATGGGGTCTCATTTATTTATTAACAATTCACATATACAAACAGCC	11388
OY	1260	GTCCCCCGTGGCGGAGTTTTTATTAACAATAGGTGGATCTTCCACACGGGAATCTTGGGT	1319
Db	11387	GTCCCCAGTGGCGGAGTTTTTATTAACAATACGTGGAGATCTCCACACGGGAATCTTGGGT	11328
OY	1320	ACGTGTTCCGGACATYGGGCTCTTCCGGTAGAGCGTGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGG	1379
Db	11327	ACGTGTTCCGGACATYGGGCTCTTCCGGTAGAGCGGCGAGCTTCTACATCCGAGCCCTGC	11268
OY	1380	TCCCATGCTTCCAGCGACTATAGTGCCTCGGACGCTCTTGCTCCCAACGTGAGGCT	1439
Db	11267	TCCCATGCTTCCAGCGACTATAGTGCCTCGGAGGCTCTTGCTCTCAACGTGAGGCTC	11208
OY	1440	AGACTTAAAGGACACACAGATGSCCAGACACACAGTAGTGGCGGACAAAGGCGGTGGGTGA	1499
Db	11207	AGACTTAAAGGACACACAGATGSCCAGACACACAGTAGTGGCGGACAAAGGCGGTGGGTGA	11148
OY	1500	GGGTATGTGTCGAAAAATGAGCTCGAGATCGGGCTTCGACCGCTGACGCAATGGAAGA	1559
Db	11147	GGGTATGTGTCGAAAAATGAGCTCGGGAGCGGGCTTTCGACCGCTGACCGCAATTTGGAGAGA	11088
OY	1560	CTTAAAGCAGCGGAGAAAGAACGACGAGAGCTGATGTTGTGTCTTGATTAAGGTGA	1619
Db	11087	CTTAAAGCAGCGGAGAAAGAACGAGGACGAGCTGATGTTGTGTCTTGATTAAGGTGA	11028
OY	1620	GAGGTAATCTCCGTTGGCGTGTCTGTTAAACGTTGAGAGGGCAGTGTAGTCTGACAGACTC	1679
Db	11027	GAGGTAATCTCCGTTGGCGTGTCTGTTAAACGTTGAGAGGGCAGTGTATCTGACAGACTC	10968
OY	1680	GTTGCTGCGCGCGCGCCACCAAGACATATATAGCTGACAGCTTAAACGAGACTGTTCTTTCC	1739
Db	10967	GTTGCTGCGCGCGCGCCACCAAGACATATATAGCTGACAGACTTAAACAGACTGTTCTTTCC	10908
OY	1740	ATGGGTCCTTTCTGACGTAACCGTCCTT	1767
Db	10907	ATGGGTCCTTTCTGACGTAACCGTCCTT	10880

```

US-08-899-575-156
; Sequence 156, Application US/08899575
; Patent No. 5804440
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Burton, Dennis R
; APPLICANT: Barbas, Carlos F
; APPLICANT: Ierner, Richard A
; TITLE OF INVENTION: HUMAN NEUTRALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES
; TITLE OF INVENTION: TO HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS
; NUMBER OF SEQUENCES: 170
; CORRESPONDENCE ADDRESS:
; ADDRESS: The Scripps Research Institute, Office of
; ADDRESS: Patent Counsel
; STREET: 10666 No. 5804440th Torrey Pines Road, Suite 220,
; STREET: Mail Drop TPC8
; CITY: La Jolla
; STATE: CA
; COUNTRY: USA
; ZIP: 92037
; COMPUTER READABLE FORM:
; MEDIUM TYPE: Floppy disk
; COMPUTER: IBM PC compatible
; OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
; SOFTWARE: Patent in Release #1.0, Version #1.25
; CURRENT APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US/08/899,575
; FILING DATE: 24-JUL-1997
; CLASSIFICATION:
; PRIOR APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US 08/276,852
; FILING DATE: 18-JUL-1994
; APPLICATION NUMBER: US 08/178,302
; FILING DATE: 30-SEP-1993
; PRIOR APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US 07/954,148
; FILING DATE: 30-SEP-1992
; ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
; NAME: Fitting, Thomas
; REGISTRATION NUMBER: 34,163
; REFERENCE/DOCKET NUMBER: SCR1452P
; TELECOMMUNICATION INFORMATION:
; TELEPHONE: 619-554-2937
; TELEFAX: 619-554-6312
; INFORMATION FOR SEQ ID NO: 156:
; SEQUENCE CHARACTERISTICS:
; LENGTH: 13254 base pairs
; TYPE: nucleic acid
; STRANDEDNESS: double
; TOPOLOGY: circular
; MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-899-575-156

Query Match          95.9%; Score 1695.2; DB 1; Length 13254;
Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0;
Matches 1729; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1

01 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
02 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
03 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
04 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
05 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
06 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
07 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
08 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
09 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
10 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
11 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
12 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
13 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
14 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
15 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
16 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
17 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
18 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
19 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
20 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
21 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
22 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
23 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
24 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
25 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
26 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
27 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
28 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
29 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
30 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
31 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
32 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
33 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
34 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
35 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
36 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
37 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
38 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
39 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
40 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
41 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
42 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
43 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
44 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
45 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
46 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
47 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
48 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
49 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
50 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
51 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
52 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
53 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
54 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
55 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
56 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
57 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
58 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
59 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
60 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
61 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
62 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
63 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
64 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
65 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
66 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
67 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
68 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
69 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
70 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
71 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
72 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
73 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
74 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
75 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
76 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
77 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
78 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
79 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
80 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
81 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
82 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
83 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
84 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
85 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
86 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
87 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
88 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
89 ATATGAGGCTATTCGCCGATGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGCATTATG 60
90 ATATGAGGCTATTCGCCGATG
```

QY 241 TAATCAATTAAGGGGTCTAGTTCATATAGCCCATATATAGAGTTCGGGTACATTAACCTT 300
 DB 848 TAATCAATTAAGGGGTCTAGTTCATATAGCCCATATATAGAGTTCGGGTACATTAACCTT 907
 QY 301 ACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTAGCATTAATATG 360
 DB 908 ACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTAGCATTAATATG 967
 QY 361 ACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCATTTAGCATTAATATGAGTAT 420
 DB 968 ACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCATTTAGCATTAATATGAGTAT 1027
 QY 421 TTACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCATTTAGCATTAATATGAGTAT 480
 DB 1028 TTACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCATTTAGCATTAATATGAGTAT 1087
 QY 481 ATTGACGTCAATGACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCATTTAGCATTAATG 540
 DB 1088 ATTGACGTCAATGACGGTAAATGGCGGCTGGCTGACCGCCCATTTAGCATTAATG 1147
 QY 541 GACCTTCCACTGGGAGTACATCTACGATTAAGTATGATGATTAACATGGGTATGGG 600
 DB 1148 GACCTTCCACTGGGAGTACATCTACGATTAAGTATGATGATTAACATGGGTATGGG 1207
 QY 601 TTTTGGCAGTACATGATGGGCGGTGATAGCGGTTTGAATCAAGGGAATTTCCAGTCTC 660
 DB 1208 TTTTGGCAGTACATGATGGGCGGTGATAGCGGTTTGAATCAAGGGAATTTCCAGTCTC 1267
 QY 661 CACCCCATTTGACGTCAATGGGAGTTTGTGGTGGACCAAAATCAAGGGAATTTCCAAA 720
 DB 1268 CACCCCATTTGACGTCAATGGGAGTTTGTGGTGGACCAAAATCAAGGGAATTTCCAAA 1327
 QY 721 TGTGTAAATTAACCGGCGGCTTGAACGCAATGGGCGGTGATAGGGAAGTCT 780
 DB 1328 TGTGTAAATTAACCGGCGGCTTGAACGCAATGGGCGGTGATAGGGAAGTCT 1387
 QY 781 TATATAGCAGAGTCTGTTTATGTAACGCTGATGCTGAGACGCGCATCAGCTCT 840
 DB 1388 TATATAGCAGAGTCTGTTTATGTAACGCTGATGCTGAGACGCGCATCAGCTCT 1447
 QY 841 TTTGACCTTCATAGAAACACCGGGAACGATCAAGCTCCGCGCGGGAACGCTGAT 900
 DB 1448 TTTGACCTTCATAGAAACACCGGGAACGATCAAGCTCCGCGCGGGAACGCTGAT 1507
 QY 901 GGAAGCGGATTCGCGGCGCAAGATGACGTAAGTACCGCTTATAGATCTTATAGCAC 960
 DB 1508 GGAAGCGGATTCGCGGCGCAAGATGACGTAAGTACCGCTTATAGATCTTATAGCAC 1567
 QY 961 ACCGCTTTGGC-TCTTATGATGATTAATCTGTTTGGCTGGGCGCTTATAGCACCCG 1019
 DB 1568 ACCGCTTTGGC-TCTTATGATGATTAATCTGTTTGGCTGGGCGCTTATAGCACCCG 1627
 QY 1020 TTTCTTATGATTAAGTATGATGATTAAGTATGATGATTAAGTATGATTAAGTAT 1079
 DB 1628 TTTCTTATGATTAAGTATGATGATTAAGTATGATGATTAAGTATGATTAAGTAT 1687
 QY 1080 TGAACACCTCCCTATTTGATGATTAAGTATGATTAAGTATGATTAAGTATGATTA 1139
 DB 1688 TGAACACCTCCCTATTTGATGATTAAGTATGATTAAGTATGATTAAGTATGATTA 1747
 QY 1140 CACACATCTCTATTTGATTAAGTATGATTAAGTATGATTAAGTATGATTAAGTAT 1199
 DB 1748 CACACATCTCTATTTGATTAAGTATGATTAAGTATGATTAAGTATGATTAAGTAT 1807
 QY 1200 TGTATTTTATGATGATGATGATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAG 1259
 DB 1808 TGTATTTTATGATGATGATGATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAG 1867
 QY 1260 GTTCCCGGCGGCGGATTTTATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAG 1319
 DB 1868 GTTCCCGGCGGCGGATTTTATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAGTATTAAG 1927

QY 1320 ACGTGTCCGACATGGGCTCTTCTCCGGTAGCGGTGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGG 1379
 DB 1928 ACGTGTCCGACATGGGCTCTTCTCCGGTAGCGGTGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGG 1987
 QY 1380 TCCCATGCTCCAGCATTAATGATGCTGCGGAGCTCTTGTCCCAACATGAGAGCC 1439
 DB 1988 TCCCATGCTCCAGCATTAATGATGCTGCGGAGCTCTTGTCCCAACATGAGAGCC 2047
 QY 1440 AGACTTAGGACACAGCATGATCCCAACACACAGATGTCGCGCAAGGCGGTGCGGTA 1499
 DB 2048 AGACTTAGGACACAGCATGATCCCAACACAGATGTCGCGCAAGGCGGTGCGGTA 2107
 QY 1500 GGGTATGCTGTAATAATGACCTGGAGATCGGCTGACCGCTGACGACAGATGAAGA 1559
 DB 2108 GGGTATGCTGTAATAATGACCTGGAGATCGGCTGACCGCTGACGACAGATGAAGA 2167
 QY 1560 CTTAAGGACAGGCGCAAGAAAGACGACGAGCTGATGTTGTGTTTGTATTAAGTCA 1619
 DB 2168 CTTAAGGACAGGCGCAAGAAAGATGACGAGCTGATGTTGTGTTTGTATTAAGTCA 2227
 QY 1620 GAGGTAACTCCCGTTGCGGTGCTGTTAACGGTGGAGGACATGATCTGACAGTACTC 1679
 DB 2228 GAGGTAACTCCCGTTGCGGTGCTGTTAACGGTGGAGGACATGATCTGACAGTACTC 2287
 QY 1680 GTTGTGCGCGCGCGCCACGACGACATTAATAGCTGACAGTAAAGACTGCTCTTCC 1739
 DB 2288 GTTGTGCGCGCGCGCCACGACGACATTAATAGCTGACAGTAAAGACTGCTCTTCC 2347
 QY 1740 ATGGGTCTTTCTGAGTCAACCGTCTT 1767
 DB 2348 ATGGGTCTTTCTGAGTCAACCGTCTT 2375

RESULT 6

US-08-899-575-170/c
 ; Sequence 170, Application US/08899575
 ; Patent No. 5804440
 ; GENERAL INFORMATION:
 ; APPLICANT: Burton, Dennis R
 ; APPLICANT: Barbab, Carlos F
 ; APPLICANT: Lerner, Richard A
 ; TITLE OF INVENTION: HUMAN NEUTRALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES
 ; TITLE OF INVENTION: TO HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS
 ; NUMBER OF SEQUENCES: 170
 ; CORRESPONDENCE ADDRESS:
 ; ADDRESS: The Scripps Research Institute, Office of
 ; ADDRESSEE: Patent Counsel
 ; STREET: 10666 No. 5804440th Torrey Pines Road, Suite 220,
 ; CITY: La Jolla
 ; STATE: CA
 ; COUNTRY: USA
 ; ZIP: 92037
 ; COMPUTER READABLE FORM:
 ; MEDIUM TYPE: Floppy disk
 ; COMPUTER: IBM PC compatible
 ; OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
 ; SOFTWARE: Patentin Release #1.0, Version #1.25
 ; CURRENT APPLICATION DATA:
 ; APPLICATION NUMBER: US/08/899,575
 ; FILING DATE: 24-JUL-1997
 ; CLASSIFICATION:
 ; APPLICATION NUMBER: US 08/276,852
 ; FILING DATE: 18-JUL-1994
 ; APPLICATION NUMBER: US 08/178,302
 ; FILING DATE: 30-SEP-1993
 ; PRIOR APPLICATION DATA:
 ; APPLICATION NUMBER: US 07/954,148
 ; FILING DATE: 30-SEP-1992
 ; ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
 ; NAME: Fitting, Thomas
 ; REGISTRATION NUMBER: 34,163

REFERENCE/DOCKET NUMBER: SCRI452P
 TELECOMMUNICATION INFORMATION:
 TELEPHONE: 619-554-2937
 TELEFAX: 619-554-6312
 INFORMATION FOR SEQ ID NO: 170:
 SEQUENCE CHARACTERISTICS:
 LENGTH: 13254 base pairs
 TYPE: nucleic acid
 STRANDEDNESS: double
 TOPOLOGY: circular
 MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
 US-08-859-575-170

Query Match 95.9%; Score 1695.2; DB 1; Length 13254;
 Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0;
 Matches 1729; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

QY 1 ATATGAGGCTATATCCCGCATAGAGGCGATCAACCGCGCATGCGCAATGCAATATG 60
 DB 12647 ATATGAGGCTATATCCCGCATAGAGGCGATCAACCGCGCATGCGCAATGCAATATG 12588
 QY 61 ATCTATACATTTGATCAATATTTGGCAATTAGCCATTTATTTGTTATATATAGCATTA 120
 DB 12587 ATCTATACATTTGATCAATATTTGGCAATTAGCCATTTATTTGTTATATATAGCATTA 12528
 QY 121 ATCAATATTTGGCTATTTGGCATTTGCAATGCTGTATCCGATCATATATATATATATAT 180
 DB 12527 ATCAATATTTGGCTATTTGGCATTTGCAATGCTGTATCCGATCATATATATATATATAT 12468
 QY 181 ATTTGGCCCATTTCCATATATGACCGCATTTGATGATGATTTATTTATTTATATG 240
 DB 12467 ATTTGGCCCATTTCCATATATGACCGCATTTGATGATGATTTATTTATTTATATATG 12408
 QY 241 TATATCAATTTACGGGGGCTATTAGTTTCATATAGCCCATATATATATATATATATAT 300
 DB 12407 TATATCAATTTACGGGGGCTATTAGTTTCATATAGCCCATATATATATATATATATAT 12348
 QY 301 ACGGTAATATGCCCCGCTGAGTACCGCCCAAGCAACCCCGCCCATTTGACGTCAATATATG 360
 DB 12347 ACGGTAATATGCCCCGCTGAGTACCGCCCAAGCAACCCCGCCCATTTGACGTCAATATATG 12288
 QY 361 AGCTATGTTCCCATATATATGACCGCAATATAGGAGCTTTTCATTTGACGTATATATAT 420
 DB 12287 AGCTATGTTCCCATATATATGACCGCAATATAGGAGCTTTTCATTTGACGTATATATAT 12228
 QY 421 TTACGGTAATATGCCCCGCTGAGTACCGCCCAAGCAACCCCGCCCATTTGACGTCAATATAT 480
 DB 12227 TTACGGTAATATGCCCCGCTGAGTACCGCCCAAGCAACCCCGCCCATTTGACGTCAATATAT 12168
 QY 481 ATTTGACGTCAATATGCCCCGCTGAGTACCGCCCAAGCAACCCCGCCCATTTGACGTCAATATAT 540
 DB 12167 ATTTGACGTCAATATGCCCCGCTGAGTACCGCCCAAGCAACCCCGCCCATTTGACGTCAATATAT 12108
 QY 541 GACTTTCCCATATATATGACCGCAATATAGGAGCTTTTCATTTGACGTATATATATATAT 600
 DB 12107 GACTTTCCCATATATATGACCGCAATATAGGAGCTTTTCATTTGACGTATATATATATAT 12048
 QY 601 TTTTGGCAGTACATCAATATGAGGCGTATAGCGTTTGACTCAAGGGGATTTTCAAGTCTC 660
 DB 12047 TTTTGGCAGTACATCAATATGAGGCGTATAGCGTTTGACTCAAGGGGATTTTCAAGTCTC 11988
 QY 661 CACCCCATTTGACGTCAATATGAGGAGTTTGTGTTGGCAACCAATCAACGGGACTTTTCAAAA 720
 DB 11987 CACCCCATTTGACGTCAATATGAGGAGTTTGTGTTGGCAACCAATCAACGGGACTTTTCAAAA 11928
 QY 721 TGTCTGTAATATACCCCGCTTTGACGCAATATGAGGCGTATAGCGGTATAGCGTGGAGGTC 780
 DB 11927 TGTCTGTAATATACCCCGCTTTGACGCAATATGAGGCGTATAGCGGTATAGCGTGGAGGTC 11868
 QY 781 TATATATAGCAGAGCTGTTTATGTAACGTCAGATGCGCTGAGAGCGCATCAGCGCTGT 840
 DB 11867 TATATATAGCAGAGCTGTTTATGTAACGTCAGATGCGCTGAGAGCGCATCAGCGCTGT 11808

QY 841 TTTGACCTTCATATAGAGACACCGGAGCCGATCCAGCCTCCGCGCGCGGAAACGCTGAT 900
 DB 11807 TTTGACCTTCATATAGAGACACCGGAGCCGATCCAGCCTCCGCGCGCGGAAACGCTGAT 11748
 QY 901 GGAAGCGGATTTCCCGTGGCCAAAGTGAACGTAATACCGCTATATAGCTATATAGGCAC 960
 DB 11747 GGAAGCGGATTTCCCGTGGCCAAAGTGAACGTAATACCGCTATATAGCTATATAGGCAC 11668
 QY 961 ACCCCTTTGGC-TCTTATGACATGCTATATCTGTTTGGCTTTGGGCGCTATACACCCCGC 1019
 DB 11667 ACCCCTTTGGCTCTTATGACATGCTATATCTGTTTGGCTTTGGGCGCTATACACCCCGC 11628
 QY 1020 TTCCTTATGATATAGTATAGTATAGTATAGCTTATAGGCGTGGTTATATGACATAT 1079
 DB 11627 TTCCTTATGATATAGTATAGTATAGTATAGCTTATAGGCGTGGTTATATGACATAT 11568
 QY 1080 TGACACATCCCTATTTGGTGAAGTATCTTCCATTTACATTCATATACATATGCTCTTGGC 1139
 DB 11567 TGACACATCCCTATTTGGTGAAGTATCTTCCATTTACATTCATATACATATGCTCTTGGC 11508
 QY 1140 CACAATATCTCTATTTGCTATATATGCAATATCTGCTTCAGAGCTGACACGAGCTC 1199
 DB 11507 CACAATATCTCTATTTATGCTATATATGCAATATCTGCTTCAGAGCTGACACGAGCTC 11448
 QY 1200 TGTATTTTACAGATGAGGCTCCATTTATTTATTTTACAAATTCATATATACAAACGCC 1259
 DB 11447 TGTATTTTACAGATGAGGCTCCATTTATTTATTTTACAAATTCATATATACAAACGCC 11388
 QY 1260 GTCCCCCGTGGCCGAGTTTATTTTAAATATAGGTGGGATCTCCAGCGGAATCTCCGGCT 1319
 DB 11387 GTCCCCCGTGGCCGAGTTTATTTTAAATATAGGTGGGATCTCCAGCGGAATCTCCGGCT 11328
 QY 1320 ACGTGTTCGGGACATATGAGGCTCTTCTCCGATGAGCGGTGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGG 1379
 DB 11327 ACGTGTTCGGGACATATGAGGCTCTTCTCCGATGAGCGGTGGGCTTCTACATCCGAGCCCTGC 11268
 QY 1380 TCCCATGCTCCAGGACTCATATGCTGCTGCGGACGCTCTTGCTCCCAAGTGGAGGCC 1439
 DB 11267 TCCCATGCTCCAGGACTCATATGCTGCTGCGGACGCTCTTGCTCCCAAGTGGAGGCC 11208
 QY 1440 AGACTTATGAGCAGACAGATCCCAACCAACAGTGTGCGGCAAGGCGGTGGCGGTA 1499
 DB 11207 AGACTTATGAGCAGACAGATCCCAACCAACAGTGTGCGGCAAGGCGGTGGCGGTA 11148
 QY 1500 GGGTATGCTGTAATAATGACTCGAGATAGGGCTCGCACCGCTGACGACATTTGGAGA 1559
 DB 11147 GGGTATGCTGTAATAATGACTCGAGATAGGGCTCGCACCGCTGACGACATTTGGAGA 11088
 QY 1560 CTTAAGGACGCGGAGAAAGACGACGAGCTGAGTGTGTTGTTCTGATTAAGATCA 1619
 DB 11087 CTTAAGGACGCGGAGAAAGACGAGCTGAGTGTGTTGTTCTGATTAAGATCA 11028
 QY 1620 GAGGTAACTCCCGTGTGCGGTCTGTAAACGTTGAGGCGACATATATATATATATAT 1679
 DB 11027 GAGGTAACTCCCGTGTGCGGTCTGTAAACGTTGAGGCGACATATATATATATATATAT 10968
 QY 1680 GTTCTGCGCGCGCGCACACAGATATATATGCTGACAGTAAACGACTTTCCTTTCC 1739
 DB 10967 GTTCTGCGCGCGCGCACACAGATATATATGCTGACAGTAAACGACTTTCCTTTCC 10908
 QY 1740 ATGGGCTTTTCTGAGTACCGTCTT 1767
 DB 10907 ATGGGCTTTTCTGAGTACCGTCTT 10880

RESULT 7
 PCT-US95-08743-156
 ; Sequence 156, Application PC/TUS9508743
 ; GENERAL INFORMATION:
 ; APPLICANT:
 ; TITLE OF INVENTION: HUMAN NEUTRALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES
 ; TITLE OF INVENTION: TO HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS
 ; NUMBER OF SEQUENCES: 170

```

; COMPUTER READABLE FORM:
; MEDIUM TYPE: Floppy disk
; COMPUTER: IBM PC compatible
; OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
; SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.25 (EPO)
; CURRENT APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: PCT/US95/08743
; FILING DATE: 11-JUL-1995
; PRIOR APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US 08/276,852
; FILING DATE: 18-JUL-1994
; INFORMATION FOR SEQ ID NO: 156:
; SEQUENCE CHARACTERISTICS:
; LENGTH: 13254 base pairs
; TYPE: nucleic acid
; STRANDEDNESS: double
; TOPOLOGY: circular
; MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
; PCT-US95-08743-156

```

```

Query Match      95.9%; Score 1695.2; DB 5; Length 13254;
Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0;
Matches 1729; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

```

```

QY 1 AATAGAGGCTATATCGCGATAGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCAAATGACATATCG 60
DB AATAGAGGCTATATCGCGATAGAGGCGACATCAAGCTGGACATGGCCAAATGACATATCG 667
QY 61 ATCTATACCTTGAATCAATATTGGCAATTAGCCATTATTCTCTGTTATATAGATA 120
DB ATCTATACCTTGAATCAATATTGGCAATTAGCCATTATTCTCTGTTATATAGATA 727
QY 121 ATCAATATATGGCTATATGGCCATTCATGATGTTATCCGATCATATATATGATTTAT 180
DB ATCAATATATGGCTATATGGCCATTCATGATGTTATCCGATCATATATATGATTTAT 787
QY 181 ATTTGGCCATGTCATATATGACCGCCATGTTGACATGATTTATGACTAGTTATTAATG 240
DB ATTTGGCCATGTCATATATGACCGCCATGTTGACATGATTTATGACTAGTTATTAATG 847
QY 241 TTAATCAATTAAGGGGATCTTATGTTCAATAGCCCATATATGAGATTCGCGTTACATACTT 300
DB TTAATCAATTAAGGGGATCTTATGTTCAATAGCCCATATATGAGATTCGCGTTACATACTT 907
QY 848 TTAATCAATTAAGGGGATCTTATGTTCAATAGCCCATATATGAGATTCGCGTTACATACTT 907
DB TTAATCAATTAAGGGGATCTTATGTTCAATAGCCCATATATGAGATTCGCGTTACATACTT 907
QY 301 AAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 360
DB AAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 967
QY 908 AAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 967
DB AAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 967
QY 361 AAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 420
DB AAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 1027
QY 421 TTAAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 480
DB TTAAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 1027
QY 1028 TTAAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 1087
DB TTAAGGTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 1087
QY 481 ATTTGAGCTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 540
DB ATTTGAGCTAATAGGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCGCCGACATTTGACATTAATATG 1147
QY 541 GACTTTCCTACTTGGAGATACATCTAGTATAGTACGCTTATACATGATGATGCGG 600
DB GACTTTCCTACTTGGAGATACATCTAGTATAGTACGCTTATACATGATGATGCGG 1207
QY 601 TTTTGGCAGTACATCAATGGGCGTGAATAGCGGTTGACTCAAGGGGATTTCCAAAGTCTC 660
DB TTTTGGCAGTACATCAATGGGCGTGAATAGCGGTTGACTCAAGGGGATTTCCAAAGTCTC 1267
QY 661 CAACCCATGAGCTCAATGGGCGTGAATAGCGGTTGACTCAAGGGGATTTCCAAAGTCTC 720
DB CAACCCATGAGCTCAATGGGCGTGAATAGCGGTTGACTCAAGGGGATTTCCAAAGTCTC 1327
QY 721 TGTCTAATTAACCCCGCGCTGAGCAAAATGCGGTGAGCGGTGATCGGTGAGGATC 780

```

```

DB 1328 TGTCTAATTAACCCCGCGCTGAGCAAAATGCGGTGAGCGGTGATCGGTGAGGATC 1387
QY 781 TATATAGAGAGCTCGTTTGTGAAACCGTACGATCGCTGAGAGCGCATCCAGCTGT 840
DB 1388 TATATAGAGAGCTCGTTTGTGAAACCGTACGATCGCTGAGAGCGCATCCAGCTGT 1447
QY 841 TTTGACCTTCATAGAGAGACCGGGACCGATCCAGCTCCGCGCGCGGAAACGATGCAAT 900
DB 1448 TTTGACCTTCATAGAGAGACCGGGACCGATCCAGCTCCGCGCGCGGAAACGATGCAAT 1507
QY 901 GGAACCGGATTTCCCGTCCCAAGAGTGAAGTAACTACCGCTATAGACTCTATAGGAC 960
DB 1508 GGAACCGGATTTCCCGTCCCAAGAGTGAAGTAACTACCGCTATAGAGTCTATAGGAC 1567
QY 961 ACCCGTTGGC-TCTTATAGCAGTATACGTTTGTGCTGGCGCTTACACCCCGC 1019
DB 1568 ACCCGTTGGCTTCTTATAGCAGTATACGTTTGTGCTGGCGCTTATACACCCCGC 1627
QY 1020 TTTCTTATAGCTATAGGATGATAGTATAGCTTACGCTATAGGCGGTGATATGACATTA 1079
DB 1628 TTTCTTATAGCTATAGGATGATAGTATAGCTTACGCTATAGGCGGTGATATGACATTA 1687
QY 1080 TGAACACTCCCTTATTTGGTGAAGTACTTTCATTTATCATATCAATACATGCTCTTTC 1139
DB 1688 TGAACACTCCCTTATTTGGTGAAGTACTTTCATTTATCATATCAATACATGCTCTTTC 1747
QY 1140 CACAATATCTCTATTTGGCTATATGCAATACCTGCTCTTACAGAGCTGACAGGACATC 1199
DB 1748 CACAATATCTCTATTTGGCTATATGCAATACCTGCTCTTACAGAGCTGACAGGACATC 1807
QY 1200 TGTATTTTATACAGATAGGAGGCTCCATTTATTTATCAAAATTCATATATACACAGCC 1259
DB 1808 TGTATTTTATACAGATAGGAGGCTCCATTTATTTATCAAAATTCATATATACACAGCC 1867
QY 1260 GTTCCCGCTGCGCGATTTTATTTAAACATAGCGTGGATTCACACGGAATCTCGGCT 1319
DB 1868 GTTCCCGCTGCGCGATTTTATTTAAACATAGCGTGGATTCACACGGAATCTCGGCT 1927
QY 1320 AAGTTCGCGGACATAGGCTCTTCCGCTGACGAGGAGGCTTCCACATCCGAGCCCTG 1379
DB 1928 AAGTTCGCGGACATAGGCTCTTCCGCTGACGAGGAGGCTTCCACATCCGAGCCCTG 1987
QY 1380 TCCCATGCTCCAGAGGATCATGATGCTGCTGCGAGCTCCTTCTCCACAGTGAAGGCC 1439
DB 1988 TCCCATGCTCCAGAGGATCATGATGCTGCTGCGAGCTCCTTCTCCACAGTGAAGGCC 2047
QY 1440 AAGCTTGAAGCAGACAGATGCGCACACACACAGTGTGCGCACAGGCGGTGCGGTA 1499
DB 2048 AAGCTTGAAGCAGACAGATGCGCACACACAGTGTGCGCACAGGCGGTGCGGTA 2107
QY 1500 GGGTATGTGTCTGAAAATAGAGTCCGAGATCGGGCTCGGACCGCTGACAGCAATGAGAA 1559
DB 2108 GGGTATGTGTCTGAAAATAGAGTCCGAGATCGGGCTCGGACCGCTGACAGCAATGAGAA 2167
QY 1560 CTTAAGGCGAGCGGAGAAAGACGAGGAGCTGATGTTGTGTTCTGATAGAGTCA 1619
DB 2168 CTTAAGGCGAGCGGAGAAAGATGACGAGCACTGATGTTGTGTTCTGATAGAGTCA 2227
QY 1620 GAGGTAACTCCGTTGCGGTGCTGTTAACGTGAGAGGAGATGATCTGAGCAGTATC 1679
DB 2228 GAGGTAACTCCGTTGCGGTGCTGTTAACGTGAGAGGAGATGATCTGAGCAGTATC 2287
QY 1680 GTTGTGCGCGCGCGCGCACAGACATATATACCTGACACATTAACGATGTTCTTTC 1739
DB 2288 GTTGTGCGCGCGCGCGCACAGACATATATACCTGACACATTAACGATGTTCTTTC 2347
QY 1740 ATGGGCTTTTCTGACAGTACCGTCTT 1767
DB 2348 ATGGGCTTTTCTGACAGTACCGTCTT 2375

```

RESULT 8

PCT-US95-08743-170/C
; Sequence 170, Application PC/TUS9508743
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT:
; TITLE OF INVENTION: HUMAN NEUTRALIZING MONOCLONAL ANTIBODIES
; TITLE OF INVENTION: TO HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS
; NUMBER OF SEQUENCES: 170
; COMPUTER READABLE FORM:
; MEDIUM TYPE: Floppy disk
; OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
; SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.25 (BPO)
; CURRENT APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: PCT/US95/08743
; FILING DATE: 11-JUL-1995
; PRIOR APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US 08/276,852
; FILING DATE: 18-JUL-1994
; INFORMATION FOR SEQ ID NO: 170:
; SEQUENCE CHARACTERISTICS:
; LENGTH: 13254 base pairs
; TYPE: nucleic acid
; STRANDEDNESS: double
; TOPOLOGY: circular
; MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
PCT-US95-08743-170

Query Match 95.9%; Score 1695.2; DB 5; Length 13254;
Best Local Similarity 97.8%; Pred. No. 0;
Matches 1729; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;

QY 1 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 60
DB 12647 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12588
QY 61 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 120
DB 12587 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12528
QY 121 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 180
DB 12527 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12468
QY 181 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 240
DB 12467 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12408
QY 241 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 300
DB 12407 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12348
QY 301 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 360
DB 12347 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12288
QY 361 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 420
DB 12287 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12228
QY 421 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 480
DB 12227 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12168
QY 481 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 540
DB 12167 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12108
QY 541 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 600
DB 12107 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 12048
QY 601 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 660
DB 12047 AATGAGGCTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11988

DB 12047 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11988
QY 661 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 720
DB 11987 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11928
QY 721 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 780
DB 11927 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11868
QY 781 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 840
DB 11867 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11808
QY 841 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 900
DB 11807 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11748
QY 901 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 960
DB 11747 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11688
QY 961 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1019
DB 11687 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11628
QY 1020 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1079
DB 11627 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11568
QY 1080 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1139
DB 11567 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11508
QY 1140 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1199
DB 11507 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11448
QY 1200 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1259
DB 11447 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11388
QY 1260 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1319
DB 11387 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11328
QY 1320 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1379
DB 11327 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11268
QY 1380 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1439
DB 11267 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11208
QY 1440 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1499
DB 11207 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11148
QY 1500 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1559
DB 11147 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11088
QY 1560 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1619
DB 11087 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 11028
QY 1620 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1679
DB 11027 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 10968
QY 1680 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 1739
DB 10967 TTTTGGAGTATATGCGCCATAGAGGAGCATCAAGCCGCGCATGCGCAATGACATATCG 10908

Qy	123	CAATATGGGCTATGGCATGGATGACGTGTAATCGGTATCATATATGTACATTATA	123
Db	1255	CAATATGGGCTATGGCATGGATGACGTGTAATCATATATGTATGATCATTTATAT	1255
Qy	183	TGGCCCATGTCCAATATGACCGGCAGTGTGACATGATTAATGACATGATTAATG	183
Db	1315	TGGCTCATGTCCAAATATGACCGGCAGTGTGACATGATTAATGACATGATTAATG	1315
Qy	243	ATCAATTAAGGGGTCAATTAGTTCAATAGCCCAATATATGAGTTCCGGCTTACATTA	243
Db	1375	ATCAATTAAGGGGTCAATTAGTTCAATAGCCCAATATATGAGTTCCGGCTTACATTA	1375
Qy	303	GGTAAATGGCCCGCGCTGACCGCGCCAAAGACCCCGCCCATGTAGAGTCAATATGAC	303
Db	1435	GGTAAATGGCCCGCGCTGCTGACCGCGCCAAAGACCCCGCCCATGTAGAGTCAATATGAC	1435
Qy	363	GTAATGTTCCCAATAGTACGCCAATATAGGAATTTCATTAAGTCAATGGGTGAGATATT	363
Db	1495	GTAATGTTCCCAATAGTACGCCAATATAGGAATTTCATTAAGTCAATGGGTGAGATATT	1495
Qy	423	ACGGTAAATGGCCCATTTGGGAGTACATCAAGTGTATCATATGCCAAGTCCGCCCTTAT	423
Db	1555	ACGGTAAATGGCCCATTTGGGAGTACATCAAGTGTATCATATGCCAAGTCCGCCCTTAT	1555
Qy	483	TGACGTCAATGACGGTAAATGGCCCGCTGGCATTTATGCCAGTACATGACCTTAAGGGA	483
Db	1615	TGACGTCAATGACGGTAAATGGCCCGCTGGCATTTATGCCAGTACATGACCTTAAGGGA	1615
Qy	543	CTTTCCCTACTTGGGAGTACATCTACGTATATGTCATGCTATTTACATGGTATGCGGTT	543
Db	1675	CTTTCCCTACTTGGGAGTACATCTACGTATATGTCATGCTATTTACATGGTATGCGGTT	1675
Qy	603	TTGGCAGATACATCAATGGGCGTGGATATGCGGTTGACATCACCGGGGATTTCCAGTCTCCA	603
Db	1735	TTGGCAGATACATCAATGGGCGTGGATATGCGGTTGACATCACCGGGGATTTCCAGTCTCCA	1735
Qy	663	CCCCATTGACGTCAATGGGAGTTTGTTTGGCACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAATG	663
Db	1795	CCCCATTGACGTCAATGGGAGTTTGTTTGGCACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAATG	1795
Qy	723	TGTTAATTAACCCGCCCGCTTGAAGCAAAATGGGCGGTGATAGGTGATGGGAGGTCTTA	723
Db	1855	TGTTAATTAACCCGCCCGCTTGAAGCAAAATGGGCGGTGATAGGTGATGGGAGGTCTTA	1855
Qy	783	TATAAGCAGAGCTCGTTTAACTGAAACCGTCAGATCGCTGAGAGCGCATCCAGCTGTT	783
Db	1915	TATAAGCAGAGCTCGTTTAACTGAAACCGTCAGATCGCTGAGAGCGCATCCAGCTGTT	1915
Qy	843	TGACCTCCATTAAGAGACACCGGGACCGATCCAGCTTCGCGGCGGGAAACGATGATGG	843
Db	1975	TGACCTCCATTAAGAGAGACACCGGGACCGATCCAGCTTCGCGGCGGGAAACGATGATGG	1975
Qy	903	AACCGGATTTCCCGCTGCCAAGAGTGAAGTAATGTAACCGCTATATAGACTCTATATGGACAC	903
Db	2035	AACCGGATTTCCCGCTGCCAAGAGTGAAGTAATGTAACCGCTATATAGACTCTATATGGACAC	2035
Qy	963	CCCTTTGGGCTCTTATGATGATCTTAACGTGTTTGGGCTTGGGCGCTTATAGACCCCGCTTC	963
Db	2095	CCCTTTGGGCTCTTATGATGATCTTATGATGTTTGGGCTTGGGCGCTTATAGACCCCGCTTC	2095
Qy	1023	CTTATGCTAATAGGAGTATGATAGCTTATAGGCTATATAGGCTGATTTTGAACATTAATGGA	1023
Db	2155	CTTATGCTAATAGGAGTATGATAGCTTATAGGCTTATAGGCTGATTTTGAACATTAATGGA	2155
Qy	1083	CCACTCCCTAATTTGGTGAAGATATCTTTCATTAATCAATCAATGAGCTCTTTGGCAC	1083
Db	2215	CCACTCCCTAATTTGGTGAAGATATCTTTCATTAATCAATCAATGAGCTCTTTGGCAC	2215
Qy	1143	AACATCTGATTTGGTGAAGATATCTTTCATTAATCAATCAATGAGCTCTTTGGCAC	1143
Db	2275	AACATCTGATTTGGTGAAGATATCTTTCATTAATCAATCAATGAGCTCTTTGGCAC	2275
Qy	1203	ATTTTACAGAGTGGGCTCCATTTATTAATTTACAAATTCATATATACAAAGCGCTGC	1203

Db 721 CACCGGACCGATCCAGCCTCCGCGGCGGGAACGGTGCATTTGGAACGGCGATTTCCCGT 780
 Oy 919 GCCAAGATGACGTAGTACCGGCTTATGACTTATAGGACACCCCTTTGGCTTTAG 978
 Db 781 GCCAAGATGACGTAGTACCGGCTTATGACTTATAGGACACCCCTTTGGCTTTAG 840
 Oy 979 CATGCTAATCTGTTTGGCTTGGGCTTATACACCCCGCTTCTTTATGCTATAGTGA 1038
 Db 841 CATGCTAATCTGTTTGGCTTGGGCTTATACACCCCGCTTCTTTATGCTATAGTGA 900
 Oy 1039 TGGTATAGCTTGGCTTATAGGCGGTGTTATTTGACATATTTAGACACCTCCCTATTTGT 1098
 Db 901 TGGTATAGCTTGGCTTATAGGCGGTGTTATTTGACATATTTAGACACCTCCCTATTTGT 960
 Oy 1099 GACGATCTTTCATTTACTTATCATATCATATGAGCTTTTGGCCACATATCTTATTTGGC 1158
 Db 961 GACGATCTTTCATTTACTTATCATATCATATGAGCTTTTGGCCACATATCTTATTTGGC 1020
 Oy 1159 TATATGCCAATATCTGCTCCCTTACAGACTGACACGAGCTGTGTATTTTACAGATGGG 1218
 Db 1021 TATATGCCAATATCTGCTCCCTTACAGACTGACACGAGCTGTGTATTTTACAGATGGG 1080
 Oy 1219 GTCCCATTTATTTATTTACAAATTCATATTTACAAACGCGCTCCCGGCTCCCGAGTT 1278
 Db 1081 GTCCCATTTATTTATTTACAAATTCATATTTACAAACGCGCTCCCGGCTCCCGAGTT 1140
 Oy 1279 TTTATTTAAACATATGCTGGGATCTCCAGCGAATCTCGGGTACGTGTTCCGGAATGGG 1338
 Db 1141 TTTATTTAAACATATGCTGGGATCTCCAGCGAATCTCGGGTACGTGTTCCGGAATGGG 1200
 Oy 1339 TCTTCTCCGCTAGCGGTGGGCTTCCAGATTCGAGGCTGTGTCCTCCAGGCT 1398
 Db 1201 TCTTCTCCGCTAGCGGTGGGCTTCCAGATTCGAGGCTGTGTCCTCCAGGCT 1260
 Oy 1399 CATGCTGCTGGGAGCTCTTGTCTCCCAACATGAGGCGACACTTTAGGACAGACGA 1458
 Db 1261 CATGCTGCTGGGAGCTCTTGTCTCTTAAACATGAGGCGACACTTTAGGACAGACGA 1320
 Oy 1459 TGGCCACACACACAGTGTGCGCAACAGGCGGTGAGGGTATGTTCTGAAATG 1518
 Db 1321 TGGCCACACACACAGTGTGCGCAACAGGCGGTGAGGGTATGTTCTGAAATG 1380
 Oy 1519 AGCTGGAGATCGGGCTGCGACCGCTGACGAGATGAAACTTTAGGACGCGGAGAG 1578
 Db 1381 AGCTGGAGATCGGGCTGCGACCGCTGACGAGATGAAACTTTAGGACGCGGAGAG 1440
 Oy 1579 AAGAGCGAGGACAGTGTGTTGTTCTGATTAAGTCAAGGTAATCTCCCGTTGGG 1638
 Db 1441 AAGAGCGAGGACAGTGTGTTGTTCTGATTAAGTCAAGGTAATCTCCCGTTGGG 1500
 Oy 1639 TGGCTTTAAGCGGTGAGGGGAGTGTGTTGAGAGTACTGTTGCTCCGCGCGCGG 1697
 Db 1501 TGGCTTTAAGCGGTGAGGGGAGTGTGTTGAGAGTACTGTTGCTCCGCGCGCGG 1560
 Oy 1698 ACCAGACATATATGCTGACAGATTAACGAGCTGTTCTTTCCATGGGTTTTCAGT 1757
 Db 1561 ACCAGACATATATGCTGACAGATTAACGAGCTGTTCTTTCCATGGGTTTTCAGT 1620
 Oy 1758 CACCGTCTT 1766
 Db 1621 CACCGTCTT 1629

RESULT 12

US-09-628-445-1
 ; Sequence 1, Application US/09628445
 ; Patent No. 639588
 ; GENERAL INFORMATION:
 ; APPLICANT: Hobart, Peter M.
 ; APPLICANT: Margalich, Michael
 ; APPLICANT: Parker, Suzanne E.
 ; APPLICANT: Khatibi, Shrin
 ; TITLE OF INVENTION: Cancer Treatment Utilizing Plasmids Suitable for IL-2 Expression

; FILE REFERENCE: 1530.008002
 ; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/628.445
 ; CURRENT FILING DATE: 2000-07-28
 ; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 08/818,562
 ; PRIOR FILING DATE: 1997-03-14
 ; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 08/345,913
 ; PRIOR FILING DATE: 1994-11-28
 ; NUMBER OF SEQ ID NOS: 3
 ; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.0
 ; SEQ ID NO 1
 ; LENGTH: 4928
 ; TYPE: DNA
 ; ORGANISM: Homo sapiens
 ; FEATURE:
 ; NAME/KEY: CDS
 ; LOCATION: (1689)..(2159)
 US-09-628-445-1

Query Match 89.5%; Score 1581; DB 4; Length 4928;
 Best Local Similarity 99.0%; Pred. No. 0;
 Matches 1612; Conservative 0; Mismatches 15; Indels 2; Gaps 2;

Oy 140 CATTCATAGCTTGTATCCGATATCATATATATGATCATTTATTTAGGATTAACGAGGCTAT 199
 Db 1 CATTCATAGCTTGTATCCAT 60
 Oy 200 GACCGCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 259
 Db 61 GACCGCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 120
 Oy 260 TAGTCATAGCTTGTATCCGATATCATATATATATATATATATATATATATATATATAT 319
 Db 121 TAGTCATAGCTTGTATCCGATATCATATATATATATATATATATATATATATATATAT 180
 Oy 320 GCTACCGCCCAACGACCGCCCGCCCATATGAGTCAATATATATATATATATATATATAT 379
 Db 181 GCTACCGCCCAACGACCGCCCGCCCATATGAGTCAATATATATATATATATATATATAT 240
 Oy 380 GCGCAATGAGGACCTTCCATATGAGTCAATATATATATATATATATATATATATATATAT 439
 Db 241 GCGCAATGAGGACCTTCCATATGAGTCAATATATATATATATATATATATATATATATAT 300
 Oy 440 TGGAGTACATCAAGTAT 498
 Db 301 TGGAGTACATCAAGTAT 360
 Oy 499 AAATGGCCCGCTGGCAT 558
 Db 361 AAATGGCCCGCTGGCAT 420
 Oy 559 TACATCTAGTAT 618
 Db 421 TACATCTAGTAT 480
 Oy 619 GGGCGTGTATAGCGGTTTGAATCAAGGAGTTTCAAGTCTCAACCCCATTTAGCTCAAT 678
 Db 481 GGGCGTGTATAGCGGTTTGAATCAAGGAGTTTCAAGTCTCAACCCCATTTAGCTCAAT 540
 Oy 679 GGGAGTTTGTGGACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAATATGTCGTAATTAACCCCGC 738
 Db 541 GGGAGTTTGTGGACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAATATGTCGTAATTAACCCCGC 600
 Oy 739 CGGTTGACCAATATGAGGCGGTAGGCGGTATAGGCGGTATAGGCGGTATAGGCGGTATAG 798
 Db 601 CGGTTGACCAATATGAGGCGGTAGGCGGTATAGGCGGTATAGGCGGTATAGGCGGTATAG 660
 Oy 799 TTAGTGAACCGTCAAGTATGCTGAGAGCGCATCAAGCTGTTTGAATTTGACCTTCATAGAGA 858
 Db 661 TTAGTGAACCGTCAAGTATGCTGAGAGCGCATCAAGCTGTTTGAATTTGACCTTCATAGAGA 720
 Oy 859 CACCGGACCGATCCAGCTCCGGGCGGGGAGGAGGTCATTTGAGAGCGGAGTTCCCGT 918
 Db 721 CACCGGACCGATCCAGCTCCGGGCGGGGAGGAGGTCATTTGAGAGCGGAGTTCCCGT 780

QY 919 GCCAAGAGTGAAGTAAAGCCGCTAATAGACTCTATAGGCAACCCCTTGGCTCTTATG 978
DB 761 GCCAAGAGTGAAGTAAAGCCGCTAATAGACTCTATAGGCAACCCCTTGGCTCTTATG 840
QY 979 CATGCTAATACGTCTTGGCTTGGGCGCTAATACACCCCGCTTCTTATAGTATAGTGA 1038
DB 841 CATGCTAATACGTCTTGGCTTGGGCGCTAATACACCCCGCTTCTTATAGTATAGTGA 900
QY 1039 TGGTATAGCTTGAAGCTAATAGGCGGTATATGACCATATATGACACACCCCTTATGGT 1098
DB 901 TGGTATAGCTTGAAGCTAATAGGCGGTATATGACCATATATGACACACCCCTTATGGT 960
QY 1099 GACGATACCTTTCATTAATCAATTAATCAATGCTCTTGGCCACAATATCTTATTTGGC 1158
DB 961 GACGATACCTTTCATTAATCAATTAATCAATGCTCTTGGCCACAATATCTTATTTGGC 1020
QY 1159 TATATGCCAATACCTCTGCTTCCAGAGTGAACGAGTCTCTATATTTTACAGATGGG 1218
DB 1021 TATATGCCAATACCTCTGCTTCCAGAGTGAACGAGTCTCTATATTTTACAGATGGG 1080
QY 1219 GTCCCATTTATTTAATTAACAATTCACATTAACAAGCGCGTCCCGGTGCGCGAGTT 1278
DB 1061 GTCCCATTTATTTAATTAACAATTCACATTAACAAGCGCGTCCCGGTGCGCGAGTT 1140
QY 1279 TTTATTTAAACATAGCGGTGGATCTCCACGCGAATCTCGGTAAGTTCGGACATAGGCG 1338
DB 1141 TTTATTTAAACATAGCGGTGGATCTCCACGCGAATCTCGGTAAGTTCGGACATAGGCG 1200
QY 1339 TCTTCTCCGGAATGCGGTGGGCGCTTCCACATTCGGAAGCTGCTGCTCCAGCGACT 1398
DB 1201 TCTTCTCCGGAATGCGGTGGGCGCTTCCACATTCGGAAGCTGCTGCTCCAGCGACT 1260
QY 1399 CATGCTGCTGGGCGAGCTCTCTGCTCCCAACAGTGAAGCGGACCTTGGGCAAGACAGA 1458
DB 1261 CATGCTGCTGGGCGAGCTCTCTGCTCCCAACAGTGAAGCGGACCTTGGGCAAGACAGA 1320
QY 1459 TGCCCAACACACACAGTGTGCGGCAACAGGCGGTGAGGTATGCTGAAAATG 1518
DB 1321 TGCCCAACACACACAGTGTGCGGCAACAGGCGGTGAGGTATGCTGAAAATG 1380
QY 1519 AGCTGGAAGTGGGCTGCGACCGCTGACGACGATGGAAGACTTAAAGGCGGCGAGAG 1578
DB 1381 AGCTGGAAGTGGGCTGCGACCGCTGACGACGATGGAAGACTTAAAGGCGGCGAGAG 1440
QY 1579 AAGAGCGAGGCGAGTGTGCTGCTGATTAAGTCAAGAGTAACTCCCGTTGGCG 1638
DB 1441 AAGAGCGAGGCGAGTGTGCTGCTGATTAAGTCAAGAGTAACTCCCGTTGGCG 1500
QY 1639 -TGCTGTTAAAGTGAAGGCGAGTGTGCTGAGAGTACTGTTGCTCCGCGCGCGC 1697
DB 1501 TTGCTGTTAAAGTGAAGGCGAGTGTGCTGAGAGTACTGTTGCTCCGCGCGCGC 1560
QY 1698 ACCAGACATTAATAGCTGACAGACTAAGCGAGTGTCTTTCATGAGGTCTTTTTCAGT 1757
DB 1561 ACCAGACATTAATAGCTGACAGACTAAGCGAGTGTCTTTCATGAGGTCTTTTTCAGT 1620
QY 1758 CACCGTCTT 1766
DB 1621 CACCGTCTT 1629

RESULT 13
US-09-173-053-2

; Sequence 2, Application US/09173053
; Patent No. 6451769
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: HUEBNER, Robert C.
; APPLICANT: NORMAN, Jon A.
; APPLICANT: LIANG, Xiaowu
; APPLICANT: CARNER, Kristin R.
; APPLICANT: BARBOUR, Alan G.
; APPLICANT: LUKE, Catherine J.

; TITLE OF INVENTION: COMPOSITIONS AND METHODS FOR ADMINISTERING BORRELIA DNA
; FILE REFERENCE: 454312-2440.1
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/173.053
; CURRENT FILING DATE: 1998-10-15
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 08/663,998
; PRIOR FILING DATE: 1996-06-14
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 18
; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO 2
; LENGTH: 5899
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Borrelia burgdorferi
US-09-173-053-2
Query Match 88.9%; Score 1570.2; DB 4; Length 5899;
Best Local Similarity 97.6%; Pred. No. 0;
Matches 1604; Conservative 0; Mismatches 38; Indels 1; Gaps 1;
QY 125 ATATTGGCTAATGGCCATTTGATAGTGTATCCGATCATATAATATGATTTATATG 184
DB 4080 AGATTGGCTAATGGCCATTTGATAGTGTATCCGATCATATAATATGATTTATATG 4139
QY 185 GCCCATGTCATATAGACCCGCGATGATGATTTATGATTTATGATTTATATATAT 244
DB 4140 GCTCATGTCATATAGACCCGCGATGATGATTTATGATTTATGATTTATATATAT 4199
QY 245 CAATTAAGGCGGTCAATATTGATTAATGACCATATATGATTTATGATTTATATATAT 304
DB 4200 CAATTAAGGCGGTCAATATTGATTAATGACCATATATGATTTATGATTTATATATAT 4259
QY 305 TAAATGGCCGCTGGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATTTGACGTCATATATAGAGT 364
DB 4260 TAAATGGCCGCTGGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATTTGACGTCATATATAGAGT 4319
QY 365 ATGTTCCATATGATACCGCATATGAGGACTTTTCATTTGATGATGATGATTTATAC 424
DB 4320 ATGTTCCATATGATACCGCATATGAGGACTTTTCATTTGATGATGATGATTTATAC 4379
QY 425 GGTAAACGCGCATGTCAGTACATCAAGTATCATATGACCAAGTCCGCGCCCTATATG 484
DB 4380 GGTAAACGCGCATGTCAGTACATCAAGTATCATATGACCAAGTCCGCGCCCTATATG 4439
QY 485 AGTCAATGAGGATTAATGCGCGCTGCGATTTATGACCATATGACCTTACCGGAGT 544
DB 4440 AGTCAATGAGGATTAATGCGCGCTGCGATTTATGACCATATGACCTTACCGGAGT 4499
QY 545 TTCTCACTTGGCAGTACCTTACGATTAATGATGATGATTTATGATGATGATGATGAT 604
DB 4500 TTCTCACTTGGCAGTACCTTACGATTAATGATGATGATTTATGATGATGATGATGAT 4559
QY 605 GGCAGTACATTAATGCGGCTGATGAGGCTTGAATCAAGGGAATTTCCAGTCCACCC 664
DB 4560 GGCAGTACATTAATGCGGCTGATGAGGCTTGAATCAAGGGAATTTCCAGTCCACCC 4619
QY 665 CCATTGAGTCAATGAGGATTTGTTTGGCAACCAATCAACGAGGACTTCCAAATATGTC 724
DB 4620 CCATTGAGTCAATGAGGATTTGTTTGGCAACCAATCAACGAGGACTTCCAAATATGTC 4679
QY 725 GTAATACCCCGCGCTGTAACGCAATGAGGCGGTGAGGCTGATGATGAGGAGTCTATA 784
DB 4680 GTAATACCCCGCGCTGTAACGCAATGAGGCGGTGAGGCTGATGATGAGGAGTCTATA 4739
QY 785 TAAAGAGAGCTGTTTATGAAACGCTGATGAGTCTGAGAGCGCATCCAGCTGTTTGG 844
DB 4740 TAAAGAGAGCTGTTTATGAAACGCTGATGAGTCTGAGAGCGCATCCAGCTGTTTGG 4799
QY 845 ACCTCATATAGACACCGGAGCGGATCCAGCTCCGCGCGGAGGAGGATGATGAGAA 904
DB 4800 ACCTCATATAGACACCGGAGCGGATCCAGCTCCGCGCGGAGGAGGATGATGAGAA 4859
QY 905 CGCGGATTTCCCGTCCAAAGTGAAGTGAAGTACCGCTTATAGACTCTATAGGACACCC 964
DB 4860 CGCGGATTTCCCGTCCAAAGTGAAGTGAAGTACCGCTTATAGACTCTATAGGACACCC 4919

QY 496 GGTAAATGGCCCGCTGGCATTTATGCCAGTACATGACCTTACGGGACTTCTTACTGTG 555
DB 411 GGTAAATGGCCCGCTGGCATTTATGCCAGTACATGACCTTATGGGACTTCTTACTGTG 470
QY 556 CAGTACATCTACCTATTTAGTCATCGCTATTTACATGATGATGGGTTTGGCAGTACATC 615
DB 471 CAGTACATCTACCTATTTAGTCATCGCTATTTACATGATGATGGGTTTGGCAGTACATC 530
QY 616 AATGGCGGTGATAGCGGTTTGACTCACGGGGATTTCCAAAGTCTCCACCCTTGAAGTC 675
DB 531 AATGGCGGTGATAGCGGTTTGACTCACGGGGATTTCCAAAGTCTCCACCCTTGAAGTC 590
QY 676 AATGGAGTTTGTTTTGGCACCAAAATCAAACGGGACTTTCCAAAATGCTGTAATTAACCC 735
DB 591 AATGGAGTTTGTTTTGGCACCAAAATCAAACGGGACTTTCCAAAATGCTGTAATTAACCC 650
QY 736 GCGCCCTTGAACGGAATGGGCGGTAGCGGTCATCGGTGGAGAGTCTATATTAAGCAAGCT 795
DB 651 GCGCCCTTGAACGGAATGGGCGGTAGCGGTCATCGGTGGAGAGTCTATATTAAGCAAGCT 710
QY 796 CGTTTATGTAACCGTCAGATCGCTGGAAGACGCGCATCAAGCTGTTTGAACCTCATAGA 855
DB 711 CGTTTATGTAACCGTCAGATCGCTGGAAGACGCGCATCAAGCTGTTTGAACCTCATAGA 770
QY 856 AGACACCGGAGACCGATCCAGCTCCGCGCCGGGAAACGGTCATTGGAACGCGGATTTCC 915
DB 771 AGACACCGGAGACCGATCCAGCTCCGCGCCGGGAAACGGTCATTGGAACGCGGATTTCC 830
QY 916 CGTCCCAAGATGACCTAATGTAACCGCTATAGACTCTATAGGCAACCCCTTTGGC-TCT 974
DB 831 CGTCCCAAGATGACCTAATGTAACCGCTATAGACTCTATAGGCAACCCCTTTGGC-TCT 890
QY 975 TATGATGCTAATCTGTTTGGCTTGGGACCTATACACCCCGCTTCTTATGCTATAG 1034
DB 891 TATGATGCTAATCTGTTTGGCTTGGGACCTATACACCCCGCTTCTTATGCTATAG 950
QY 1035 GTGATGTAATGCTTATGCTTATAGCGGTGATTTATGACCATTTATGACCACTCCCTAT 1094
DB 951 GTGATGTAATGCTTATGCTTATAGCGGTGATTTATGACCATTTATGACCACTCCCTAT 1010
QY 1095 TGGTACGATCTTTCATTTACATTAATCCATTAATGCTCTTGGCACAATATCTAT 1154
DB 1011 TGGTACGATCTTTCATTTACATTAATCCATTAATGCTCTTGGCACAATATCTAT 1070
QY 1155 TGGCTATATGCAATCTGTCCTTCAAGAGCTGACAGGACTCTGTAATTTTACAGGA 1214
DB 1071 TGGCTATATGCAATCTGTCCTTCAAGAGCTGACAGGACTCTGTAATTTTACAGGA 1130
QY 1215 TGGGGTCCCATTTATTTATTAACAATTCATATACACACGCGCTCCCGTGGCCGC 1274
DB 1131 TGGGGTCCCATTTATTTATTAACAATTCATATACACACGCGTCCCGTGGCCGC 1190
QY 1275 AGTTTATTTAACAATAGCGGTGATCTCAAGCGCAATCTCGGTAAGTGTTCGGACAT 1334
DB 1191 AGTTTATTTAACAATAGCGGTGATCTCAAGCGCAATCTCGGTAAGTGTTCGGACAT 1250
QY 1335 GGGCTCTTCTCGGTAGCGGTGAGGCTTCCATCCGAGCCGTGGTCCCATGCTCCAGC 1394
DB 1251 GGGCTCTTCTCGGTAGCGGTGAGGCTTCCATCCGAGCCGTGGTCCCATGCTCCAGC 1310
QY 1395 GACTCATGCTCGCTCGGAGCTCTTGTCTTAACAGTGGAGCCAGACTTAGGCACAGC 1454
DB 1311 GACTCATGCTCGCTCGGAGCTCTTGTCTTAACAGTGGAGCCAGACTTAGGCACAGC 1370
QY 1455 ACGATGCCCAACCAACAGTGTCCGCAAGGCGGTGCGGTAGGATGTGTCTGAA 1514
DB 1371 ACGATGCCCAACCAACAGTGTCCGCAAGGCGGTGCGGTAGGATGTGTCTGAA 1430
QY 1515 AATGAGCTCGAGATCGGCTCGACCGCTGACGCAAGATGGAAGCTTAAGGACAGGGCA 1574
DB 1431 AATGAGCTCGGAGATCGGCTCGACCGCTGACGCAAGATGGAAGCTTAAGGACAGGGCA 1490

QY 1575 GAAGAAGACGACGACGCTGAGTTGTGTTCTGATAAGACTCAGAGTAATCTCCGTT 1634
DB 1491 GAAGAAGATGACGACGCTGAGTTGTGTTCTGATAAGACTCAGAGTAATCTCCGTT 1550
QY 1635 GCGGTGCTTTAAGCTGAGGAGGAGTGTAGTCTGAGCAATCTGTTGCTGCGCGGC 1694
DB 1551 GCGGTGCTTTAAGCTGAGGAGGAGTGTAGTCTGAGCAATCTGTTGCTGCGCGGC 1610
QY 1695 GCCACGACATATATAGCTGACAGACTAAGGACTGTTCCCTTCCATGAGGTTCTTCTGC 1754
DB 1611 GCCACGACATATATAGCTGACAGACTAAGGACTGTTCCCTTCCATGAGGTTCTTCTGC 1670
QY 1755 AGTCACCGTCTT 1766
DB 1671 AGTCACCGTCTT 1682

Search completed: June 7, 2003, 11:42:02
Job time : 189 secs

GenCore version 5.1.6
Copyright (c) 1993 - 2003 CompuGen Ltd.

OM nucleic - nucleic search, using SW model

Run on: June 7, 2003, 11:35:55 ; Search time 255 Seconds
(without alignments)
9697.971 Million cell updates/sec

Title: US-09-886-942-8

Perfect score: 1767
Sequence: 1 atatgagcgtatctccgcga.....ttctcagtcacgcctcctt 1767

Scoring table: IDENTITY NUC
Gapop 10.0, Gapext 1.0

Searched: 870385 seqs, 699768693 residues

Total number of hits satisfying chosen parameters: 1740770

Minimum DB seq length: 0

Maximum DB seq length: 2000000000

Post-processing: Minimum Match 0%

Maximum Match 100%
Listing first 45 summaries

Database :

Published Applications NA.*
1: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US07_PUBCOMB.seq.*
2: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/ECT_NEW_PUB.seq.*
3: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US06_NEW_PUB.seq.*
4: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US06_PUBCOMB.seq.*
5: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US07_NEW_PUB.seq.*
6: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/ECTUS_PUBCOMB.seq.*
7: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US08_NEW_PUB.seq.*
8: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US08_PUBCOMB.seq.*
9: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US09_NEW_PUB.seq.*
10: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US09_PUBCOMB.seq.*
11: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US10_NEW_PUB.seq.*
12: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US10_PUBCOMB.seq.*
13: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US60_NEW_PUB.seq.*
14: /cgn2_6/ptodata/2/pubpna/US60_PUBCOMB.seq.*

Pred. No. is the number of results predicted by chance to have a
score greater than or equal to the score of the result being printed,
and is derived by analysis of the total score distribution.

SUMMARIES

Result No.	Score	Query Match	Length DB	ID	Description
1	1767	100.0	1767	10	US-09-886-942-8
2	1741.4	98.6	1767	10	US-09-886-942-21
3	1737.8	98.3	6408	10	US-09-996-128A-1
4	1737.8	98.3	6485	10	US-09-996-128A-2
5	1728.6	97.8	1767	10	US-09-886-942-5
6	1728.6	97.8	1767	10	US-09-886-942-15
7	1727	97.7	1767	10	US-09-886-942-16
8	1725.4	97.6	1767	10	US-09-886-942-14
9	1720.6	97.4	1767	10	US-09-886-942-18
10	1714.2	97.0	1765	10	US-09-886-942-13
11	1698.8	96.1	1766	10	US-09-886-942-6
12	1681.6	95.2	1767	10	US-09-886-942-19
13	1669.8	94.5	1757	10	US-09-886-942-17
14	1665	94.2	1757	10	US-09-886-942-11
15	1662.2	94.1	1758	10	US-09-886-942-2
16	1620.4	91.7	6485	9	US-10-239-804-6
17	1619	91.6	3883	10	US-09-798-675-3
18	1614.4	91.4	3894	10	US-09-798-675-1
19	1611.4	91.2	1715	10	US-09-886-942-7

20	1606.2	90.9	4867	9	US-10-149-640-16	Sequence 16, Appl
21	1606.2	90.9	4945	9	US-10-149-640-9	Sequence 9, Appl
22	1603	90.7	1766	10	US-09-886-942-1	Sequence 1, Appl
23	1601.8	90.7	1715	10	US-09-886-942-10	Sequence 10, Appl
24	1595.6	90.3	1716	10	US-09-886-942-4	Sequence 4, Appl
25	1594.2	90.2	5301	9	US-10-096-373-8	Sequence 8, Appl
26	1594.2	90.2	5316	9	US-10-096-373-11	Sequence 11, Appl
27	1579	89.4	4622	9	US-09-846-091-11	Sequence 11, Appl
28	1579	89.4	8001	10	US-09-491-974-3	Sequence 3, Appl
29	1577.4	89.3	6050	10	US-09-491-974-4	Sequence 4, Appl
30	1574.4	89.1	3610	9	US-09-194-949-1	Sequence 1, Appl
31	1574.4	89.1	4261	9	US-09-194-949-25	Sequence 25, Appl
32	1572.8	89.0	4432	9	US-10-149-640-14	Sequence 14, Appl
33	1572.8	89.0	4864	9	US-10-149-640-15	Sequence 15, Appl
34	1572.8	89.0	4864	9	US-10-149-640-26	Sequence 26, Appl
35	1572.8	89.0	4864	10	US-09-812-133-5	Sequence 5, Appl
36	1571	88.9	9918	10	US-09-798-675-5	Sequence 5, Appl
37	1568	88.7	4865	9	US-10-204-200-1	Sequence 1, Appl
38	1547.8	87.6	5610	9	US-10-090-983-2	Sequence 2, Appl
39	1547.8	87.6	5974	9	US-10-090-983-8	Sequence 8, Appl
40	1547.8	87.6	6514	9	US-10-090-983-1	Sequence 1, Appl
41	1547.8	87.6	7096	9	US-10-090-983-3	Sequence 3, Appl
42	1526	86.4	1665	10	US-09-886-942-20	Sequence 20, Appl
43	1430.4	81.0	1689	10	US-09-886-942-9	Sequence 9, Appl
44	1408.8	79.7	3360	9	US-10-023-969-4	Sequence 4, Appl
45	1339	75.8	1574	10	US-09-886-942-12	Sequence 12, Appl

ALIGNMENTS

RESULT 1
US-09-886-942-8
Sequence 8, Application US/09886942
Patent No. US20020081708A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: PNNONEN, JUHA
WRIGHT, ANNE
SEMYONOV, ANDREY
TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
FILE REFERENCE: 02-031910US
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886, 942
CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
PRIORITY FILING DATE: 2000-06-23
PRIORITY FILING DATE: 2000-06-23
NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
SEQ ID NO 8
LENGTH: 1767
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURE:
OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
US-09-886-942-8

Query Match 100.0%; Score 1767; DB 10; Length 1767;
Best Local Similarity 100.0%; Pred. No. 0;
Matches 1767; Conservative 0; Mismatches 0; Indels 0; Gaps 0;

QY	1	ATATGAGCTATATGCGCATGAGCGACATCAAGCGGCGCATGCGCATATGCG	60
DB	1	ATATGAGCTATATGCGCATGAGCGACATCAAGCGGCGCATGCGCATATGCG	60
QY	61	ATCTATACATGATCAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATG	120
DB	61	ATCTATACATGATCAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATG	120
QY	121	ATCATATGCTATGCGCATGATGATGCGCATGATGCGCATGATGCGCATGATG	180
DB	121	ATCATATGCTATGCGCATGATGATGCGCATGATGCGCATGATGCGCATGATG	180

181 ATGGCCCATGTCATATATGACCCGATGTTGACATGATTATTAAGTAAATG 240
181 ATGGCCCATGTCATATATGACCCGATGTTGACATGATTATTAAGTAAATG 240
241 TAATCAATTAAGGGGTCATTAAGTTCATAGCCCATATATGAGTTCCGCGTTACATACTT 300
241 TAATCAATTAAGGGGTCATTAAGTTCATAGCCCATATATGAGTTCCGCGTTACATACTT 300
301 ACGGTAAATGAGCCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 360
301 ACGGTAAATGAGCCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 360
361 ACGTATGTTCCCATATGTAAGCAATAGGGACCTTTCATTTAGCATTAATGAGTAT 420
361 ACGTATGTTCCCATATGTAAGCAATAGGGACCTTTCATTTAGCATTAATGAGTAT 420
421 TTAAGGTAAATGAGCCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 480
421 TTAAGGTAAATGAGCCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 480
481 ATGAGCATTAAGCAATGAGCCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 540
481 ATGAGCATTAAGCAATGAGCCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 540
541 GACTTTCTACTTGGGAGTACATCTAATGATTAAGTATGATGCTATTAAGTATGATGATG 600
541 GACTTTCTACTTGGGAGTACATCTAATGATTAAGTATGATGCTATTAAGTATGATGATG 600
601 TTTTGGCAGTACATCAATGAGGCGTGAATGAGCGTTGACATCAAGGGGATTTCCAACTTC 660
601 TTTTGGCAGTACATCAATGAGGCGTGAATGAGCGTTGACATCAAGGGGATTTCCAACTTC 660
661 CACCCGATTAAGCATTAAGGAGTATGTTTGGCACAATAATCAAGGGGATTTCCAACTTC 720
661 CACCCGATTAAGCATTAAGGAGTATGTTTGGCACAATAATCAAGGGGATTTCCAACTTC 720
721 TGTGTAATTAAGCCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 780
721 TGTGTAATTAAGCCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 780
781 TATATAGCAAGCTGTTTATGAAACCGTCAATGAGTATGAGTATGAGTATGAGTATG 840
781 TATATAGCAAGCTGTTTATGAAACCGTCAATGAGTATGAGTATGAGTATGAGTATG 840
841 TTTGACCTCCATTAAGCAAGCCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 900
841 TTTGACCTCCATTAAGCAAGCCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 900
901 GGAAGCGGATTCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 960
901 GGAAGCGGATTCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACGACCCCGCCATTTAGCATTAATG 960
961 ACCCTTTGGCTCTTATGATGCTATGCTTTTGGCTTTGGGCGCTTATTAACCCCGCT 1020
961 ACCCTTTGGCTCTTATGATGCTATGCTTTTGGCTTTGGGCGCTTATTAACCCCGCT 1020
1021 TCTTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
1021 TCTTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
1081 GACCACTCCCTATTTGGTACGATCTTTCCATTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1140
1081 GACCACTCCCTATTTGGTACGATCTTTCCATTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1140
1141 ACAAATCTCTATTTGGCTATTTGCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1200
1141 ACAAATCTCTATTTGGCTATTTGCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1200
1201 GATATTTTACAGAGTGGGTCATTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1260
1201 GATATTTTACAGAGTGGGTCATTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1260
1261 TCCCCCGTCCGCGAGTTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1320

1261 TCCCCCGTCCGCGAGTTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1320
1321 CGTGTTCGGAATATGAGGCTCTTCCGCTGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG 1380
1321 CGTGTTCGGAATATGAGGCTCTTCCGCTGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG 1380
1381 CCCATGCTCCAGGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1440
1381 CCCATGCTCCAGGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1440
1441 GACTTATGCTGTAATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1500
1441 GACTTATGCTGTAATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1500
1501 GGTATGCTGTAATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1560
1501 GGTATGCTGTAATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1560
1561 TTAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG 1620
1561 TTAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG 1620
1621 AGTAACTCCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1680
1621 AGTAACTCCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1680
1681 TTTGCTCCG 1740
1681 TTTGCTCCG 1740
1741 TGGGCTTTTTCGAGTACAGGCTCTT 1767
1741 TGGGCTTTTTCGAGTACAGGCTCTT 1767

RESULT 2
US-09-886-942-21
Sequence 21, Application US/09886942
Patent No. US20020081708A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
WRIGHT, ANNE
SEMYONOV, ANDREY
TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
FILE REFERENCE: 02-031910US
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
SEQ ID NO 21
LENGTH: 1767
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURES:
OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Consensus
US-09-886-942-21

Query Match 98.6%; Score 1741.4; DB 10; Length 1767;
Best Local Similarity 99.1%; Pred. No. 0;
Matches 1751; Conservative 0; Mismatches 16; Indels 0; Gaps 0;

1 ATATAGGCTATATCGCGATAGAGGCGACATCAAGCCGCGACATGCGCATATG 60
1 ATATAGGCTATATCGCGATAGAGGCGACATCAAGCTGCGACATGCGCATATG 60
61 ATCTATACATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 120
61 ATCTATACATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 120

QY 121 ATCAATATGCTATGCGCATTTGCAATAGTTGATCCGATCATATATATGATACATTTAT 180
Db 121 ATCAATATGCTATGCGCATTTGCAATAGTTGATCCGATCATATATATGATACATTTAT 180
QY 181 ATTGGCCCATGTCGAATATGACCGCGCATGTTGACATTTGATTTGACTATTAATG 240
Db 181 ATTGGCCCATGTCGAATATGACCGCGCATGTTGACATTTGATTTGACTATTAATG 240
QY 241 TAATCAATTAAGGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATATAGAGTTGCGGCTTACATTA 300
Db 241 TAATCAATTAAGGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATATAGAGTTGCGGCTTACATTA 300
QY 301 ACGGTAATGCGCGCTGCTGACCGCCCAACGACCGCCGCTTGAATGCAATTAATG 360
Db 301 ACGGTAATGCGCGCTGCTGACCGCCCAACGACCGCCGCTTGAATGCAATTAATG 360
QY 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCCAATAGGAGCTTTCCATTTGACGTCATAGGTTGAGTAT 420
Db 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCCAATAGGAGCTTTCCATTTGACGTCATAGGTTGAGTAT 420
QY 421 TTACGGTAATGCGCGCATTTGCAATGATGATCATATGCGAATGCGCGCTT 480
Db 421 TTACGGTAATGCGCGCATTTGCAATGATGATCATATGCGAATGCGCGCTT 480
QY 481 ATTGACGTCATGACGCTAATGAGCGCGCTGCAATTTATGCCAGTACATGACCTTACG 540
Db 481 ATTGACGTCATGACGCTAATGAGCGCGCTGCAATTTATGCCAGTACATGACCTTACG 540
QY 541 GACTTTCTACTGTCGACAGTACATCTACGATTAATGATGATGATGATGATGATGATG 600
Db 541 GACTTTCTACTGTCGACAGTACATCTACGATTAATGATGATGATGATGATGATGATG 600
QY 601 TTTTGGCAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 660
Db 601 TTTTGGCAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 660
QY 661 CACCCCATTTGACGTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 720
Db 661 CACCCCATTTGACGTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 720
QY 721 TGTGCTAATTAACCCCGCGCTTGAACGCAATGAGGCGGATGATGATGATGATGATG 780
Db 721 TGTGCTAATTAACCCCGCGCTTGAACGCAATGAGGCGGATGATGATGATGATGATG 780
QY 781 TATATAGGAGAGCTGCTTATGTAACCGTCAGATGCTGATGAGCGCATGCAAGCTGT 840
Db 781 TATATAGGAGAGCTGCTTATGTAACCGTCAGATGCTGATGAGCGCATGCAAGCTGT 840
QY 841 TTTGACCTTCATAGAAACACCGCGGACCGATCCAGCTCCGCGCGGAAACGCTGAT 900
Db 841 TTTGACCTTCATAGAAACACCGCGGACCGATCCAGCTCCGCGCGGAAACGCTGAT 900
QY 901 GGAACGCGGATTTCCCGTGCAGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGA 960
Db 901 GGAACGCGGATTTCCCGTGCAGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGA 960
QY 961 ACCCTTTGGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1020
Db 961 ACCCTTTGGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1020
QY 1021 TCCCTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1080
Db 1021 TCCCTATGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1080
QY 1081 GACCACTCCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1140
Db 1081 GACCACTCCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1140
QY 1141 ACAACATCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1200
Db 1141 ACAACATCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1200

QY 1201 GATATTTTACAGATGAGGTCCTTATTTATTTACAAATTCATATATACAAACAGCGCG 1260
Db 1201 GATATTTTACAGATGAGGTCCTTATTTATTTTACAAATTCATATATACAAACAGCGCG 1260
QY 1261 TCCCGCGCGCGGATTTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT 1320
Db 1261 TCCCGCGCGCGGATTTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT 1320
QY 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTTCTTCCGCTTACGATGAGGTCCTTCCATCCGAGCTGAT 1380
Db 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTTCTTCCGCTTACGATGAGGTCCTTCCATCCGAGCTGAT 1380
QY 1381 CCATGCTTCCAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1440
Db 1381 CCATGCTTCCAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1440
QY 1441 GACTTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1500
Db 1441 GACTTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1500
QY 1501 GGTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1560
Db 1501 GGTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1560
QY 1561 TTAAGCAGCGGACAGAAAGACGAGGACGCTGATGATGATGATGATGATGATG 1620
Db 1561 TTAAGCAGCGGACAGAAAGACGAGGACGCTGATGATGATGATGATGATGATG 1620
QY 1621 AGTATCTCCGCTTCCGCTGCTGTTAAGGTCGAGGAGGTCGATGATGATGATGATG 1680
Db 1621 AGTATCTCCGCTTCCGCTGCTGTTAAGGTCGAGGAGGTCGATGATGATGATGATG 1680
QY 1681 TTGCTGCGCGCGCGCGCACAGACATATATAGCTGACAGTAAAGGATGATGATG 1740
Db 1681 TTGCTGCGCGCGCGCGCACAGACATATATAGCTGACAGTAAAGGATGATGATG 1740
QY 1741 TGGGCTTTTCTGACGATCAGCGTCTT 1767
Db 1741 TGGGCTTTTCTGACGATCAGCGTCTT 1767

RESULT 3
US-09-996-128A-1
Sequence 1, Application US/09996128A
Patent No. US20020150589A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Houghton, Alan
APPLICANT: Bergman, Phillip
APPLICANT: Wolchok, Jedd
TITLE OF INVENTION: Compositions for treatment of Melanoma and Methods of Using Same
FILE REFERENCE: MSK-P-026-3
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/996,128A
CURRENT FILING DATE: 2001-11-27
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/627,694
PRIOR FILING DATE: 2000-07-28
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/308,697
PRIOR FILING DATE: 1998-05-21
PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/US97/22669
PRIOR FILING DATE: 1997-12-10
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/036,419
PRIOR FILING DATE: 1997-02-18
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/032,535
PRIOR FILING DATE: 1996-12-10
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/180,651
PRIOR FILING DATE: 2000-01-26
NUMBER OF SEQ ID NOS: 2
SOFTWARE: PatentIn version 3.0
SEQ ID NO 1
LENGTH: 6408
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURE:
NAME/KEY: misc_feature

LOCATION: (.)
OTHER INFORMATION: vector containing human tyrosinase
US-09-996-128A-1

Query Match 98.3%; Score 1737.8; DB 10; Length 6408;

Best Local Similarity 99.0%; Pred. No. 0;

Matches 1748; Conservative 0; Mismatches 17; Indels 0; Gaps 0;

QY 1 ATATAGGCTATATCCCGCATAGAGGCGACATCAAGCCGCGCATGCGCATATGCG 60
DB 2642 ATATAGGCTATATCCCGCATAGAGGCGACATCAAGCTGCGCATATGCGCATATGCG 2701
QY 61 ATATATACATGATATATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATAT 120
DB 2702 ATATATACATGATATATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATAT 2761
QY 121 ATCAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATATAT 180
DB 2762 ATCAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATATAT 2821
QY 181 ATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 240
DB 2822 ATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 2881
QY 241 ATATCAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 300
DB 2882 ATATCAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 2941
QY 301 ACAGTAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATATAT 360
DB 2942 ACAGTAATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATATAT 3001
QY 361 ACATATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATATATAT 420
DB 3002 ACATATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATATATAT 3061
QY 421 ATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 480
DB 3062 ATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 3121
QY 481 ATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 540
DB 3122 ATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATGCGCATATATATATATATATATATATATAT 3181
QY 541 GACTTCTACTTGGAGTACATCTAGTATGATGCTATATATATATATATATATATATATAT 600
DB 3182 GACTTCTACTTGGAGTACATCTAGTATGATGCTATATATATATATATATATATATATAT 3241
QY 601 TTTTGGCAGTACATCAATGCGCGTGAATAGCGGTTTACTCAGCGGGATTTTCCAACTTC 660
DB 3242 TTTTGGCAGTACATCAATGCGCGTGAATAGCGGTTTACTCAGCGGGATTTTCCAACTTC 3301
QY 661 CACCCCATGAGCTCAATGCGCGTGAATAGCGGTTTACTCAGCGGGATTTTCCAACTTC 720
DB 3302 CACCCCATGAGCTCAATGCGCGTGAATAGCGGTTTACTCAGCGGGATTTTCCAACTTC 3361
QY 721 TGTGCTAATACCCCGCGCTTGAAGCAATGCGCGTGAATAGCGGTTTACTCAGCGGGATTC 780
DB 3362 TGTGCTAATACCCCGCGCTTGAAGCAATGCGCGTGAATAGCGGTTTACTCAGCGGGATTC 3421
QY 781 TATATATAGCAGAGCTGTTTACTGAAACGCTGAGATGCGCTGAGAGCGCATCCAGCTGT 840
DB 3422 TATATATAGCAGAGCTGTTTACTGAAACGCTGAGATGCGCTGAGAGCGCATCCAGCTGT 3481
QY 841 TTTGACCTCATATAG 900
DB 3482 TTTGACCTCATATAG 3541
QY 901 GGAAGCGGAGATTCCTGCTGCAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 960
DB 3542 GGAAGCGGAGATTCCTGCTGCAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 3601
QY 961 ACCCTTTGGCTTTATGAG 1020

DB 3602 ACCCTTTGGCTTTATGAG 3661
QY 1021 TCCCTATATAG 1080
DB 3662 TCCCTATATAG 3721
QY 1081 GACCACTCCCTATATAG 1140
DB 3722 GACCACTCCCTATATAG 3781
QY 1141 ACACTATCTTATATAG 1200
DB 3782 ACACTATCTTATATAG 3841
QY 1201 GATATTTTACAG 1260
DB 3842 GATATTTTACAG 3901
QY 1261 TCCCTATATAG 1320
DB 3902 TCCCTATATAG 3961
QY 1321 CGTGTTCGAG 1380
DB 3962 CGTGTTCGAG 4021
QY 1381 CCCATGCTCCAG 1440
DB 4022 CCCATGCTCCAG 4081
QY 1441 GACTTATAG 1500
DB 4082 GACTTATAG 4141
QY 1501 GGTATGTCTGAAATATAG 1560
DB 4142 GGTATGTCTGAAATATAG 4201
QY 1561 TTAAGGAG 1620
DB 4202 TTAAGGAG 4261
QY 1621 AGTAACTCCCTGCTGAG 1680
DB 4262 AGTAACTCCCTGCTGAG 4321
QY 1681 TTGCTGCG 1740
DB 4322 TTGCTGCG 4381
QY 1741 TGGGCTTTTCTGAG 1765
DB 4382 TGGGCTTTTCTGAG 4406

RESULT 4
US-09-996-128A-2

Sequence 2, Application US/09996128A
Patent No. US20020150589A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Houghton, Alan
APPLICANT: Bergman, Phillip
APPLICANT: Wolchok, Jed
TITLE OF INVENTION: Compositions for treatment of Melanoma and Methods of Using Same
FILE REFERENCE: MSK-P-026-3
CURRENT FILING DATE: 2001-11-27
CURRENT APPLICATION NUMBER: US 09/627,694
PRIOR FILING DATE: 2000-07-28
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/308,697
PRIOR FILING DATE: 1999-05-21
PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/US97/22669

;; PRIOR FILING DATE: 1997-12-10
;; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/036,419
;; PRIOR FILING DATE: 1997-02-18
;; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/032,535
;; PRIOR FILING DATE: 1996-12-10
;; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/180,651
;; PRIOR FILING DATE: 2000-01-26
;; NUMBER OF SEQ ID NOS: 2
;; SOFTWARE: PatentIn version 3.0
;; SEQ ID NO 2
;; LENGTH: 6485
;; TYPE: DNA
;; ORGANISM: Artificial Sequence
;; FEATURE:
;; NAME/KEY: misc feature
;; LOCATION: (1..7)
;; OTHER INFORMATION: vector containing murine tyrosinase
US-09-936-128A-2

Query Match 98.3%; Score 1737.8; DB 10; Length 6485;
Best Local Similarity 99.0%; Pred. No. 0;
Matches 1748; Conservative 0; Mismatches 17; Indels 0; Gaps 0;

QY 1 AATAGAGCTATATGCGGATGAGCGGACATCAAGCCGGCACATGGCCATGCAATGCAATCG 60
DB 2642 AATAGAGCTATATGCGGATGAGCGGACATCAAGCTGGCACATGGCCATGCAATGCAATCG 2701
QY 61 ATCTATAGCTAATGCAATATTTGGCAATTTAGCAATTTATTCATTTGTTATTTAGCATTA 120
DB 2702 ATCTATAGCTAATGCAATATTTGGCAATTTAGCAATTTATTTGTTATTTAGCATTA 2761
QY 121 ATCAATATTTGGCTATTTGGCCATTTGCAATGCTGTATCCGATCATATATATGACATTTAT 180
DB 2762 ATCAATATTTGGCTATTTGGCCATTTGCAATGCTGTATCCGATCATATATATGACATTTAT 2821
QY 181 ATGGCCCATGTCCTAATATGACCGGCAATGTTGACATTTGATTTATGATTTATTAATG 240
DB 2822 ATGGCCCATGTCCTAATATGACCGGCAATGTTGACATTTGATTTATGATTTATTAATG 2881
QY 241 TAAATCAATTTAGGGGGTCAATTTAGTATGACCCATATATGAGAGTTCCGGTTACATTA 300
DB 2882 TAAATCAATTTAGGGGGTCAATTTAGTATGACCCATATATGAGAGTTCCGGTTACATTA 2941
QY 301 ACGGTAATATGAGCGGCTGAGCGGCGGCAAGACCGGCGGCAATGACATTAATG 360
DB 2942 ACGGTAATATGAGCGGCTGAGCGGCGGCAAGACCGGCGGCAATGACATTAATG 3001
QY 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGGCAATAGGAGCTTTCCATTTGACGTCATGAGGTGAGTAT 420
DB 3002 ACGTATGTTCCCATATGTAACGGCAATAGGAGCTTTCCATTTGACGTCATGAGGTGAGTAT 3061
QY 421 TTAAGCTAATCTGCCCATCTTGGCAATCACTAAGGTATCATATGCGCAAGTCCGCCCT 480
DB 421 TTAAGCTAATCTGCCCATCTTGGCAATCACTAAGGTATCATATGCGCAAGTCCGCCCT 3121
QY 3062 TTAAGCTAATCTGCCCATCTTGGCAATCACTAAGGTATCATATGCGCAAGTCCGCCCT 3121
DB 481 ATGAGCTCAATGAGCGGTAATGAGCGGCTGAGCGGCGGCAATGAGGTAATGAGGTAATG 540
QY 3122 ATGAGCTCAATGAGCGGTAATGAGCGGCTGAGCGGCGGCAATGAGGTAATGAGGTAATG 3181
DB 541 GACTTTCCTACTTGGCAAGTACATCTAAGTATTTAGTATGATGATTTACCAATGAGTATG 600
QY 3182 GACTTTCCTACTTGGCAAGTACATCTAAGTATTTAGTATGATGATTTACCAATGAGTATG 3241
DB 601 TTTTGGCAGTACATCAATGAGGCTGATGATGAGCGGTTGATCAAGGAGATTTTCAAGTCTC 660
QY 3242 TTTTGGCAGTACATCAATGAGGCTGATGATGAGCGGTTGATCAAGGAGATTTTCAAGTCTC 3301
DB 661 CACCCATTTGACGTCATATGAGGAGTTGTTTGGACCAAAATCAAGGAGCTTTTCAAAA 720
QY 3302 CACCCATTTGACGTCATATGAGGAGTTGTTTGGACCAAAATCAAGGAGCTTTTCAAAA 3361
DB 721 TGTGTAATATACCCCGCGGTTGACGAATGAGGCGGTGAGCGGTGACGTTGAGGAGGTC 780

DB 3362 TGTGTAATATACCCCGCGGTTGACGAATGAGGCGGTGAGCGGTGACGTTGAGGAGGTC 3421
QY 781 TATATTAAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAATGCGCTGAGACCGCATTCACGCTGT 840
DB 3422 TATATTAAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAATGCGCTGAGACCGCATTCACGCTGT 3481
QY 841 TTTGACCTCCATTAAGACACCGGAGCGGATCCAGCTTCGCGGCGGGAACGCTGCAAT 900
DB 3482 TTTGACCTCCATTAAGACACCGGAGCGGATCCAGCTTCGCGGCGGGAACGCTGCAAT 3541
QY 901 GGAAGCGGAGATTTCCCGGCGGCAAGTACGTAATGACCGGCTATAGCTTATAGGAC 960
DB 3542 GGAAGCGGAGATTTCCCGGCGGCAAGTACGTAATGACCGGCTTATAGGAC 3601
QY 961 ACCCTTTGGCTTTATGATGATATGATTTTGGCTTGGGCGCTATACACCCCGCT 1020
DB 3602 ACCCTTTGGCTTTATGATGATATGATTTTGGCTTGGGCGCTATACACCCCGCT 3661
QY 1021 TCTTATGCTATTAAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
DB 3662 TCTTATGCTATTAAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 3721
QY 1081 GACCACTCCCTATTTGGGACGATACCTTCCATTTACTATTAATCAATCAATGCTCTTGGC 1140
DB 3722 GACCACTCCCTATTTGGGACGATACCTTCCATTTACTATTAATCAATCAATGCTCTTGGC 3781
QY 1141 ACAACTATCTCTATTTGGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200
DB 3782 ACAACTATCTCTATTTGGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 3841
QY 1201 GTATTTTAAAGATGAGGCTCCATTTATTTAAATTTAAATTTCAATATTAACAACAGCGC 1260
DB 3842 GTATTTTAAAGATGAGGCTCCATTTATTTAAATTTAAATTTCAATATTAACAACAGCGC 3901
QY 1261 TCCCGGCGGCGGAGTTTATTTAAATGAGGCTGATCTCCACGCGGAATCTCGGTA 1320
DB 3902 TCCCGGCGGCGGAGTTTATTTAAATGAGGCTGATCTCCACGCGGAATCTCGGTA 3961
QY 1321 CGTGTTCGGAACATGAGGCTCTTCCCGGTAGCGGAGGAGGCTTCCATCCGAGCCCTGT 1380
DB 3962 CGTGTTCGGAACATGAGGCTCTTCCCGGTAGCGGAGGAGGCTTCCATCCGAGCCCTGT 4021
QY 1381 CCCATGCTCCAGGAGCTCATGATGCTCGGAGGCTCTTCCCTCCCAACAGTGAAGGCA 1440
DB 4022 CCCATGCTCCAGGAGGCTCATGATGCTCGGAGGCTCTTCCCTCCCAACAGTGAAGGCA 4081
QY 1441 GACTTAAAGCAGACGATGCGCACACCAACAGTGTGCGGCAAGGCGGTGAG 1500
DB 4082 GACTTAAAGCAGACGATGCGCACACCAACAGTGTGCGGCAAGGCGGTGAG 4141
QY 1501 GGTATGCTCGAATAATGAGCTCGGAGATCGGAGCTCGACCGCTGACGACATGGAAGAC 1560
DB 4142 GGTATGCTCGAATAATGAGCTCGGAGATCGGAGCTCGACCGCTGACGACATGGAAGAC 4201
QY 1561 TTAAGGCGAGCGGAGAAAGACGACGAGCTGAGTGTGTGTTGATTAAGAGTCA 1620
DB 4202 TTAAGGCGAGCGGAGAAAGATGACGAGCTGAGTGTGTGTTGATTAAGAGTCA 4261
QY 1621 AGTAACTCCGTTGCGGTGCTTTAATCGGTGAGGAGGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 1680
DB 4262 AGTAACTCCGTTGCGGTGCTTTAATCGGTGAGGAGGAGTGTGAGTGTGAGTGTGAG 4321
QY 1681 TTTGCGGCGGCGGCGGCAACAGACATTAATAGCTGACACTTAAGGAGCTGTTCCCTTCA 1740
DB 4322 TTTGCGGCGGCGGCGGCAACAGACATTAATAGCTGACACTTAAGGAGCTGTTCCCTTCA 4381
QY 1741 TGGGCTTTTTCGACGTCACCGTCC 1765
DB 4382 TGGGCTTTTTCGACGTCACCGTCC 4406

RESULT 5
US-09-886-942-5

; Sequence 5, Application US/09886942
; Patent No. US20020081708A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
; WRIGHT, ANNE
; SEMONOV, ANDREY
; APPLICANT:
; TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
; FILE REFERENCE: 02-031910US
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
; SOFTWARE: Patentin Ver. 2.1
; SEQ ID NO 5
; LENGTH: 1767
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
; US-09-886-942-5

Query Match 97.8%; Score 1728.6; DB 10; Length 1767;
Best Local Similarity 98.6%; Pred. No. 0;
Matches 1743; Conservative 0; Mismatches 24; Indels 0; Gaps 0;

QY 1 AATGAGGCTATATGCGCCATGAGCGGCATCAAGCCGGCATGCGCCAAATGCAATGCG 60
DB 1 AATGAGGCTATATGCGCCATGAGCGGCATCAAGCCGGCATGCGCCAAATGCAATGCG 60
QY 61 ATCTATACATGATCAATATGATGCGCATTTAGCCATTTATTCATGTTATATGACATTA 120
DB 61 ATCTATACATGATCAATATGATGCGCATTTAGCCATTTATTCATGTTATATGACATTA 120
QY 121 ATCAATATTTGCTATTTGCGCATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 180
DB 121 ATCAATATTTGCTATTTGCGCATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 180
QY 181 ATTGGCCCATGTCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 240
DB 181 ATTGGCCCATGTCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 240
QY 241 TATATCAATATGCGGGGCTATTTAGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 300
DB 241 TATATCAATATGCGGGGCTATTTAGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 300
QY 301 ACGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTGATGATGATGATGAT 360
DB 301 ACGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTGATGATGATGATGAT 360
QY 361 ACGTATGTTCCCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 420
DB 361 ACGTATGTTCCCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 420
QY 421 TTAAGGTAACCTGCGCATTTGGCAGTATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 480
DB 421 TTAAGGTAACCTGCGCATTTGGCAGTATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 480
QY 481 ATTGAAGCTAATGAGCGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTT 540
DB 481 ATTGAAGCTAATGAGCGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTT 540
QY 541 GACTTTCCCTACTTGGCAGTATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 600
DB 541 GACTTTCCCTACTTGGCAGTATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 600
QY 601 TTTTGGCAGTATCAATGAGCGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTT 660
DB 601 TTTTGGCAGTATCAATGAGCGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTT 660
QY 661 CACCCATTGACGTCAATGAGCGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTT 720
DB 661 CACCCATTGACGTCAATGAGCGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTT 720

DB 661 CACCCATTGACGTCAATGAGCGGTAAATGAGCGCGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTT 720
QY 721 TGTGTAATTAACCCCGCGCTGCTGACCGCAATGAGCGGTAGCGGTATGAGGTGAGGTG 780
DB 721 TGTGTAATTAACCCCGCGCTGCTGACCGCAATGAGCGGTAGCGGTATGAGGTGAGGTG 780
QY 781 TATATTAACAGAGCTGTTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 840
DB 781 TATATTAACAGAGCTGTTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 840
QY 841 TTTGACCTTCCATTAAGACACCGGAGCGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 900
DB 841 TTTGACCTTCCATTAAGACACCGGAGCGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 900
QY 901 GGAACGGGAGTTCCCGCGCGCAAGAGTGAAGTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 960
DB 901 GGAACGGGAGTTCCCGCGCGCAAGAGTGAAGTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 960
QY 961 ACCCTTTGCTTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
DB 961 ACCCTTTGCTTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
QY 1021 TCTTATGCTATTAAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
DB 1021 TCTTATGCTATTAAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
QY 1081 GACCACTCCCTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
DB 1081 GACCACTCCCTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
QY 1141 ACAACTATCTATTTGCTATTAAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200
DB 1141 ACAACTATCTATTTGCTATTAAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200
QY 1201 GTATTTTACAGATGAGGTGCTGCTTATTTATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1260
DB 1201 GTATTTTACAGATGAGGTGCTGCTTATTTATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1260
QY 1261 TCCCGCGCGCGCGAGTTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1320
DB 1261 TCCCGCGCGCGCGAGTTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1320
QY 1321 CGTGTCCGAGCATGAGGTGCTTCTCCGATGAGGTGAGGTGAGGTGAGGTGAGGTGAGGTGAG 1380
DB 1321 CGTGTCCGAGCATGAGGTGCTTCTCCGATGAGGTGAGGTGAGGTGAGGTGAGGTGAGGTGAG 1380
QY 1381 CCGATGCTCCAGGAGCTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1440
DB 1381 CCGATGCTCCAGGAGCTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1440
QY 1441 GACTTATGAGCAGAGCAGATGCGCACACACACAGTATGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAG 1500
DB 1441 GACTTATGAGCAGAGCAGATGCGCACACACACAGTATGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAG 1500
QY 1501 GGTATGATGCTGAATAATGATGCTGAGAGTCCGAGTCCGACCGCTGACGAGCAGAGTGAAGAC 1560
DB 1501 GGTATGATGCTGAATAATGATGCTGAGAGTCCGAGTCCGACCGCTGACGAGCAGAGTGAAGAC 1560
QY 1561 TTAAGGCGAGCGGAGAGAGATGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAG 1620
DB 1561 TTAAGGCGAGCGGAGAGAGATGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAGAGCAG 1620
QY 1621 AGTATGATGCTGAGAGTCCGAGTCCGAGTCCGACCGCTGACGAGCAGAGTGAAGAC 1680
DB 1621 AGTATGATGCTGAGAGTCCGAGTCCGAGTCCGACCGCTGACGAGCAGAGTGAAGAC 1680
QY 1681 TTTGCTGCGCGCGCGGAGCAGACAGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1740
DB 1681 TTTGCTGCGCGCGCGGAGCAGACAGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1740
QY 1741 TGGGCTTTTCTGAGTACCGGTCTT 1767
DB 1741 TGGGCTTTTCTGAGTACCGGTCTT 1767

Db 1741 TGGGTCTTTTCGACGTCACGCTCTT 1767

RESULT 6
US-09-886-942-15
; Sequence 15, Application US/09886942
; Patent No. US2002081708A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
; WRIGHT, ANNE
; SEMONOV, ANDREY
; APPLICANT:
; TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
; FILE REFERENCE: 02-031910US
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
; SOFTWARE: Patent In Ver. 2.1
; SEQ ID NO 15
; LENGTH: 1767
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
US-09-886-942-15

Query Match 97.8%; Score 1728.6; DB 10; Length 1767;
Best Local Similarity 98.6%; Pred. No. 0;
Matches 1743; Conservative 0; Mismatches 24; Indels 0; Gaps 0;

Qy 1 ATATAGGCTATATGCGCGATGAGGCGACATCAAGCGCGACATGCGCAATGCAATCG 60
Db 1 ATATAGGCTATATGCGCGATGAGGCGACATCAAGCTGCGACATGCGCAATGCAATCG 60

Qy 61 ATCTATACATGATCAATATATGCGCAATGAGCATATATATGTTATATAGCATTA 120
Db 61 ATCTATACATGATCAATATATGAGCAATGAGCATATATATGTTATATAGCATTA 120

Qy 121 ATCAATATGCTATGCGCATGAGCATGACGTTGATTCGATCATATATGATCATTTAT 180
Db 121 ATCAATATGCTATGCGCATGAGCATGACGTTGATTCATATATATATGATCATTTAT 180

Qy 181 ATGGCCCATGTCATATATGAGCGCGCATGTCATATGATTTATATAGTATATATAG 240
Db 181 ATGGCTCATATGTCATATATGAGCGCGCATGTCATATGATTTATATATATAG 240

Qy 241 TATATCAATTAAGCGGCTCATATGATGACCATATATGAGATTCGCGTTATCATATCT 300
Db 241 TATATCAATTAAGCGGCTCATATGATGACCATATATGAGATTCGCGTTATCATATCT 300

Qy 301 ACGGTAATGCGCGCGCTGCGTACGCGCCCAACGACCCCGCCCATATGACGTCAATATAG 360
Db 301 ACGGTAATGCGCGCGCTGCGTACGCGCCCAACGACCCCGCCCATATGACGTCAATATAG 360

Qy 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCGCATATGAGGACTTTCATATGACGTCAATGAGTAT 420
Db 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCGCATATGAGGACTTTCATATGACGTCAATGAGTAT 420

Qy 421 TTAAGCTAACTGCGCATGCGCATGATCAATGATGATCATATGCGGCGCCCT 480
Db 421 TTAAGCTAACTGCGCATGCGCATGATCAATGATGATCATATGCGGCGCCCT 480

Qy 481 ATTGACGTCAATGACGTAATATGCGCGCTGCGCATATATGCGGCGGCTTACGG 540
Db 481 ATTGACGTCAATGACGTAATATGCGCGCTGCGCATATATGCGGCGGCTTACGG 540

Qy 541 GACTTCTACTGCGCATGATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 600
Db 541 GACTTCTACTGCGCATGATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 600

Qy 601 TTTTGGCAGTATCATATGCGCGTGTAGTACGCGGTTTATCTACGCGGATTTTCAAATCTC 660
Db 601 TTTTGGCAGTATCAATATGCGCGTGTAGTACGCGGTTTATCTACGCGGATTTTCAAATCTC 660

Qy 661 CACCCCATGATGATCAATGAGGATTTGTTTGGCACCACCAATCAACGGGACTTTTCAA 720
Db 661 CACCCCATGATGATCAATGAGGATTTGTTTGGCACCACCAATCAACGGGACTTTTCAA 720

Qy 721 TGTGCTATTAACCCCGCGCGCTGATGCGCAATGAGGCGGTAGCGGTTACGCGTGGAGGTC 780
Db 721 TGTGCTATTAACCCCGCGCGCTGATGCGCAATGAGGCGGTAGCGGTTACGCGTGGAGGTC 780

Qy 781 TATATAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAGATTCGCTGAGACCGCATTCACGCTGT 840
Db 781 TATATAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAGATTCGCTGAGACCGCATTCACGCTGT 840

Qy 841 TTTGACCTCCATGAGACACCGGAGCGGATTCAGCTTCGCGGCGCGGAAACGCTGCAAT 900
Db 841 TTTGACCTCCATGAGACACCGGAGCGGATTCAGCTTCGCGGCGCGGAAACGCTGCAAT 900

Qy 901 GAAACGCGGATTTCCCGCGCAAGAGTACGTAAGTACCGGCTATATGACTATATGAGGAC 960
Db 901 GAAACGCGGATTTCCCGCGCAAGAGTACGTAAGTACCGGCTATATGACTATATGAGGAC 960

Qy 961 ACCCTTTGCGCTTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
Db 961 ACCCTTTGCGCTTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020

Qy 1021 TCTTATATGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
Db 1021 TCTTATATGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080

Qy 1081 GACCACTCCCTATATGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
Db 1081 GACCACTCCCTATATGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140

Qy 1141 ACAACTATCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200
Db 1141 ACAACTATCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200

Qy 1201 GTATTTTACAGATGAGGCTCCATTTATTTTACAAATTCATATATCAACACGCGCG 1260
Db 1201 GTATTTTACAGATGAGGCTCCATTTATTTTACAAATTCATATATCAACACGCGCG 1260

Qy 1261 TCCCCCGGCGCGGATTTTATTAATATGAGGCGGATTCACACGCGGATTCGCGGTA 1320
Db 1261 TCCCCCGGCGCGGATTTTATTAATATGAGGCGGATTCACACGCGGATTCGCGGTA 1320

Qy 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCCGCTAGCGGCTGCGGCTTCCACATCCAGCCCTGT 1380
Db 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCCGCTAGCGGCTGCGGCTTCCACATCCAGCCCTGT 1380

Qy 1381 CCGATGCTCCAGGATCTATGCTGCTGCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1440
Db 1381 CCGATGCTCCAGGATCTATGCTGCTGCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1440

Qy 1441 GACTTGGCAGACAGATGCGCACACACACACACACACACACACACACACACACACACAC 1500
Db 1441 GACTTGGCAGACAGATGCGCACACACACACACACACACACACACACACACACACACAC 1500

Qy 1501 GGTATGCTCTGAATAATGATGCGAGATCGGAGCTGCGACCGCTGACCGCAGATGAAAG 1560
Db 1501 GGTATGCTCTGAATAATGATGCGAGATCGGAGCTGCGACCGCTGACCGCAGATGAAAG 1560

Qy 1561 TTAAGGCGCGGCGAGAGAGACGAGGACGCTGAGATTTGTTGTTCTGATPAAGTACG 1620
Db 1561 TTAAGGCGCGGCGAGAGAGATGAGGACGCTGAGATTTGTTGTTCTGATPAAGTACG 1620

Qy 1621 AGGTAACTCGGCTGCGGCTGCTTAAACGCGGAGGCGGAGTGTGCTGACAGATCTCG 1680
Db 1621 AGGTAACTCGGCTGCGGCTGCTTAAACGCGGAGGCGGAGTGTGCTGACAGATCTCG 1680

Qy 1681 TTGCTGCGCGCGCGCCACAGACATATATGCTGACAGATTAACGACCTGTTCTTTTCCA 1740

```

Db      1681 TTGCTGCGCCGCGCGCCAGACATTAATAGCTGACAGACTAACAAGACTGTTCCCTTCCA 1740
QY      1741 TGGGCTTTTCTGCACTGACCGGCTT 1767
Db      1741 TGGGCTTTTCTGCACTGACCGGCTT 1767

RESULT 7
US-09-886-942-16
; Sequence 16, Application US/09886942
; Patent No. US20020081708A1
; GENERAL INFORMATION:
;   APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
;   WRIGHT, ANNE
;   SEMONOV, ANDREY
; APPLICANT:
; TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
; FILE REFERENCE: 02-031910US
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
; NUMBER OF SEQ. ID NOS: 40
; SOFTWARE: Patent Ver. 2.1
; SEQ. ID NO 16
; LENGTH: 1767
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
; OTHER INFORMATION: oligonucleotide
US-09-886-942-16

Query Match      97.7%; Score 1727; DB 10; Length 1767;
Best Local Similarity 98.6%; Pred. No. 0;
Matches 1742; Conservative 0; Mismatches 25; Indels 0; Gaps 0;

QY      1 ATATGAGGCTATATCGCCGATAGAGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCCATGTCATATCG 60
Db      1 ATATGAGGCTATATCGCCGATATAGGCGACATCAAGCTGCGACATGGCCCATATGCG 60
QY      61 ATCTATACATTAATCAATATTTGGCAATTAGCCCATATTTATTCATTGGTTATATAGCATAA 120
Db      61 ATCTATACATTAATCAATATTTGGCAATTAGCCCATATTTATTCATTGGTTATATAGCATAA 120
QY      121 ATCAATATTTGGCTATTTGGCCATTGCTAGTGTATCCCTATCATATATATGACATTAAT 180
Db      121 ATCAATATTTGGCTATTTGGCCATTGCTAGTGTATCTATATCATATATATGACATTAAT 180
QY      181 ATTGGCCCATGTCATATATGACCGCCATGTTGACATTTATTTAGTACTAGTATTATATAG 240
Db      181 ATTGGCTCATGTCATATATGACCGCCATGTTGACATTTATTTAGTACTAGTATTATATAG 240
QY      241 TAATCAATTTAGCGGGGCTATTAGTTCTATAGCCCATATATATAGAGTTCCGCGTTACATACTT 300
Db      241 TAATCAATTTAGCGGGGCTATTAGTTCTATAGCCCATATATATAGAGTTCCGCGTTACATACTT 300
QY      301 AGCGTAAATGCGCCGCTGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTGACGTCATATATAG 360
Db      301 AGCGTAAATGCGCCGCTGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTGACGTCATATATAG 360
QY      361 AGCGTAAATGCGCCGCTGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTGACGTCATATATAG 420
Db      361 AGCGTAAATGCGCCGCTGCTGCTGACCGCCCAAGACCCCGCCCATTTGACGTCATATATAG 420
QY      421 TTACGTTAAATGCGCCCATTTGACGTCATATATATAGAGTTCCGCGTTACATACTT 480
Db      421 TTACGTTAAATGCGCCCATTTGACGTCATATATATAGAGTTCCGCGTTACATACTT 480
QY      481 ATTGACGTCATATATAGCGTAAATGCGCCGCTGCTGCTGACCGCATTTAGCCAGTACATGACTT 540
Db      481 ATTGACGTCATATATAGCGTAAATGCGCCGCTGCTGCTGACCGCATTTAGCCAGTACATGACTT 540

```

```

QY      541 GACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTACGTATTAGTATCGTATTATCCAGGTGATGCGG 600
Db      541 GACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTACGTATTAGTATCGTATTATCCAGGTGATGCGG 600
QY      601 TTTTGGCAGTACATCAATAGGCGGTGATAGGGGTTTGACTCAAGGGGATTTTCCAAAGTCTC 660
Db      601 TTTTGGCAGTACATCAATAGGCGGTGATAGGGGTTTGACTCAAGGGGATTTTCCAAAGTCTC 660
QY      661 CACCCATTGACGTCATATGAGAGTTGTTTGGCACCAAAATCAACGGGACCTTTCCAAA 720
Db      661 CACCCATTGACGTCATATGAGAGTTGTTTGGCACCAAAATCAACGGGACCTTTCCAAA 720
QY      721 TGTGTAATTAACCCCGCCCGCTTGAACGCAATGCGGCGGTAGCGGTGACGCTGAGGCTC 780
Db      721 TGTGTAATTAACCCCGCCCGCTTGAACGCAATGCGGCGGTAGCGGTGACGCTGAGGCTC 780
QY      781 TATATAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAATCGCTGTGAGACGCGCATCCAGCTGT 840
Db      781 TATATAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAATCGCTGTGAGACGCGCATCCAGCTGT 840
QY      841 TTTGACCTCCATPAGAGACACCGGGACCGATCCAGCCCTCGCGCGGGGAAACGGTGACTT 900
Db      841 TTTGACCTCCATPAGAGACACCGGGACCGATCCAGCCCTCGCGCGGGGAAACGGTGACTT 900
QY      901 GGAACGCGGATTTCCCGCTGCGCAAGGTGACGTAAGTACCGGCTATAGACTCTATAGGCAC 960
Db      901 GGAACGCGGATTTCCCGCTGCGCAAGGTGACGTAAGTACCGGCTATAGACTCTATAGGCAC 960
QY      961 ACCCTTTGGCTCTTATGACATGCTATACCTGTTTTTGGCTTGGGGCTTATACACCCCGCT 1020
Db      961 ACCCTTTGGCTCTTATGACATGCTATACCTGTTTTTGGCTTGGGGCTTATACACCCCGCT 1020
QY      1021 TCCTTATGCTATPAGGTATGATAGCTTATAGCTATAGGCGGTGATTTAGCACTTAT 1080
Db      1021 TCCTTATGCTATPAGGTATGATAGCTTATAGCTTATAGGCGGTGATTTAGCACTTAT 1080
QY      1081 GACCACTCCCTATTTGATGACATATCTTCCATTAATCATATACATGAGCTCTTTGCC 1140
Db      1081 GACCACTCCCTATTTGATGACATATCTTCCATTAATCATATACATGAGCTCTTTGCC 1140
QY      1141 ACAACTATCTCTATTTGGCTATATGCAATATCTGCTCTTCAAGACCTGACACGAGCTCT 1200
Db      1141 ACAACTATCTCTATTTGGCTATATGCAATATCTGCTCTTCAAGACCTGACACGAGCTCT 1200
QY      1201 GATATTTAGAGAGATGGGGTCCATTTATTTATTAACAATTCACATATACAAACAGCGCG 1260
Db      1201 GATATTTAGAGAGATGGGGTCCATTTATTTATTAACAATTCACATATACAAACAGCGCG 1260
QY      1261 TCCCGCGTCCCGCAGTTTATTAACAATAGCGTGGATCTCCAGCGGAATCTCGGGTA 1320
Db      1261 TCCCGCGTCCCGCAGTTTATTAACAATAGCGTGGATCTCCAGCGGAATCTCGGGTA 1320
QY      1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCCGATAGCGGTGGGCTTCCATCCGAGCCCTGAGT 1380
Db      1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCCGATAGCGGTGGGCTTCCATCCGAGCCCTGAGT 1380
QY      1381 CCATGCGCTCCAGGAGCTCATGTGCGCTCGGACGCTCTGCTCCCAACAGTGGAGGCCA 1440
Db      1381 CCATGCGCTCCAGGAGCTCATGTGCGCTCGGACGCTCTGCTCCCAACAGTGGAGGCCA 1440
QY      1441 GACTTATGAGCAGACGATGCGCACACCAACAGTGTGTCGCAACAGGCGGTGGCGGTAG 1500
Db      1441 GACTTATGAGCAGACGATGCGCACACCAACAGTGTGTCGCAACAGGCGGTGGCGGTAG 1500
QY      1501 GGTATGTCTGTAATAAGTCTCGGAGATGGGCTCGCACCGCTGACGCAATGGAAGAC 1560
Db      1501 GGTATGTCTGTAATAAGTCTCGGAGATGGGCTCGCACCGCTGACGCAATGGAAGAC 1560
QY      1561 TTAAGCAGCGGCGGAAGAAGACAGGCAAGCTAGTGTGTGTTGATTAAGAGTCTAG 1620
Db      1561 TTAAGCAGCGGCGGAAGAAGATGAGGCAAGCTAGTGTGTGTTGATTAAGAGTCTAG 1620

```

QY 1621 AGGTAACTCCGCTGGTGTCTGTTAAGGTGAGGCGAGTGTAGTCTGAGCAGTACTCG 1680
DB 1621 AGGTAACTCCGCTGGTGTCTGTTAAGGTGAGGCGAGTGTAGTCTGAGCAGTACTCG 1680
QY 1681 TTGCTGCGCGCGCGCGCAGCAGACATTAATAGCTGACAGCTAAACGAGCTGCTTCCCA 1740
DB 1681 TTGCTGCGCGCGCGCGCAGCAGACATTAATAGCTGACAGCTAAACGAGCTGCTTCCCA 1740
QY 1741 TGGGCTTTTCTGACAGTACCGCTT 1767
DB 1741 TGGGCTTTTCTGACAGTACCGCTT 1767

RESULT 8
US-09-886-942-14
Sequence 14, Application US/09886942
Patent No. US20020081708A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
WRIGHT, ANNE
SEYONOV, ANDREY
APPLICANT:
TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
FILE REFERENCE: 02-031910US
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
SEQ ID NO 14
LENGTH: 1767
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURE:
OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
OTHER INFORMATION: oligonucleotide
US-09-886-942-14

Query Match 97.6%; Score 1725.4; DB 10; Length 1767;
Best Local Similarity 98.5%; Pred. No. 0;
Matches 1741; Conservative 0; Mismatches 26; Indels 0; Gaps 0;

QY 1 ATATGAGGCTATATCCCGATAGAGGCGACATCAAGCCGCGCATGAGCCAAATCATATCG 60
DB 1 ATATGAGGCTATATCCCGATAGAGGCGACATCAAGCCGCGCATGAGCCAAATCATATCG 60
QY 61 ATCTATACATTTGAATCAATATTTGGCAATTAGCCAAATTAATTCATTTGTTATATAGCAAT 120
DB 61 ATCTATACATTTGAATCAATATTTGGCAATTAGCCAAATTAATTCATTTGTTATATAGCAAT 120
QY 121 ATCAATATTTGGCATTTGGCCATTTGACATGCTTTATCCGATCATATATATATATATAT 180
DB 121 ATCAATATTTGGCATTTGGCCATTTGACATGCTTTATCCGATCATATATATATATATATAT 180
QY 121 ATCAATATTTGGCATTTGGCCATTTGACATGCTTTATCCGATCATATATATATATATAT 180
DB 121 ATCAATATTTGGCATTTGGCCATTTGACATGCTTTATCCGATCATATATATATATATAT 180
QY 181 ATGGCCCATGTCATATATAGCCGCGCATGTTGACATTTATTTAGTATTTATATAG 240
DB 181 ATGGCCCATGTCATATATAGCCGCGCATGTTGACATTTATTTAGTATTTATATATAG 240
QY 241 TATATCAATTAACGGGGTCAATTAGTTCAATAGCCCAATATATAGAGTTCCGGTTACATTA 300
DB 241 TATATCAATTAACGGGGTCAATTAGTTCAATAGCCCAATATATAGAGTTCCGGTTACATTA 300
QY 301 ACGGTAAATGCGCGCTGGCTGACCGCCCAAGACACCCCGCCCATTTGAGTCAATTAATG 360
DB 301 ACGGTAAATGCGCGCTGGCTGACCGCCCAAGACACCCCGCCCATTTGAGTCAATTAATG 360
QY 361 ACGTATGTTCCATAGTAAGCGCAATAGGAGCTTTCCATTTGAGTCAATAGGAGTAT 420
DB 361 ACGTATGTTCCATAGTAAGCGCAATAGGAGCTTTCCATTTGAGTCAATAGGAGTAT 420
QY 421 TTAAGGTAACTGCCCACTTTGGAGTACATCAAGTGTATCATATGCGAAGTCCGCCCT 480
DB 421 TTAAGGTAACTGCCCACTTTGGAGTACATCAAGTGTATCATATGCGAAGTCCGCCCT 480

DB 421 TTAAGGTAACTGCCCACTTTGGAGTACATCAAGTGTATCATATGCGAAGTCCGCCCT 480
QY 481 ATTGACGTCAATAGACGTAAATAGCGCCCGCTGGCATTAATGCGCAGTACATCTTAACG 540
DB 481 ATTGACGTCAATAGACGTAAATAGCGCCCGCTGGCATTAATGCGCAGTACATCTTAACG 540
QY 541 GACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTAGTATTTAGTATGCTATTTAATCAATGAGTATGCG 600
DB 541 GACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTAGTATTTAGTATGCTATTTAATCAATGAGTATGCG 600
QY 601 TTTTGGCAGTACATCAATGCGGTGATAGCGGTTTGACTACAGGGGAAATTTCCAGTCTC 660
DB 601 TTTTGGCAGTACATCAATGCGGTGATAGCGGTTTGACTACAGGGGAAATTTCCAGTCTC 660
QY 661 CACCCCATTTGACGTCAATAGGAGTGTGTTTGGACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAA 720
DB 661 CACCCCATTTGACGTCAATAGGAGTGTGTTTGGACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAA 720
QY 721 TGTGTAATTAACCCCGCCCGCTTGAACGCAATGCGCGGTAGGCGTGAAGTGGAGTGC 780
DB 721 TGTGTAATTAACCCCGCCCGCTTGAACGCAATGCGCGGTAGGCGTGAAGTGGAGTGC 780
QY 781 TATATTAAGAGAGCTGCTTATAGTGAACGCTAGATGCGCTGAGACGCGCATCAGCTGT 840
DB 781 TATATTAAGAGAGCTGCTTATAGTGAACGCTAGATGCGCTGAGACGCGCATCAGCTGT 840
QY 841 TTTGACCTTCATAGAAAGACACCGGAGCGATCCAGCTCCGCGCGGGAACGCTGAT 900
DB 841 TTTGACCTTCATAGAAAGACACCGGAGCGATCCAGCTCCAGCTCCGCGGGAACGCTGAT 900
QY 901 GGAGCGCGGATTCGCCGTGACAGAGTGAAGTGAATCCGCTATAGACTTATAGAGCAGC 960
DB 901 GGAGCGCGGATTCGCCGTGACAGAGTGAAGTGAATCCGCTATAGACTTATAGAGCAGC 960
QY 961 ACCCTTTGGCTTATAGATGCTATGCTTTTGGCTTGGGCTTATACACCCCGCT 1020
DB 961 ACCCTTTGGCTTATAGATGCTATGCTTTTGGCTTGGGCTTATACACCCCGCT 1020
QY 1021 TCCCTATGCTATAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
DB 1021 TCCCTATGCTATAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
QY 1081 GACCACTCCCTATTTGGTACAGATCTTCCATTAATCAATCAATCAATCAATCAAT 1140
DB 1081 GACCACTCCCTATTTGGTACAGATCTTCCATTAATCAATCAATCAATCAATCAAT 1140
QY 1141 ACACTATCTTATTTGGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTAT 1200
DB 1141 ACACTATCTTATTTGGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTAT 1200
QY 1201 GTATTTTACAGAGATGGGGTCCCATTTATTTTCAAAATTCACATATCAACAAACGCG 1260
DB 1201 GTATTTTACAGAGATGGGGTCCCATTTATTTTCAAAATTCACATATCAACAAACGCG 1260
QY 1261 TCCCGCGTCCCGCAGTTTATTTAATCAATAGCGTGGATCTCAACGCAATCTCGGGTA 1320
DB 1261 TCCCGCGTCCCGCAGTTTATTTAATCAATAGCGTGGATCTCAACGCAATCTCGGGTA 1320
QY 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCGGTAGCGGTGGGCTTCCATCTCGAGCCTGGT 1380
DB 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCTCGGTAGCGGTGGGCTTCCATCTCGAGCCTGGT 1380
QY 1381 CCGATGCTCCAGCAGCTAGTGTGCTGGAGGCTCTTGTCTCCCAACAGTGGAGGCA 1440
DB 1381 CCGATGCTCCAGCAGCTAGTGTGCTGGAGGCTCTTGTCTCCCAACAGTGGAGGCA 1440
QY 1441 GACTTATGAGCAGCAGATGCGCAGCAGCAGTGTGCGCAAGAGCGCTGGCGGTAG 1500
DB 1441 GACTTATGAGCAGCAGATGCGCAGCAGCAGTGTGCGCAAGAGCGCTGGCGGTAG 1500
QY 1501 GGTATGTCTGAATAATGAGCTGCGAGATGCGGCTGCAACGCTGACAGATGGAAGAC 1560
DB 1501 GGTATGTCTGAATAATGAGCTGCGAGATGCGGCTGCAACGCTGACAGATGGAAGAC 1560

Db 1441 GACTTATGACGACGACCAATGCCCCACCAACCAAGTGTGCGGCAAGAGCGGCGGTAG 1500
Qy 1501 GGTATGTCTGTAATGAGCTCGAGATCGGGCTCGCAACCGCTGACGAGATGGAAGAC 1560
Db 1501 GGTATGTCTGTAATGAGCTCGAGATCGGGCTCGCAACCGCTGACGAGATGGAAGAC 1560
Qy 1561 TTAAGGACGCGGACAGAGAGACGAGCGAGCTGAGTTGTTGTTCTGATTAAGAGTCAG 1620
Db 1561 TTAAGGACGCGGACAGAGAGATGAGGAGCGAGCTGAGTTGTTGTTCTGATTAAGAGTCAG 1620
Qy 1621 AGGTACCTCCGCTGCGGCTGTTAAGCGTGAAGGAGCGAGTGTAGTGAAGAGTACG 1680
Db 1621 AGGTACCTCCGCTGCGGCTGTTAAGCGTGAAGGAGCGAGTGTAGTGAAGAGTACG 1680
Qy 1681 TTGCTGCGCGCGCGCCACACGACATTAATAGCTGACAGACTAAGGACTGTTCTTCCA 1740
Db 1681 TTGCTGCGCGCGCGCCACACGACATTAATAGCTGACAGACTAAGGACTGTTCTTCCA 1740
Qy 1741 TGGGCTTTTCTGCACTACCGTCTT 1767
Db 1741 TGGGCTTTTCTGCACTACCGTCTT 1767

RESULT 10

US-09-886-942-13
; Sequence 13, Application US/09886942
; Patent No. US20020081708A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
; WRIGHT, ANNE
; SEMYONOV, ANDREY
; APPLICANT:
; TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
; FILE REFERENCE: 02-031910US
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO: 13
; LENGTH: 1765
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
; US-09-886-942-13

Query Match 97.0%; Score 1714.2; DB 10; Length 1765;
Best Local Similarity 98.9%; Pred.*No. 0;
Matches 1747; Conservative 0; Mismatches 18; Indels 2; Gaps 2;

Qy 1 ATATAGAGCTATATATGCGGATAGAGGCGACATCAAGCGGCGACATGCGCAATGATATCG 60
Db 1 ATATAGAGCTATATGCGGATAGAGGCGACATCAAGCGGCGACATGCGCAATGATATCG 60
Qy 61 ATCTATACCTGAATCAATATGGAATTAGCCATATTTATGATGCTATATAGCATTA 120
Db 61 ATCTATACCTGAATCAATATGGAATTAGCCATATTTATGATGCTATATAGCATTA 120
Qy 121 ATCATATTTGGCTATTTGGCATTTGCACTAGCTGTATCCATATCATATATGACATTTAT 180
Db 121 ATCATATTTGGCTATTTGGCATTTGCACTAGCTGTATCCATATCATATATGACATTTAT 180
Qy 181 ATGGCCCATGTCATATATGACCGCCATGTTGACATTTATATGATTAATGATG 240
Db 181 ATGGCCCATGTCATATATGACCGCCATGTTGACATTTATATGATTAATGATG 240
Qy 241 TATATCAATTAAGGGGCTATAGTTGATAGCCCATATATAGAGTTCGGCTTACATTA 300
Db 241 TATATCAATTAAGGGGCTATAGTTGATAGCCCATATATAGAGTTCGGCTTACATTA 300

Qy 301 ACGTAATATGCGCGCTGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATTTGACGTCAATATG 360
Db 301 ACGTAATATGCGCGCTGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATTTGACGTCAATATG 360
Qy 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCCAATAGGACTTTCCATTTGACGTCAATGAGTAT 420
Db 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCCAATAGGACTTTCCATTTGACGTCAATGAGTAT 420
Qy 421 TTAAGGTAATGCGCCCATTTGAGCATCATAGGTATATATGCAAGTCCGCCCCCT 480
Db 421 TTAAGGTAATGCGCCCATTTGAGCATCATAGGTATATATGCAAGTCCGCCCCCT 480
Qy 481 ATGACGTCAATGACGTAATATGCGCGCTGAGCTTATATGCCAGTACATGACTTACG 540
Db 481 ATGACGTCAATGACGTAATATGCGCGCTGAGCTTATATGCCAGTACATGACTTACG 540
Qy 541 GACTTCTTACTTGGCATATCATGCTATTTAGTATCGCTATTTACATGATGATG 600
Db 541 GACTTCTTACTTGGCATATCATGCTATTTAGTATCGCTATTTACATGATGATG 600
Qy 601 TTTTGGCAGTACATCAATGCGGTGATAGCGGTTGACTACAGGGGATTTCCAGTCTC 660
Db 601 TTTTGGCAGTACATCAATGCGGTGATAGCGGTTGACTACAGGGGATTTCCAGTCTC 660
Qy 661 CAACCCATTTGACGTCAATGAGGAGTTGTTTGGACCAAAATCAACGGGACTTTTCAAAA 720
Db 661 CAACCCATTTGACGTCAATGAGGAGTTGTTTGGACCAAAATCAACGGGACTTTTCAAAA 720
Qy 721 TGTGCTATTAACCCCGCGCTTGAACGCAATGCGCGGTAGCGCTGTACGTTGAGAGTTC 780
Db 721 TGTGCTATTAACCCCGCGCTTGAACGCAATGCGCGGTAGCGCTGTACGTTGAGAGTTC 780
Qy 781 TATATPACGAGAGCTGTTTATGTAACCGTCAAGATCGCTGAGAGCGCATCAAGCTGT 840
Db 781 TATATPACGAGAGCTGTTTATGTAACCGTCAAGATCGCTGAGAGCGCATCAAGCTGT 840
Qy 841 TTTGACCTTCATATAGAGACACCGGAGCCGATCCAGCTCGCGGCGGAGAACGATGAT 900
Db 841 TTTGACCTTCATATAGAGACACCGGAGCCGATCCAGCTCGCGGCGGAGAACGATGAT 900
Qy 901 GGAAGCGGAGTTCCCGTGGCAAGATGATGATACCGCTATAGCTATATAGCAT 960
Db 901 GGAAGCGGAGTTCCCGTGGCAAGATGATGATACCGCTATAGCTATATAGCAT 960
Qy 961 ACCCGTTGGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
Db 961 ACCCGTTGGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
Qy 1021 TCCCTATGCTATAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
Db 1021 TCCCTATGCTATAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
Qy 1081 GACCACTCCCTATTTGATGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
Db 1081 GACCACTCCCTATTTGATGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
Qy 1141 ACAATATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200
Db 1141 ACAATATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200
Qy 1201 GTATTTTAAAGAGATGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1260
Db 1201 GTATTTTAAAGAGATGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1260
Qy 1261 TCCCGCGCGCGCGCGCTTTTATTAACATAGCGGATCTCCAGCGGAATCTCGGGTA 1320
Db 1261 TCCCGCGCGCGCGCGCTTTTATTAACATAGCGGATCTCCAGCGGAATCTCGGGTA 1320
Qy 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCCGCTAGCGGAGGAGGCTTCAATCCGAGCCCTG 1380
Db 1321 CGTGTTCGGAATGAGGCTCTTCCGCTAGCGGAGGAGGCTTCAATCCGAGCCCTG 1380
Qy 1381 CCCATGCTTCAAGCATCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1440
Db 1381 CCCATGCTTCAAGCATCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1440

Db 1379 CCCATGCTCCAGCGGCTCATGCTGCTCGGAGCTCTTGTCTTAACAGTGAAGCCCA 1438
Qy 1441 GACTTAGGCAAGACGATGCCACACCAACGATGCGGACCAAGGCGGTGGCGGTG 1500
Db 1439 GACTTAGGCGACCAAGTCCACCAACAGTGTGCGCAAGGCGGTGGCGGTG 1498
Qy 1501 GGTATGTCTGAAAATGAGCTCGAGATCGGCTCGCACCGCTGACGAGATGAAGAC 1560
Db 1499 GGTATGTCTGAAAATGAGCTCGAGATCGGCTCGCACCGCTGACGAGATGAAGAC 1558
Qy 1561 TTAAGGACGCGGAGAAAGAGACGAGCTGAGTGTGTGTCTGATAAGATCAG 1620
Db 1559 TTAAGGACGCGGAGAAAGAGATGACGAGCTGAGTGTGTGTCTGATAAGATCAG 1618
Qy 1621 AGGTAACTCCGCTTGGGCTGCTGTAAACGCTGAGGAGGAGTGTGTGTGAGAGTACG 1680
Db 1619 AGGTAACTCCGCTTGGGCTGCTGTAAACGCTGAGGAGGAGTGTGTGTGAGAGTACG 1678
Qy 1681 TTGCTGCGCGCGCGCCACACGACATATATAGCTGACAGACTGTCTCTTCCA 1740
Db 1679 TTGCTGCGCGCGCGCCACACGACATATATAGCTGACAGACTGTCTCTTCCA 1738
Qy 1741 TGGGTCTTTTCTGCACTACCGTCTT 1767
Db 1739 TGGGTCTTTTCTGCACTACCGTCTT 1765

RESULT 11

US-09-886-942-6
Sequence 6, Application US/09886942
Patent No. US20020081708A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
WRIGHT, ANNE
SEMONOV, ANDREY
APPLICANT:
TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
FILE REFERENCE: 02-031910US
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
SOFTWARE: Patencin Ver. 2.1
SEQ ID NO 6
LENGTH: 1766
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURE:
OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
US-09-886-942-6

Query Match 96.1%; Score 1698.8; DB 10; Length 1766;
Best Local Similarity 98.3%; Pred. No. 0;
Matches 1728; Conservative 0; Mismatches 27; Indels 3; Gaps 2;

Qy 1 AATATAGGCTATATCGCCGATAGAGCGGACATCAACCGCGGACATGCGCAATGCAATATG 60
Db 1 AATATAGGCTATATCGCCGATAGAGCGGACATCAACCGCGGACATGCGCAATGCAATATG 60
Qy 61 ATCTATACCTGATATGCAATATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATG 120
Db 61 ATCTATACCTGATATGCAATATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATG 120
Qy 121 ATCAATATGCTATGCTATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATG 180
Db 121 ATCAATATGCTATGCTATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATGCGCAATATG 180
Qy 181 ATTGGCCCATGTCATATGACCGGCAATGCTTGAATGATATGCTATGCTATGCTATG 240
Db 181 ATTGGCCCATGTCATATGACCGGCAATGCTTGAATGATATGCTATGCTATGCTATG 240

Qy 241 TAATCAATTAACGGGGTCAATTAAGTTATAGCCCATATATGAGTTCCGGTTACATTAATT 300
Db 241 TAATCAATTAACGGGGTCAATTAAGTTATAGCCCATATATGAGTTCCGGTTACATTAATT 300
Qy 301 ACGGTAAATGCGCGCTGCTGAGACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGACGTCATATATG 360
Db 301 ACGGTAAATGCGCGCGCTGCTGAGACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGACGTCATATATG 360
Qy 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCGCATATAGGAACTTCCATGACGTCATATGAGTATG 420
Db 361 ACGTATGTTCCCATATGTAACGCGCATATAGGAACTTCCATGACGTCATATGAGTATG 420
Qy 421 TTACGTTAACTGCGCCACTTGGCAGTACATCAAGTATATATGCAAGTCCG-CCCC 479
Db 421 TTACGTTAACTGCGCCACTTGGCAGTACATCAAGTATATATGCAAGTCCGCGCCCC 480
Qy 480 TATTGACGTCATATGACGTTAAATGCGCGCGCTGCGCATATATGCGCATATGACGTTACG 539
Db 481 TATTGACGTCATATGACGTTAAATGCGCGCGCTGCGCATATATGCGCATATGACGTTACG 540
Qy 540 GGAATTCCTACTTGGCAGTACATATAGTATATGCTATATGCTATATGCTATATGCTATG 599
Db 541 GGAATTCCTACTTGGCAGTACATATAGTATATGCTATATGCTATATGCTATATGCTATG 600
Qy 600 GTTTTGGCAGTACATCAATGAGCGCTGATAGCGGTTTACTCAACGGGATTTCCAGTCT 659
Db 601 GTTTTGGGAGTACATCAATGAGCGCTGATAGCGGTTTACTCAACGGGATTTCCAGTCT 660
Qy 660 CCAACCCATATGACGTCATATGAGAGTTGTTTGGCACAACCAATCAACGGGATTTCCAA 719
Db 661 CCAACCCATATGACGTCATATGAGAGTTGTTTGGCACAACCAATCAACGGGATTTCCAA 720
Qy 720 ATGTGTAATACCCCGCGCTGAGCAATATGAGGCGGTATGCGGTATGAGTGGAGAT 779
Db 721 ATGTGTAATACCCCGCGCTGAGCAATATGAGGCGGTATGCGGTATGAGTGGAGAT 780
Qy 780 CTATATTAAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAGATCGCTGAGACCGCATATCCAGCTG 839
Db 781 CTATATTAAGCAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAGATCGCTGAGACCGCATATCCAGCTG 840
Qy 840 TTTTGAACCTCAATGAGACACCGGAGCGGATCCAGCTCGCGCGCGGAAACGCTGAT 899
Db 841 TTTTGAACCTCAATGAGACACCGGAGCGGATCCAGCTCGCGCGCGGAAACGCTGAT 900
Qy 900 TGAACGCGGAAATCCCGCGGCAAGAGAGTAAAGTACCGGCTATATAGCTATATAGCA 959
Db 901 TGAACGCGGAAATCCCGCGGCAAGAGAGTAAAGTACCGGCTATATAGCTATATAGCA 960
Qy 960 CACCCCTTTGGCTCTTATGATGCTATGCTATGCTTTTGGCTTGGGCTATACACCCCGCG 1019
Db 961 CACCCCTTTGGCTCTTATGATGCTATGCTATGCTTTTGGCTTGGGCTATATACACCCCGCG 1020
Qy 1020 TTCTTATGCTATATGATGATGATATGCTATGCTATATGCGTATATGCGTATATG 1079
Db 1021 TTCTTATGCTATATGATGATGATATGCTATGCTATATGCGTATATGCGTATATG 1080
Qy 1080 TGACACCTCCCTTATGCTATGAGTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATG 1139
Db 1081 TGACACCTCCCTTATGCTATGAGTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATG 1140
Qy 1140 CACAATATCTCTATATGCTATATGCAATATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATG 1199
Db 1141 CACAATATCTCTATATGCTATATGCAATATGCTATGCTATGCTATGCTATGCTATG 1200
Qy 1200 TGTATTTTAAAGATGAGGCTCCCATTTATTTTAAATTCATATTAACAACGACCC 1259
Db 1201 TGTATTTTAAAGATGAGGCTCCCATTTATTTTAAATTCATATTAACAACGACCC 1260
Qy 1260 GTCCCCCGTGGCGGAGTTTATTTAAACATAGGCTGGGATCTCAACGGAATCTCGGGT 1319
Db 1261 GTCCCCCGTGGCGGAGTTTATTTTAAACATAGGCTGGGATCTCAACGGAATCTCGGGT 1320

Db 1260 GTCCCGAGTCCCGCAGTTTATTAACAATTAAGTGGATCTCCACGCGAAATCTCGGGT 1319
Qy 1320 AGGTGTTCCGAGCATGAGGCTCTTCTCCGTAAGCGGTGGGCTTCCACATCCAGCCCTGG 1379
Db 1320 AGGTGTTCCGAGCATGAGGCTCTTCTCCGTAAGCGGTGGGCTTCCACATCCAGCCCTGG 1379
Qy 1380 TCCCATGCTCCAGCAGCTCATGCTGCTGCGGAGCTCTTGTCTCCAAAGTGAAGGCC 1439
Db 1380 TCCCATGCTCCAGCAGCTCATGCTGCTGCGGAGCTCTTGTCTCCAAAGTGAAGGCC 1439
Qy 1440 AACCTAAGGACAGACAGATGCGCACACACACAGTGTGCGGACGAGAGGCGCGGTGA 1499
Db 1440 AACCTAAGGACAGACAGATGCGCACACACACAGTGTGCGGACGAGAGGCGCGGTGA 1499
Qy 1500 GGGTATGCTCTGAATAAGTCTCGAGATCGGAGCTCGACCGCTGACGACAGATGGAGA 1559
Db 1500 GGGTATGCTCTGAATAAGTCTCGAGATCGGAGCTCGACCGCTGACGACAGATGGAGA 1559
Qy 1560 CTTAAAGCAGCGGACAGAGAGACGACGACGACGAGTGTGTTGTTCTGATPAAGATCA 1619
Db 1560 CTTAAAGCAGCGGACAGAGAGACGACGACGACGAGTGTGTTGTTCTGATPAAGATCA 1619
Qy 1620 GAGGTAACTCCGTTGCGGTGCTGTTAAAGTGGAGGAGAGTGTGAGCAGATCACTC 1679
Db 1620 GAGGTAACTCCGTTGCGGTGCTGTTAAAGTGGAGGAGAGTGTGAGCAGATCACTC 1679
Qy 1680 GTTGTGCGCGCGCGCGCACACAGATATAGCTGACATTAAGCTGACATTAAGATGTTCC 1739
Db 1680 GTTGTGCGCGCGCGCGCACACAGATATAGCTGACATTAAGCTGACATTAAGATGTTCC 1739
Qy 1740 ATGGGCTTTTCTGACAGTCAACGCTCTT 1767
Db 1740 ATGGGCTTTTCTGACAGTCAACGCTCTT 1767

RESULT 13
US-09-886-942-17
; Sequence 17, Application US/09886942
; Patent No. US20020081708A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
; WRIGHT, ANNE
; SEMONOV, ANDREY
; APPLICANT:
; TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
; FILE REFERENCE: 02-031910US
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO: 17
; LENGTH: 1757
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
US-09-886-942-17

Query Match 94.5%; Score 1669.8; DB 10; Length 1757;
Best Local Similarity 97.1%; Pred. No. 0;
Matches 1715; Conservative 0; Mismatches 42; Indels 10; Gaps 1;

Qy 1 ATATAGGCTATATATGCGCATAGAGCGACATCAAGCCGCGACATGGCCATATGCTATG 60
Db 1 ATATAGGCTATATATGCGCATAGAGCGCGACATCAAGCTGCGACATGGCCATATGCTATG 60
Qy 61 ATCTATACATTAATCAATATATGGCAATATAGCATATATATGCTATATATAGCATATA 120
Db 61 ATCTATACATTAATCAATATATGGCAATATAGCATATATATGCTATATATATAGCATATA 120

Qy 121 ATCAATATATGCTATATGCGCATATGCAATGTTGATCCGATATCATATATATGATATTAT 180
Db 121 ATCAATATATGCTATATGCGCATATGCAATGTTGATCCGATATCATATATATATGATATTAT 180
Qy 181 ATGGCCCATATGCAATATATGACCGCATGTTGACATGATATATGATATGATATATATAG 240
Db 181 ATGGCCCATATGCAATATATGACCGCATGTTGACATGATATATGATATATGATATATATAG 240
Qy 241 TAATCAATTAAGGAGGTCTATGTTATATAGCCCATATATGAGTTCGCGTTACATTAACCTT 300
Db 241 TAATCAATTAAGGAGGTCTATGTTATATAGCCCATATATGAGTTCGCGTTACATTAACCTT 300
Qy 301 ACGGTAATATGCGCGCTGCTGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGACGTCATATATG 360
Db 301 ACGGTAATATGCGCGCTGCTGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATATGACGTCATATATG 360
Qy 361 ACGTATGTTCCCATATATGTAAGCCCAATATAGGACCTTCCATTAACGTCATATGAGTATAT 420
Db 361 ACGTATGTTCCCATATATGTAAGCCCAATATAGGACCTTCCATTAACGTCATATGAGTATAT 420
Qy 421 TTACGTAATATGCGCCCATATGCGCATATGATCAAGTATATGCAAGTCCGCGCCCT 480
Db 421 TTACGTAATATGCGCCCATATGCGCATATGATCAAGTATATGCAAGTCCGCGCCCT 480
Qy 481 ATGACGTCAATGACGTAATATGCGCGCTGCGCATATATGCGCATATATGACGTCATATG 540
Db 481 ATGACGTCAATGACGTAATATGCGCGCTGCGCATATATGCGCATATATGACGTCATATG 540
Qy 541 GACTTCTTCTATGCGCATATATGATATATGATATATGATATATGATATATGATATATG 600
Db 541 GACTTCTTCTATGCGCATATATGATATATGATATATGATATATGATATATGATATATG 600
Qy 601 TTTTGGCAGTACATCAATGAGCGGTGATAGCGGTTTGACTACAGCGGATTTTCAAGTCTC 660
Db 601 TTTTGGCAGTACATCAATGAGCGGTGATAGCGGTTTGACTACAGCGGATTTTCAAGTCTC 660
Qy 661 CACCCCATATGACGTCATATGAGGAGTTGTTGGACCAACAAATGCAACGCGGATTTTCAAAA 720
Db 661 CACCCCATATGACGTCATATGAGGAGTTGTTGGACCAACAAATGCAACGCGGATTTTCAAAA 720
Qy 721 TGTGTAATTAACCCCGCGCTTGAACGCAATGAGCGGTGATAGCGGTTTGAAGTCTC 780
Db 721 TGTGTAATTAACCCCGCGCTTGAACGCAATGAGCGGTGATAGCGGTTTGAAGTCTC 780
Qy 781 TATATAGCAGAGCTCGTTTATGATAGCGTCAATGCTGAGATGCGCATCCAGCTCTGT 840
Db 781 TATATAGCAGAGCTCGTTTATGATAGCGTCAATGCTGAGATGCGCATCCAGCTCTGT 840
Qy 841 TTTGACCTCATATGAGAGACACCGGACCGATCCAGCTCGCGCGCGGAAACGCTGAT 900
Db 841 TTTGACCTCATATGAGAGACACCGGACCGATCCAGCTCGCGCGCGGAAACGCTGAT 900
Qy 901 GGAACGCGGATTTCCCGTGGCAAGATGATAGTACCGCTTATAGCTTATATAGGAC 960
Db 901 GGAACGCGGATTTCCCGTGGCAAGATGATAGTACCGCTTATAGCTTATATAGGAC 960
Qy 961 ACCCTTGGCTCTATATGATGATATATGCTGTTTGGCTTGGGCTTATACACCCCGCT 1020
Db 961 ACCCTTGGCTCTATATGATGATATATGCTGTTTGGCTTGGGCTTATACACCCCGCT 1020
Qy 1021 TCTTATATGCTATATGATATGATATATGCTTATAGCTTATAGCGCTGAGTATATGACATAT 1080
Db 1021 TCTTATATGCTATATGATATGATATATGCTTATAGCTTATAGCGCTGAGTATATGACATAT 1080
Qy 1081 GACCACTCCCTATATGATATGATATATGCTTATAGCTTATAGCGCTGAGTATATGACATAT 1140
Db 1081 GACCACTCCCTATATGATATGATATATGCTTATAGCTTATAGCGCTGAGTATATGACATAT 1140
Qy 1141 ACAACTATCTATATGATATGATATATGCTTATAGCTTATAGCGCTGAGTATATGACATAT 1200
Db 1141 ACAACTATCTATATGATATGATATATGCTTATAGCTTATAGCGCTGAGTATATGACATAT 1200
Qy 1201 GTATTTTACAGAGATGAGGCTCCATTTATATTAATTAACAAATTCACATATACAAACGCG 1260

Db 1191 GATATTTTACAGAGATGGGGTCCCATTTATTTATTTACAAATATACAAACAAACGCGC 1250
Qy 1261 TCCCCCGTCCCGAGTTTATTTATTAACATAGCGTGGGATCTCCAGCGGAATCTGGGGA 1320
Db 1251 TCCCCCGTCCCGAGTTTATTTATTAACATAGCGTGGGATCTCCAGCGGAATCTGGGGA 1310
Qy 1321 CGTGTTCGCGACATGAGGCTCTTCTCCGTAAGCGGTGGGCTTCAATCCAGCCCTGAT 1380
Db 1311 CGTGTTCGCGACATGAGGCTCTTCTCCGTAAGCGGTGGGCTTCAATCCAGCCCTGAT 1370
Qy 1381 CCCATGCTCCAGCACTATATGCTGCTGCGAGCTCTCTTCTCCAGCAAGTGGAGCCA 1440
Db 1371 CCCATGCTCCAGCACTATATGCTGCTGCGAGCTCTCTTCTCCAGCAAGTGGAGCCA 1430
Qy 1441 GACTTAGGCAAGCAAGATGCGCCACCAACCAAGTGTGCGCAAGAGCGGCGGTAG 1500
Db 1431 GACTTAGGCAAGCAAGATGCGCCACCAACCAAGTGTGCGCAAGAGCGGCGGTAG 1490
Qy 1501 GGTATGTCTGAAATGAGCTCGAGATCGGGCTCGCACCGCTGACGCAATGGAAGAC 1560
Db 1491 GGTATGTCTGAAATGAGCTCGAGATCGGGCTCGCACCGCTGACGCAATGGAAGAC 1550
Qy 1561 TTAAGCGACGCGCAAGAAAGACGAGCGAGCTGAGTTGTTGTTCTGATTAAGAGTAG 1620
Db 1551 TTAAGCGACGCGCAAGAAAGACGAGCGAGCTGAGTTGTTGTTCTGATTAAGAGTAG 1610
Qy 1621 AGGTAACTCCGCTGGGCTGTTAAGCGTGAAGGCGAGTGAATGAGAGATCTG 1680
Db 1611 AGGTAACTCCGCTGGGCTGTTAAGCGTGAAGGCGAGTGAATGAGAGATCTG 1670
Qy 1681 TTGCTGCGCGCGCGCCACACAGACATTAATAGCTGACAGACTAAGGAGTCTTCCA 1740
Db 1671 TTGCTGCGCGCGCGCCACACAGACATTAATAGCTGACAGACTAAGGAGTCTTCCA 1730
Qy 1741 TGGGTCTTTTCTGCACTCAGCTCTT 1767
Db 1731 TGGGTCTTTTCTGCACTCAGCTCTT 1757

RESULT 14

US-09-886-942-11
; Sequence 11, Application US/09886942
; Patent No. US20020081708A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: PUNNONEN, JUHA
; WRIGHT, ANNE
; SEMYONOV, ANDREY
; APPLICANT:
; TITLE OF INVENTION: NOVEL CHIMERIC PROMOTERS
; FILE REFERENCE: 02-031910US
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/886,942
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/213,829
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-23
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 40
; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO 11
; LENGTH: 1757
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: Description of Artificial Sequence: Synthetic
; OTHER INFORMATION: oligonucleotide
US-09-886-942-11

Query Match 94.2%; Score 1665; DB 10; Length 1757;
Best Local Similarity 96.9%; Pred. No. 0;
Matches 1712; Conservative 0; Mismatches 45; Indels 10; Gaps 1;

Qy 1 ATATGAGCTATATGCGCATAGAGCGCATCAAGCGCGCAATGCGCAATGCTATG 60
Db 1 ATATGAGCTATATGCGCATAGAGCGCATCAAGCGCGCAATGCGCAATGCTATG 60

Qy 61 ATCTATACATTAATCAATATATTTGGCAATTAACCAATATATTCATGTTATATAGCATTA 120
Db 61 ATCTATACATTAATCAATATATTTGGCAATTAACCAATATATTCATGTTATATAGCATTA 120
Qy 121 ATCAATATATGCTATATGCGCATTTGCAATGCTGTTATATCCGTAATCATATATGATACATTTAT 180
Db 121 ATCAATATATGCTATATGCGCATTTGCAATGCTGTTATATCCGTAATCATATATGATACATTTAT 180
Qy 181 ATGGCCCATATGCAATATATGACCGGCAATGTAATGATATTAATGATTAATTAATAG 240
Db 181 ATGGCCCATATGCAATATATGACCGGCAATGTAATGATATTAATGATTAATTAATAG 240
Qy 241 TATATCAATTAAGGAGGTCTATATGATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 300
Db 241 TATATCAATTAAGGAGGTCTATATGATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 300
Qy 301 ACGGTAAATGCGCGGCTGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATTAATGATGATGATGATGAT 360
Db 301 ACGGTAAATGCGCGGCTGCTGACCGCCCAACGACCCCGCCCATTAATGATGATGATGATGAT 360
Qy 361 ACGTATGTTCCCATATGATAGCGCAATAGGACCTTTCATGACGTGATGATGATGATGATGAT 420
Db 361 ACGTATGTTCCCATATGATAGCGCAATAGGACCTTTCATGACGTGATGATGATGATGATGAT 420
Qy 421 TTAAGGTAACTGCGCATTTGCGAGTACATCAAGTATCAATATGCAAGTCCGCGCCCT 480
Db 421 TTAAGGTAACTGCGCATTTGCGAGTACATCAAGTATCAATATGCAAGTCCGCGCCCT 480
Qy 481 ATGACGTCAATGACGATTAATGCGCGCTGCGCATTAATGCGCATGATGATGATGATGATGAT 540
Db 481 ATGACGTCAATGACGATTAATGCGCGCTGCGCATTAATGCGCATGATGATGATGATGATGAT 540
Qy 541 GACTTCTTCTGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 600
Db 541 GACTTCTTCTGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 600
Qy 601 TTTTGGCAGTACATCAATGAGCGGTGATGAGGTTTGAATCAAGGGGATTTTCAAGTCTC 660
Db 601 TTTTGGCAGTACATCAATGAGCGGTGATGAGGTTTGAATCAAGGGGATTTTCAAGTCTC 660
Qy 661 CAACCCATTTGACATGATGAGGATTTGTTTGGCAACAAATCAACGGGACCTTTCACAAA 720
Db 661 CAACCCATTTGACATGATGAGGATTTGTTTGGCAACAAATCAACGGGACCTTTCACAAA 720
Qy 721 TGTGTATTAACCCCGCGGCTTGAACGCAATGAGCGGTGATGAGGCTGATGAGGAGGATC 780
Db 721 TGTGTATTAACCCCGCGGCTTGAACGCAATGAGCGGTGATGAGGCTGATGAGGAGGATC 780
Qy 781 TATATPACAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAAGATCGCTGGAAGCGCATCAAGCTGT 840
Db 781 TATATPACAGAGCTCGTTTATGTAACCGTCAAGATCGCTGGAAGCGCATCAAGCTGT 840
Qy 841 TTTGACCTCATAGAAACACCGGACCGGATCCAGCTCCGCGCGCGGGAACGATGAT 900
Db 841 TTTGACCTCATAGAAACACCGGACCGGATCCAGCTCCGCGCGCGGGAACGATGAT 900
Qy 891 GAGGAGCACATTAAGAAAGGTAACCGGACCGATCCAGCTCCATTAAGCGGGAACGATGAT 960
Db 891 GAGGAGCACATTAAGAAAGGTAACCGGACCGATCCAGCTCCATTAAGCGGGAACGATGAT 960
Qy 961 GGAAGCGGATTTCCCGGTGCAAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
Db 961 GGAAGCGGATTTCCCGGTGCAAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
Qy 1021 TCTTATATGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
Db 1021 TCTTATATGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
Qy 1081 GACCACTCCCTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
Db 1081 GACCACTCCCTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
Qy 1101 TCTTATATGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1160
Db 1101 TCTTATATGCTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1160
Qy 1161 GACCACTCCCTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1220
Db 1161 GACCACTCCCTATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1220

OY	1141	CAACTATCTCATATGGCGATATGCGACADACTCTGCTCTTGAGACTGACAGCGACT	1200
Db	1131	ACAACTATCTCATATGGCGATATGCGACADACTCTGCTCTTGAGACTGACAGCGACT	1190
OY	1201	GTATTTTACAGAGATGGGGTCCCATTTATTTACAAATTCACATATACAAACGCGG	1260
Db	1191	GTATTTTACAGAGATGGGGTCCCATTTATTTTACAAATTCACATATACAAACGCGG	1250
OY	1261	TCCCCCGGCCCCGAGTTTATTTAATAAATAAGCCGTGGGATCTCCACGGGAATCTCGGGTA	1320
Db	1251	TCCCCCGGCCCCGAGTTTATTTAATAAATAAGCCGTGGGATCTCCACGGGAATCTCGGGTA	1310
OY	1321	CGTGTTCGGGACATAGGCTCTTCTCCGGTAGCGGTGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGGT	1380
Db	1311	CGTGTTCGGGACATAGGCTCTTCTCCGGTAGCGGTGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGGT	1370
OY	1381	CCCATGCTCTCAAGCGACTCATATGTCGTCCGCGACGCTCCTTGCTCCCAACAGTGGAGCCA	1440
Db	1371	CCCATGCTCTCAAGCGCTCATATGTCGTCCGCGAGCTCCTTGCTCTTAAACAATGGAGGGCCA	1430
OY	1441	GACTTAGGCGACAGACGATGCGCCACACACACAGTGTGCGCGACAAAGGCGGTGGCGGGAT	1500
Db	1431	GACTTAGGCGACAGCAAAATGCGCCACACACAGTGTGCGCGACAAAGGCGGTGGCGGGAT	1490
OY	1501	GGTATGTGTCTGAAAATATAGCTCGGAGATCGGGCTCGCACCGCTGACCCGACAGTGGAAAGC	1560
Db	1491	GGTATGTGTCTGAAAATATAGCTCGGAGATTGGGCTCGCACCGCTGACCCGACATGGAAAGC	1550
OY	1561	TTTAAGGCGACGGCGACAGAAAGACGACGCGACGTGATGTTGTGTCTTGATTAAGTCAAG	1620
Db	1551	TTTAAGGCGACGGCGACAGAAAGATGACGCGACGTGATGTTGTGTCTTGATTAAGTCAAG	1610
OY	1621	AGGTAACTCCCGGTTGCGGTCGTGTTAAACGGTGGAGGGCAGGTGATGTCGACACAGACTCG	1680
Db	1611	AGGTAACTCCCGTTCGCGTCTGCTTTAAACGGTGGAGGGCAGGTGATGTCGACACAGACTCG	1670
OY	1681	TTGCTGCGCGGCGCGCCACACAGACATAATAGCTGACAGACTACGGACTGTTCCTTTTCA	1740
Db	1671	TTGCTGCGCGCGCGCCACCAAAACATAATAGCTGACAGACTACGGACTGTTCCTTTTCA	1730
OY	1741	TGGGCTTTTCTGACAGTACACCGTCTTT	1767
Db	1731	TGGGCTTTTCTGACAGTACACCGTCTTT	1757

Page 11

Page 11

RESULT 9
US-08-760-615-7

; Patent No. 6200959
; GENERAL INFORMATION:
;

;
; APPLICANT: Haynes, Joel R
; APPLICANT: Schmaljohn, Connie S
; APPLICANT: Fuller, Deborah L
; APPLICANT: Schmaljohn, Alan
; APPLICANT: Schmaljohn, Deborah L

APPLICANT: JANILIND, Peter B
TITLE OF INVENTION: GENETIC INDUCTION OF ANTI-VIRAL IMMUNE
TITLE OF INVENTION: RESPONSE AND GENETIC VACCINE FOR FILOVIRUS
NUMBER OF SEQUENCES: 17
CORRESPONDENCE ADDRESS: 2

ADDRESS: Quarles & Brady
STREET: 1 South Pinckney Street
CITY: Madison
STATE: WI
COUNTRY: US

```

COUNT:  US
ZIP:  53703
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE:  Floppy disk
COMPILED:  IBM PC compatible

```

```

;
; COMPUTER: IBM PC COMPATIBLE
; OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
; SOFTWARE: PatentIn Release #1.0, Version #1.3C
; CURRENT APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: IIS/08/760 615

```

FILED DATE: 03/04/2006
CLASSIFICATION: 435
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Berenson, Bennett J

REGISTRATION NUMBER: 37094
REFERENCE/DOCKET NUMBER: 110229.912411
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: 608-251-5000

TELEFAX: 608-251-9166
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 7
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 4326 base pairs

```

; TYPE: nucleic acid
; STRANDEDNESS: double
; TOPOLOGY: circular
MOLECULE TYPE: other nucleic acid

```

```

;      DESCRIPTION: /desc = "Expression vector
;      DESCRIPTION: construct"
;      IMMEDIATE SOURCE:
;      CLONE: pwrG7077
;

```

```
;
; FEATURE:
; NAME/KEY: promoter
; LOCATION: 1250..2062
; FEATURE:
```

```

? NAME/KEY:   Intron
? LOCATION:  2063..2887
? OTHER INFORMATION: /function= "Human Cytomegalovirus
? OTHER INFORMATION:   Intron A"
?
? ENDING

```

```

FEATURE:
NAME/KEY: polyA site
LOCATION: 2912..3314
FEATURE:
NAME/KEY: CDS

```

NAME/ALI:	CDS
LOCATION:	complement (299..1114)
US-08-760-615-7	

Query Match	91.7%	Score 1620.6	DB 3	Length 4326
Best Local Similarity	99.1%	Pred. No. 0		
Matches 1629	Conservative	0	Mismatches 14	Indels 0
			Gaps	0

QY 243 ATCAATTACGGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATGAGATTTCGGGTTACATACCTTAC 302
|||||
Db 1375 ATCAATTACGGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATGAGATTTCGGGTTACATACCTTAC 143

QY 303 GGTAAATGGCCCGCTGGCTACGGCCAAAGAACCCCGCCATTGACGTAAATATGAC 362
|||||
1435 GGTAAATGGCCCGCTGGCTACGGCCAAAGAACCCCGCCATTGACGTAAATATGAC 149

QY 363 GATATGTCACATAGTAAGCAATAGGACCTTTCATTGACGTCATATGGGTGAGATTT 422
|||||
DB 1495 GATATGTCACATAGTAAGCAATAGGACCTTTCATTGACGTCATATGGGTGAGATTT 155

Dy 423 ACGGTAACCTGCCACTTGGCAGTATCAAGTGATCATGTCCAAAGTCGCCCCCTAT 482
Dd 1555 ACGGTAACCTGCCACTTGGCAGTATCAAGTGATCATGTCCAAAGTCGCCCCCTAT 161

OY 483 TGAAGTCATGACGGTTAAATGCCCGCCTGGCATTTATGCCAGTACATGACTTACGGGA 542
 |||||
Dδ 1615 TGACGTCAATGACGGTTAAATGCCCGCCTGGCATTTATGCCAGTACATGACTTACGGGA 167

Oy 543 CTTTCCTACTTGCGCAGTACATCTACGATTATGATCGCTATTACCATTGGTGATGGGGTT 602
Db 1675 CTTTCCTACTTGCGCAGTACATCTACGATTATGATCGCTATTACCATTGGTGATGGGGTT 173

Dy 603 TTGGCAGTACATCAATTGGGCGTGATACGGTTTGACTCACGGGGATTTCCAACTCTCA 662
Db 1735 TTGGCAGTACACCATTGGGCGTGATACGGTTTGACTCACGGGGATTTCCAAGTCTCCA 179

Qy 663 CCCCATGACGTCATATGGAGATTGTTTGGCACCAAAATCAACGGGACTTCCAAATG 722
|||||
Db 1795 CCCCATGACGTCATATGGAGATTGTTTGGCACCAAAATCAACGGGACTTCCAAATG 185

Dy 723 TCGTATTAACCCGCCCCGTTCAGCAAAATGGCGGTAGGCCTGTACGGTGGGAAGCTTA 782
|||||
Dd 1855 TCGTATTAAACCCGCCCGCTTGACGCAAAATGGCGGTAGGCCTGTACGGTGGGAAGCTTA 191

Dy 783 TATAACACAGCTCCTTTAGTGAACCGGCAATGCTGGGAGACGCATCCAGCGCTTT 842
 |||||
 Db 1915 TATAACACAGCTCCTTTAGTGAACCGGCAATGCTGGGAGACGCATCCAGCGCTTT 1977

O		863	TATCGGAGTAAATGGCCGCTTAACATCAAGCCTTTAATGCCCGCTTTTCATCTGTATTATCCATCAC	963
Dy	843	TGACTCTCATTAAGAACAACCGGGGACCGATCAGCCTCTCGGGGCGCGGGAAACGGTGCAATTGG	902	
Db	1975	TGACTCTCATTAAGAACAACCGGGGACCGATCAGCCTCTCGGGGCGCGGGAAACGGTGCAATTGG	203	

063 GCGGCGGATTTCCCGTGCACAGATGACGTAAAGTACCGCCTATGACTCTATATGGCACC 209

[illegible]

1083 CCACTCCCTATTGGGAGGATCTTCCATTCTAAICCAATACATGGCTTTTGGCAC 114

Oy	1143 AACTATCTTATTGGCTATATGCCAACTACTGTGTCCTTGACAGACTGACACGGACTCTGT 120
Db	2215 CCACTCCCTATTGGTGAAGATACTTTGCATTACTAATCATTAACATGGCTCTTTGGCAC 227

Db 2275 AACATCTCTATTGGCTATATGCCAATCTCTGTCCTTCAGACCTGACACGGACTCTGT 233

Db 2335 ATTTTAAAGAGATGGGGTCCCATTTATTTATTAACAATTCACATNTAGAACACGCCGTC 2394
QY 1263 CCCCCTGCCGCAATTTTATTTATTAACATAGCGTGGATCTCCACCGGAATCTCGGGTAGC 1322
Db 2395 CCCCCTGCCGCAATTTTATTTATTAACAATTCACATNTAGAACACGCCGTC 2454
QY 1332 TCTTCGCGACATGGGCTCTTCTCCGGTAGCGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGGTCC 1382
Db 2455 TCTTCGCGACATGGGCTCTTCTCCGGTAGCGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGGTCC 2514
QY 1383 CATGCTCCAGGACTCATGTGCTGCGAGCTCCTTCTCCACATAGAGGCGACA 1442
Db 2515 CATGCTCCAGGACTCATGTGCTGCGAGCTCCTTCTCCACATAGAGGCGACA 2574
QY 1443 CTTAGGACACAGCATGCTGCCACACCAACAGTGTGCGGACAGAGGCGCGGTAGGG 1502
Db 2575 CTTAGGACACAGCATGCTGCCACACCAACAGTGTGCGGACAGAGGCGCGGTAGGG 2634
QY 1503 TATGTGCTGAATAATAGCTCGGAGATCGGGGCTCGACGCGTGAAGAGAGACTT 1562
Db 2635 TATGTGCTGAATAATAGCTCGGAGATCGGGGCTCGACGCGTGAAGAGAGACTT 2694
QY 1563 AAGGACGCGGACAG 1622
Db 2695 AAGGACGCGGACAG 2754
QY 1623 GTAACCTCCGCTGCGTGTCTTAAAGTGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 1682
Db 2755 GTAACCTCCGCTGCGTGTCTTAAAGTGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 2814
QY 1683 GTGCGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGG 1742
Db 2815 GTGCGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGG 2874
QY 1743 GGTCTTTTCTGACGTACCGCTCC 1765
Db 2875 GGTCTTTTCTGACGTACCGCTCC 2897

RESULT 10
US-09-554-337-1
; Sequence 1, Application US/09554337
; Patent No. 6475780
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Partridge, Mark
; APPLICANT: Li, Xiaomao
; APPLICANT: Klein, Michel H.
; TITLE OF INVENTION: ALPHAVIRUS VECTORS FOR PARAMYXOVIRUS VACCINES
; FILE REFERENCE: 1038-1042 MIS
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/554,337
; CURRENT FILING DATE: 2000-10-20
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/065,791
; PRIOR FILING DATE: 1997-11-14
; PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/CA98/01064
; PRIOR FILING DATE: 1998-11-13
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 7
; SOFTWARE: Patent Ver. 2.1
; SEQ ID NO 1
; LENGTH: 15538
; TYPE: DNA
; ORGANISM: respiratory syncytial virus
US-09-554-337-1

Query Match 90.0%; Score 1590.6; DB 4; Length 15538;
Best Local Similarity 98.5%; Pred. No. 0;
Matches 1605; Conservative 0; Mismatches 24; Indels 0; Gaps 0;
QY 125 AATATGGCTATTTGGCATTTGATGCTTGTATCCGATCATATATATGATATATG 184
Db 234 AATATGGCTATTTGGCATTTGATGCTTGTATCCGATCATATATATGATATATG 293
QY 185 GCCATGTCCAAATATGACGCCCATGTTGACATGATATATGATATATATAT 244

Db 294 GCTCATGTCCAAATATGACGCCCATGTTGACATGATATATGATATATATAT 353
QY 245 CAATTTAGGGGCTCAATTTGCTATAGCCCATATATAGATTTCCGCTTACTTAC 304
Db 354 CAATTTAGGGGCTCAATTTGCTATAGCCCATATATAGATTTCCGCTTACTTAC 413
QY 305 TAAATGGCGGCGCTGGGCTGACCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGG 364
Db 414 TAAATGGCGGCGCTGGGCTGACCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGG 473
QY 365 ATGTTCCTATATAGTACCCCAATAGGACTTTCATAGCTATAGGAGTATTTAC 424
Db 474 ATGTTCCTATATAGTACCCCAATAGGACTTTCATAGCTATAGGAGTATTTAC 533
QY 425 GGTAACTGCGGCTTTGGGAGTATATATATATATATATATATATATATAT 484
Db 534 GGTAACTGCGGCTTTGGGAGTATATATATATATATATATATATATATAT 593
QY 485 ACGTCAATGACGGAATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 544
Db 594 ACGTCAATGACGGAATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 653
QY 545 TTCTCTATGACATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 604
Db 654 TTCTCTATGACATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 713
QY 605 GCGAGTACAT 664
Db 714 GCGAGTACAT 773
QY 665 CCATTTAGGCTATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 724
Db 774 CCATTTAGGCTATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 833
QY 725 GTAATACCCCGGCTGTGACGCAATGGGCGGTGACGCTGTATAGGAGGCTATA 784
Db 834 GTAATACCCCGGCTGTGACGCAATGGGCGGTGACGCTGTATAGGAGGCTATA 893
QY 785 TAAAGAGAGCTGTTTATATATATATATATATATATATATATATATATAT 844
Db 894 TAAAGAGAGCTGTTTATATATATATATATATATATATATATATATATAT 953
QY 845 ACCTCCATAGAGACACCGGAGCCGATCCAGCTCCGCGGCGGAGAGCGGCTTGA 904
Db 954 ACCTCCATAGAGACACCGGAGCCGATCCAGCTCCGCGGCGGAGAGCGGCTTGA 1013
QY 905 CGCGGATTCGCGGCGGAGAGAGTACGTAAGTACCGCTATAGACTATAGGACAC 964
Db 1014 CGCGGATTCGCGGCGGAGAGAGTACGTAAGTACCGCTATAGACTATAGGACAC 1073
QY 965 CTTTGGCTCTTATGATGCTATATATATATATATATATATATATATATAT 1024
Db 1074 CTTTGGCTCTTATGATGCTATATATATATATATATATATATATATATAT 1133
QY 1025 TATGCTATAGGATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 1084
Db 1134 TATGCTATAGGATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 1193
QY 1085 ACTCCGCTATGAGAGATATATATATATATATATATATATATATATATAT 1144
Db 1194 ACTCCGCTATGAGAGATATATATATATATATATATATATATATATATAT 1253
QY 1145 CTATCTATATGCTATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 1204
Db 1254 CTATCTATATGCTATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 1313
QY 1205 TTTTAAAGGATGGGCTCCATTTATTTTAAATATATATATATATATATATAT 1264
Db 1314 TTTTAAAGGATGGGCTCCATTTATTTTAAATATATATATATATATATATAT 1373
QY 1265 CCGTCCCGGAGTTTATTTTAAATATATATATATATATATATATATATATAT 1324

Db	1317	ACCCCTTGGCTTCTATGACATGCATCTGTTTTTGACTTGGGCTCATACCCCCG	1376
OY	1020	TTCCTTATGCTAATAGGTGATGGTATAGCTTAATAGGCGTGGGTTATTGACCAATTAT	1079
Db	1377	TTCCCTCATGTTAAVGGTATGGTATAGCTTAAGCTTAATAGGTGGTATTATGACCAATTAT	1436
OY	1080	TGACCACTCCCCCTAATGGGTGAAGCACTTTCATCACTAATCAATCAATAGGCTCTTGGC	1139
Db	1437	TGACCACCTCCCCCTAATGGTGAAGCACTTTCATCACTAATCAATCAATAGGCTCTTGGC	1496
OY	1140	CACAACCTATCTATTTGGCTATATGSCAAATACCTGTCTCTCAGAGACTGACAGGACTC	1199
Db	1497	CACAACCTCTCTTATTTGGCTATATGSCAAATACCTGTCTCTCAGAGACTGACAGGACTC	1556
OY	1200	TGTAATTTTACAGATGGGGTCCCAATTTATATTACAAATTCACATATACAAAGAGCC	1259
Db	1557	TGTAATTTTACAGATGGGGTCCCAATTTATATTATTAACAAATTCACATATACAAAGAGCC	1616
OY	1260	GTCCCCCGTGGCCCGCACTTTTATTTAAACATAGCTGGGATCTCCAGCGCAATCTCGGCT	1319
Db	1617	GTCCCCCAATGGCCCGCACTTTTATTTAAACATAGCTGGGATCTCCAGCGCAATCTCGGCT	1676
OY	1320	ACGTGTTCCGAGACATGGGCTCTCTCCGATAGCGGTGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGG	1379
Db	1677	ACGTGTTCCGAGACATGGGCTCTCTCCGATAGCGGTGGGGCTTCCACATCCGAGCCCTGGC	1736
OY	1380	TCCCATGCTTCAGAGACTCATAGTGTGCTGCGAGACTCTTGTCTCCAAAGTGGAGGCC	1439
Db	1737	TCCCATGCTTCAGAGACTCATAGTGTGCTGCGAGACTCTTGTCTCCAAAGTGGAGGCC	1796
OY	1440	AGACTTAAAGCACAGACGATGCCACCAACCAACAGTGTGCCGACAAAGGCCGTGGCGGTA	1499
Db	1797	AGACTTAAAGCACAGACGATGCCACCAACCAACAGTGTGCCGACAAAGGCCGTGGCGGTA	1856
OY	1500	GGGATATGTGTGAATAATGAGCTCGGGAATGGGGGTGGCACCGCTGAACGCGAGATGGAAGA	1559
Db	1857	GGGATATGTGTGAATAATGAGCTCGGGAATGGGGGTGGCACCGCTGGAGCGATTTGGAGA	1916
OY	1560	CTTAAGCGAGCGGACGAAGAAGACGACGAGGACGTGATGTTGTGTCTCTGAATAGATCA	1619
Db	1917	CTTAAGCGAGCGGACGAAGAAGATGCGAGGACGTGATGTTGTGTCTCTGAATAGATCA	1976
OY	1620	GAGGTAATCCCGTTCGCGTCTGTGAACGGTGAAGGGCAGTGAATGTGAGCAGTACTC	1679
Db	1977	GAGGTAATCCCGTTCGCGTCTGTGAACGGTGAAGGGCAGTGAATGTGAGCAGTACTC	2036
OY	1680	GTTCTGCGCGGGCGGCCACCAAGACATTAATAGCTGACAGACTAACGGACTGTCTCTTCC	1739
Db	2037	GTTCTGCGCGGGCGGCCACCAAGACATTAATAGCTGACAGACTAACGGACTGTCTCTTCC	2096
OY	1740	ATGGGATCTTTTCTGAGATCACGATCCTT 1767	
Db	2097	ATGGGATCTTTTCTGAGATCACGATCCTT 2124	

RESULT 3				
HS5MIEP				
LOCUS	HS5MIEP	2361 bp	DNA	linear
DEFINITION	Human cytomegalovirus major immediate-early protein gene, 5' end.			
ACCESSION	M60321			
VERSION	M60321.1	GI:330624		
KEYWORDS	immediate-early protein.			
SOURCE	Human herpesvirus 5			
ORGANISM	Human herpesvirus 5			
	Viruses; dsDNA viruses, no RNA stage; Herpesviridae; Betaherpesvirinae; Cytomegalovirus.			
REFERENCE	1 (bases 1 to 2361)			
AUTHORS	Chapman,B.S., Thayer,R.M., Vincent,K.A. and Haiswood,N.L.			
TITLE	Effect of intron A from human cytomegalovirus (Towne) immediate early gene on heterologous expression in mammalian cells			
JOURNAL	Nucleic Acids Res. 19, 3937-3986 (1991)			
COMMENT	Original source text: Human cytomegalovirus DNA.			

FEATURES	Location/Qualifiers
source	1..2361
	/organism="Human herpesvirus 5"
	/mol_type="genomic DNA"
	/db_xref="taxon:10359"
repeat_unit	119..148
	/rpt_family="inverted repeat"
repeat_unit	183..211
	/rpt_family="inverted repeat"
enhancer	534..1081
CAAT_signal	1082..1086
TATA_signal	1115..1120
join(1144..1264,2089..2176,2289..2361)	
exon	1144..1264
	/number=1
intron	1265..2088
	/number=1
exon	2089..2176
	/number=2
CDS	join(2106..2176,2289..2361)
	/partial
	/note="68-72 kDa major immediate-early protein"
	/codon_start=1
	/protein_id="AA45982.1"
	/db_xref="GI:330625"
	/translation="MESSAKRKMDDPNDEGPSSKVPREPTVTKATFLQTHLRKEV NSGL"
intron	2177..2288
	/number=2
exon	2289..2361
	/number=3
BASE COUNT	571 a 574 g 649 t
Query Match	95.9%; Score 1694.8; DB 3; Length 2361;
Best Local Similarity	98.8%; Pred. No. 0;
Matches 1747; Conservative	0; Mismatches 17; Indels 4; Gaps 4;
OY	1 ATATGAGCATATTCGCCGATAGAGGCGCATGACGAGCGGCACATGGCCATGATATCG 60
Db	335 ATATGAGCATATTCGCCGATAGAGGCGCATGACGAGCGGCACATGGCCATGATATCG 394
OY	61 ATCTATCATTTGATCAATCAATTTGGCAATTAGCCATTTATTCTGGTTATATAGATAA 120
Db	395 ATCTATCATTTGATCAATCAATTTGGCAATTAGCCATTTATTCTGGTTATATAGATAA 454
OY	121 ATCAATTTGGCATTTGGCCCATTTGCATGACGTTGATCCGATCATATATGATACATTAT 180
Db	455 ATCAATTTGGCATTTGGCCCATTTGCATGACGTTGATCCGATCATATATGATACATTAT 514
OY	181 ATTGGCCCATGTCCAATATAGCCGCATGTTGACATGATTTATTTAGTATTTAATAG 240
Db	515 ATTGGCCCATGTCCAATATAGCCGCATGTTGACATGATTTATTTAGTATTTAATAG 574
OY	241 TAATCAATTAGCGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATATAGAGTTCCGCGTTACATAACT 300
Db	575 TAATCAATTAGCGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATATAGAGTTCCGCGTTACATAACT 634
OY	301 ACGGTAATATGGCCCGCTGCTGACGCCGCCAAGACCCCCGCCCATGAGTCAATATAG 360
Db	635 ACGGTAATATGGCCCGCTGCTGACGCCGCCAAGACCCCCGCCCATGAGTCAATATAG 693
OY	361 ACGTATTTCCCATAGTAAGCAATATAGGAGCTTTCCATTTAGAGTCAATGGTGGAGTAT 420
Db	694 ACGTATTTCCCATAGTAAGCAATATAGGAGCTTTCCATTTAGAGTCAATGGTGGAGTAT 753
OY	421 TTACGGTAAATCGCCCATTTGGCAGTACATCAAGTGTATATATGCCAAGTCC-GCCCC 479
Db	754 TTACGGTAAATCGCCCATTTGGCAGTACATCAAGTGTATATATGCCAAGTCCGCCCC 813
OY	480 TATTGACGTAATAGAGGGTAAATAGCCCGCTGCGCATAGCCCAAGTACATGACTTACG 539
Db	814 TATTGACGTAATAGAGGGTAAATAGCCCGCTGCGCATATAGCCCAAGTACATGACTTACG 873

QY 540 GACATTTCTTACTTGGAGTACATCTACGATTAAGATCGGTATTACCATGGTATGG 599
 Db 874 GACATTTCTTACTTGGAGTACATCTACGATTAAGATCGGTATTACCATGGTATGG 933
 QY 600 GTTTTGGAGTACATCTACGATTAAGATCGGTATTACCATGGTATGG 659
 Db 934 GTTTTGGAGTACATCTACGATTAAGATCGGTATTACCATGGTATGG 993
 QY 660 CCACCCCATTTGAGTACATCTACGATTAAGATCGGTATTACCATGGTATGG 719
 Db 994 CCACCCCATTTGAGTACATCTACGATTAAGATCGGTATTACCATGGTATGG 1053
 QY 720 ATGTCGTAATAACCCCGCCCGCTTGAAGCAATGGCGGTAGCGGTGTAACGTTGGAGGT 779
 Db 1054 ATGTCGTAATAACCCCGCCCGCTTGAAGCAATGGCGGTAGCGGTGTAACGTTGGAGGT 1113
 QY 780 CTATATAGAGAGAGCTGTTTATGTAACCTGATCGCTGAGACGCCATCCAGCTG 839
 Db 1114 CTATATAGAGAGAGCTGTTTATGTAACCTGATCGCTGAGACGCCATCCAGCTG 1173
 QY 840 TTTTGAACCTTCCATAGAGAGAGCTGTTTATGTAACCTGATCGCTGAGACGCCATCCAGCTG 899
 Db 1174 TTTTGAACCTTCCATAGAGAGAGCTGTTTATGTAACCTGATCGCTGAGACGCCATCCAGCTG 1233
 QY 900 TGGAAAGCGAGATTTCCCGTCCAGAGATGACGTAAGTACCGCTATAGACTATAGGCA 959
 Db 1234 TGGAAAGCGAGATTTCCCGTCCAGAGATGACGTAAGTACCGCTATAGACTATAGGCA 1293
 QY 960 CACCCCTTTGGCTTTATGATGATCTATCTGTTTGGCTTTGGGCTTTATACCCCGCC 1019
 Db 1294 CACCCCTTTGGCTTTATGATGATCTATCTGTTTGGCTTTGGGCTTTATACCCCGCC 1353
 QY 1020 TTTCTTATGCTATAGGTAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1079
 Db 1354 TTTCTTATGCTATAGGTAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1412
 QY 1080 TGACCACTCCCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1139
 Db 1413 TGACCACTCCCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1472
 QY 1140 CACCACTATCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1199
 Db 1473 CACCACTATCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1532
 QY 1200 TGATTTTAAAGAGATGGGGTCCATTTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1259
 Db 1533 TGATTTTAAAGAGATGGGGTCCATTTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1592
 QY 1260 GTTCCCGTCCGAGATTTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1319
 Db 1593 GTTCCCGTCCGAGATTTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1652
 QY 1320 ACGTGTTCGGAGATGGGCTCTTCTCCGGTACGCGTGGGCTTCAATCCGAGCCCTGG 1379
 Db 1653 ACGTGTTCGGAGATGGGCTCTTCTCCGGTACGCGTGGGCTTCAATCCGAGCCCTGG 1712
 QY 1380 TCCCATGCTCCGAGATCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1439
 Db 1713 TCCCATGCTCCGAGATCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1772
 QY 1440 AGACTTAGGAGAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1499
 Db 1773 AGACTTAGGAGAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1832
 QY 1500 GGGTATGTCTGAAAAATGAGCTCGAGATCGGCTTCAATCCGAGCCCTGG 1559
 Db 1833 GGGTATGTCTGAAAAATGAGCTCGAGATCGGCTTCAATCCGAGCCCTGG 1891
 QY 1560 CTTAAGGAG 1619
 Db 1892 CTTAAGGAG 1951
 QY 1620 GAGTAATCTCCGTTGGGTGCTTTAAACGTTGAGAGGAGTGTAGTCTGAGCAGTATCTC 1679

Db 1952 GAGTAATCTCCGTTGGGTGCTTTAAACGTTGAGAGGAGTGTAGTCTGAGCAGTATCTC 2011
 QY 1880 GTTCTGCGGCGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGG 1739
 Db 2012 GTTCTGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGG 2071
 QY 1740 ATGGGTCTTTCTGCACTCAACCGTCTT 1767
 Db 2072 ATGGGTCTTTCTGCACTCAACCGTCTT 2099

Search completed: January 29, 2004, 09:40:08
 Job time : 6 secs

